

Ocurrencia de *Fusarium proliferatum* causando marchitez de plantas de garbanzo en Tucumán, Argentina

LIMA, Nelson Bernardi^{1, 2}; CROCIARA, Clara^{1, 2}; FEKETE, Ana³; MAGGIO, María Elisa³; CONFORTO, Cinthia^{1, 2}; VALETTI, Lucio^{1, 2}; PASTOR, Silvina^{1, 2}

¹ CONICET-Unidad de Unidad de Fitopatología y Modelización Agrícola-UFYMA, Córdoba, C.P. X5020, Argentina.

² Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria-INTA, Centro de Investigaciones Agropecuarias-CIAP, Instituto de Patología Vegetal-IPAVE. Córdoba, C.P. X5020, Argentina.

³ Estación Experimental-INTA. Salta, C.P. A4403, Argentina.

Introducción

En los últimos años, en Argentina, las exportaciones de garbanzo (*Cicer arietinum*) verificaron un incremento, pasando de un volumen promedio de 16.000 toneladas en la campaña 2009/2010 a un valor récord de 166.700 toneladas en el año 2017. Sin embargo, la producción puede ser afectada por numerosos factores, destacándose entre estos las enfermedades. La marchitez causada por especies del género *Fusarium*, se ha convertido en una de las enfermedades más importantes. **El objetivo** de este trabajo fue identificar los agentes causales de la marchitez del garbanzo en plantas sintomáticas detectadas en lotes comerciales ubicados en Garmendia, provincia de Tucumán.

Materiales y métodos

Para el aislamiento del patógeno, fragmentos longitudinales extraídos de la zona del cuello de raíz, fueron desinfectados superficialmente y transferidos a medio de cultivo agar papa glucosado (APG) e incubados a 25°C bajo alternancia de luz/oscuridad (12 h). A partir de los aislamientos monospóricos de *Fusarium* spp así obtenidos, se realizó la caracterización molecular mediante la extracción de ADN, empleando kits comerciales, y amplificación por PCR del gen RPB2 para su posterior secuenciación.

Resultados y conclusiones

Por análisis Bayesiano de inferencia filogenética, se identificó la especie *Fusarium proliferatum* (Fig. 1) correspondiente al complejo *Fusarium fujikuroi*. Hasta el momento, solo fueron reportadas especies del complejo *Fusarium oxysporum* relacionadas a la marchitez del garbanzo. Si bien se continúa con los estudios de este patosistema y sus agentes causales, este es el primer reporte que asocia *Fusarium proliferatum* al cultivo de garbanzo en el mundo, permitiendo un avance en el conocimiento de la etiología de esta enfermedad causada por el género *Fusarium* en Argentina, información esencial para una correcta selección de prácticas de manejo dirigidas a su control.

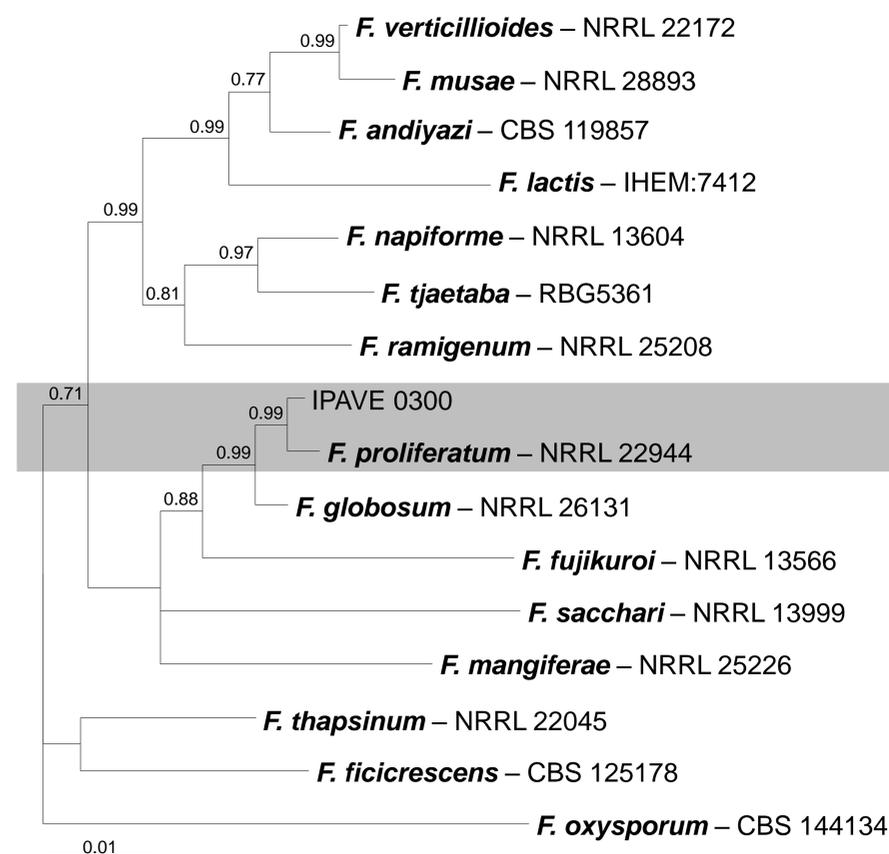


Fig. 1 - Árbol de inferencia bayesiana obtenido de datos de secuencias correspondientes al gen RPB2. El análisis muestra las relaciones filogenéticas de las especies del complejo *Fusarium fujikuroi*. Los valores de probabilidad posterior superiores a 0.70 se muestran en los nodos. Las especies tipo son marcadas en negrita. La escala indica el número de cambios esperados por sitio.