**Tabla 1:** Estadísticas generales del ensamblado parcial *Dalbulus maidis* v0.1 INTA

|  |  |
| --- | --- |
| **Parámetro** |  **Dalbulus\_CIAPv0.1** |
| **contigs** | 22.107 |
| **Total lenght** | 584.127.104 |
| **Largest contig** | 813.079 |
| **N50** | 50.543 |
| **N90** | 11.594 |
| **GC%** | 34.78% |
| **Ns per 100kbp** | 0 |
| **BUSCO** | 68.6% |

**Figura 1**. Valores de análisis BUSCO (mode genome) del ensamblado parcial *Dalbulus maidis* v0.1 INTA cuando se utilizó el linaje insecta\_odb10 (number of genomes: 75, number of BUSCOs: 1367)

