

PRIMER REPORTE DE ADN PROVIRAL DEL VIRUS DE LA LEUCOSIS BOVINA DETECTADO EN CARNE DESTINADA A CONSUMO EN ARGENTINA

Porta NG¹, Ruiz V¹

¹ Laboratorio de Virus Adventicios, Instituto de Virología e Innovaciones Tecnológicas (IVIT), INTA-CONICET, Castelar, Buenos Aires, Argentina.
porta.natalia@inta.gob.ar

Introducción

Virus de la leucosis bovina (BLV)

- Familia: *Retroviridae*, Genero: *Deltaretrovirus*, Genoma: ssRNA +
- Agente causal de la Leucosis bovina enzoótica.
- Prevalencia predial:
 - Tambos: 80-99%
 - Establecimientos de producción de carne: 71%
- Se demostró la presencia de ADN proviral de BLV en leche y calostro de vacas infectadas y en leche de venta al público.
- Colombia: se detectó de ADN proviral en muestras de carne de carnicerías.
- Si el BLV se transmitiera a humanos no se conoce la vía de transmisión:
 - ¿Consumo de leche no pasteurizada o carne mal cocida?
 - ¿Transmisión de humano a humano tras un primer contagio cuando la pasteurización no era una práctica habitual?

Objetivo

Detectar ADN proviral de BLV en cortes de carne cruda bovina obtenida de carnicerías de la provincia de Buenos Aires y caracterizarlo filogenéticamente

Materiales y métodos

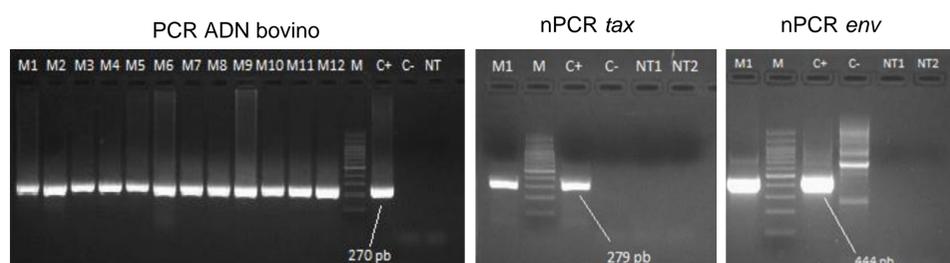
- 12 carnicerías (6 en CABA; 6 en Pcia. Bs. As)
- 4 cortes de carne (seleccionados por presentar mayor carga proviral de BLV en un estudio realizado en nuestro laboratorio)
 - Vísceras: Hígado y riñón
 - Tejido muscular: Paleta y nalga
- Extracción de ADN (*High Pure PCR Template Preparation Kit*, Roche, Alemania)
- Integridad ADN: PCR gen constitutivo (ADN ribosomal bovino: 270 pb)
- Detección de provirus
 - *Nested PCR tax* – 279 pb del gen *tax*
 - *Nested PCR env* – 444 pb del gen *env*
- Secuenciación de productos de *nested PCR env*
- Comparación de secuencias obtenidas con secuencias representativas de los 11 genotipos de BLV usando *blast* (*Basic Local Alignment Search Tool*).

Resultados

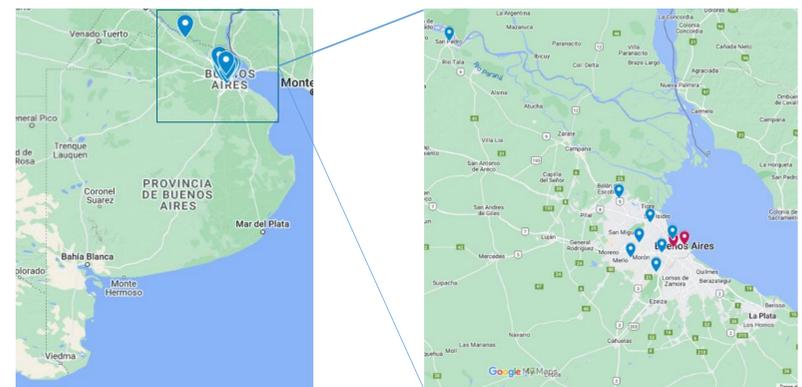
Hasta el momento se analizaron 41 muestras (según disponibilidad) provenientes de 11 carnicerías (5 de CABA y 6 de la Provincia de Bs. As.)

• 3 muestras (2 de riñón y 1 de nalga) positivas para *tax* (provenientes de CABA)

- De estas 3 muestras, 1 muestra (riñón) positiva para *env*.



M: 100 Marker, C+: Control positivo. C-: Control negativo. NT: No templado



Distribución geográfica de las carnicerías muestreadas en la provincia de Buenos Aires. En rojo se marcan las 3 carnicerías con muestras positivas.

La secuencia de *env* obtenida de la muestra de riñón se comparó utilizando *blast* y se obtuvo un 91% de identidad con el genotipo 2.

Conclusión

- Se demostró la presencia de ADN proviral de BLV en cortes de carne destinados a consumo humano.
- Se prevé aumentar el número de cortes analizados y ampliar el área geográfica estudiada ya que, en la provincia de Buenos Aires, la mayoría de las muestras eran provenientes del área metropolitana.
- Finalmente, sería de importancia analizar la infectividad del ADN proviral detectado en las muestras para evaluar el riesgo eventual de este hallazgo.