

**Series: Producción Animal  
Comunicaciones Técnicas  
ISSN 1667-4014**

**COMUNICACION TECNICA Nº646**

**AREA PRODUCCIÓN ANIMAL**

**Protocolo de PCR para la detección de  
*Brucella ovis*, *Histophilus somni* y  
*Actinobacillus seminis***

**Dra. Lucía Paula Alvarez  
MV, MSc Carlos Alejandro Robles  
2016**

**Ediciones**  
**Ediciones**

Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria Centro  
Regional Patagonia Norte  
Estación Experimental Agropecuaria Bariloche. "Dr. Grenville Morris"



# **Protocolo de PCR para la detección de *Brucella ovis*, *Histophilus somni* y *Actinobacillus seminis***

Dra. Lucía Paula Alvarez  
MV, MSc Carlos Alejandro Robles  
Grupo de Salud Animal – INTA  
CC: 277 (8400) Bariloche  
e-mail: [alvarez.lucia@inta.gob.ar](mailto:alvarez.lucia@inta.gob.ar)  
e-mail: robles.carlos@inta.gob.ar

Adaptado de

Primers utilizados correspondientes al gen BOV\_A0500 de *B. ovis*, tomados de: Tsolis, R.M., Seshadri, R., Santos, R.L., Sangari, F.J., Lobo, J.M., de Jong, M.F., Ren, Q., Myers, G., Brinkac, L.M., Nelson, W.C., Deboy, R.T., Angiuoli, S., Khouri, H., Dimitrov, G., Robinson, J.R., Mulligan, S., Walker, R.L., Elzer, P.E., Hassan, K.A., Paulsen, I.T., 2009. Genome degradation in *Brucella ovis* corresponds with narrowing of its host range and tissue tropism. PLoS One. 4, e5519.

Primers utilizados correspondientes a *H. somni* y *A. seminis* tomados de: Moustacas, V.S., Silva, T.M., Costa, L.F., Xavier, M.N., Carvalho, C.A., Jr., Costa, E.A., Paixao, T.A., Santos, R.L., 2013. Species-specific multiplex PCR for the diagnosis of *Brucella ovis*, *Actinobacillus seminis*, and *Histophilus somni* infection in rams. BMC Vet Res. 9, 51.

A0500 Fw: 5'-TGGTATCTTCAGCCGTTCCAAG-3'

A0500 Rv: 5'-ATCTTGCCCCGTTCAAGTCG-3'

*H. somni* Fw: 5'-GAAGGCGATTAGTTAACAGAG-3'

*H. somni* Rv: 5'-ACTCGAGCGTCAGTATCTTC-3'

*A. seminis* Fw: 5'-CTTATCTTCTTAAGCCCTGAC-3'

*A. seminis* Rv: 5'-AAGAAAAAGACGAAGAGACATT-3'

PCR adaptada de Moustacas, V.S., Silva, T.M., Costa, L.F., Xavier, M.N., Carvalho, C.A., Jr., Costa, E.A., Paixao, T.A., Santos, R.L., 2013. Species-specific multiplex PCR for the diagnosis of *Brucella ovis*, *Actinobacillus seminis*, and *Histophilus somni* infection in rams. BMC Vet Res. 9, 51.

La mezcla de reacción contiene 200 µM de cada dNTP, 0.8 µM de cada primer, 2 mM de Mg<sup>2+</sup>, 1.25 U de Taq ADN polimerasa y 100 ng de ADN en un volumen final de 25 µL.

	<b><math>\mu</math>l/tubo</b>		
Primer F (25mM)	0.8		
Primer F (25mM)	0.8		
Primer F (25mM)	0.8		
Primer F (25mM)	0.8		
Primer F (25mM)	0.8	MIX 24 $\mu$ l	<b><u>ciclo</u></b>
Primer R (25mM)	0.8	ADN 1 $\mu$ l	95 °C 2 min
dNTPs (10mM)	0.5		95 °C 30 seg
Buffer (5X)	2.5		55 °C 30 seg
Mg++ (50mM)	1		72 °C 1 min
H2O	15		72 °C 6 min
Taq pol (5U/ml)	0.25		
Total	24		

**Nota: Si Ud. usa este protocolo, no olvide citarlo en la bibliografía de la siguiente manera:**  
 Alvarez, L. P.; Robles, C.A. - Protocolo de PCR para la detección de *Brucella ovis*, *Histophilus somni* y *Actinobacillus seminis*. Comunicación Técnica, Área Producción Animal, INTA Bariloche, ISSN 1667-4006.