

Identificación de genes candidatos asociados a la resistencia a podredumbre de espiga de maíz

Andrea Peñas Ballesteros | CITNOBA-INTA-UNNOBA
Agustín Ariel Baricalla | CITNOBA-UNNOBA
Maria Laura Federico | INTA-CONICET
Juliana Iglesias | INTA-UNNOBA

VIII Jornadas Jóvenes Investigadores UNNOBA, Pergamino, 28 de septiembre 2023



C I T N O B A

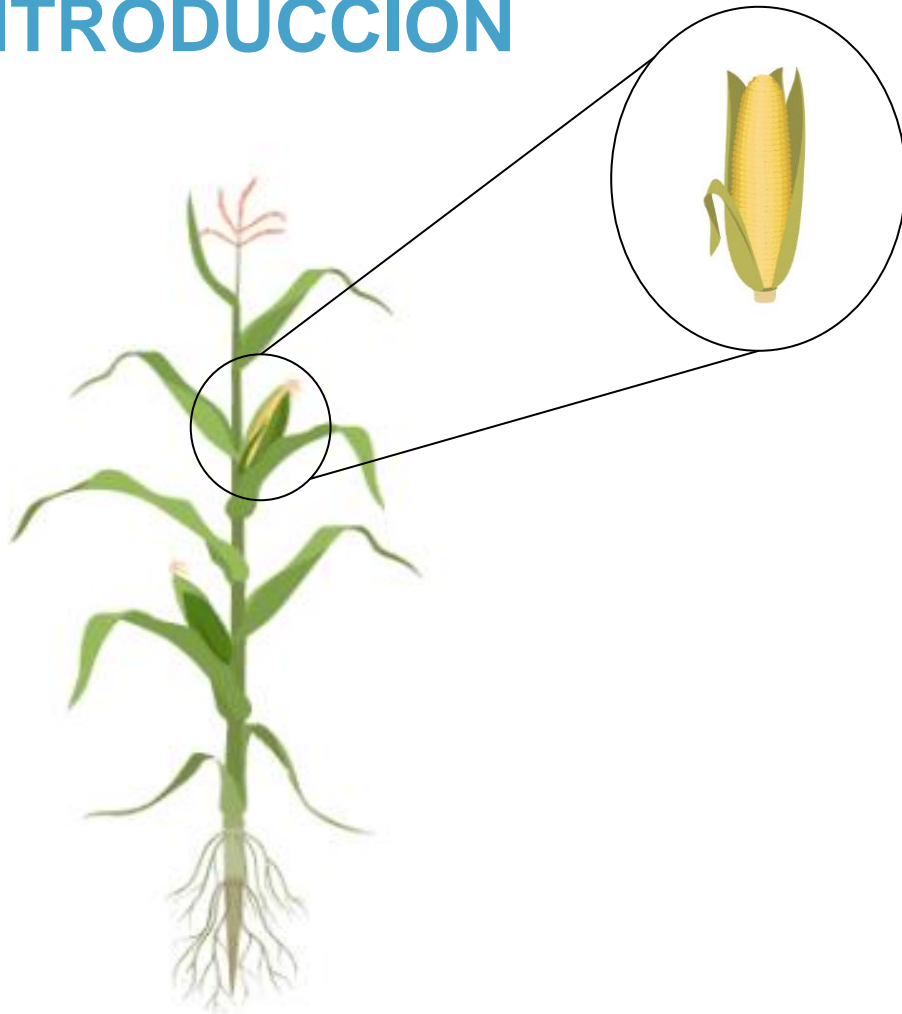


Instituto Nacional de
Tecnología Agropecuaria
Argentina

UNNOBA



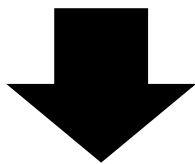
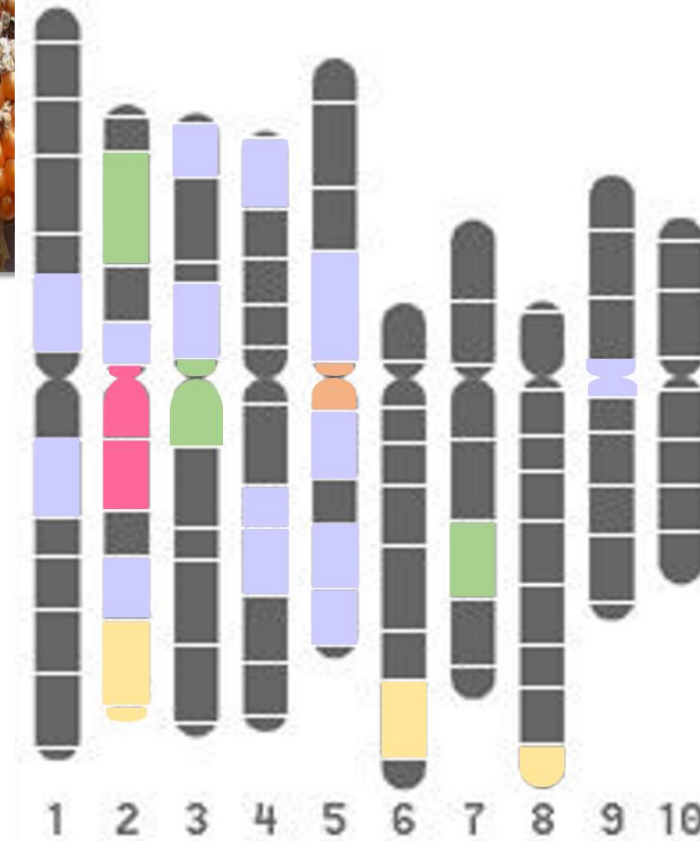
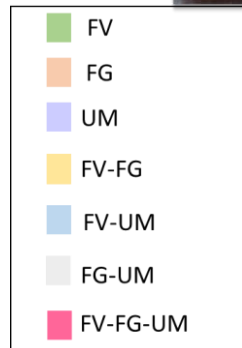
INTRODUCCIÓN



Fusarium verticillioides

Fusarium graminearum

Ustilago maydis



Rendimiento y calidad de los granos

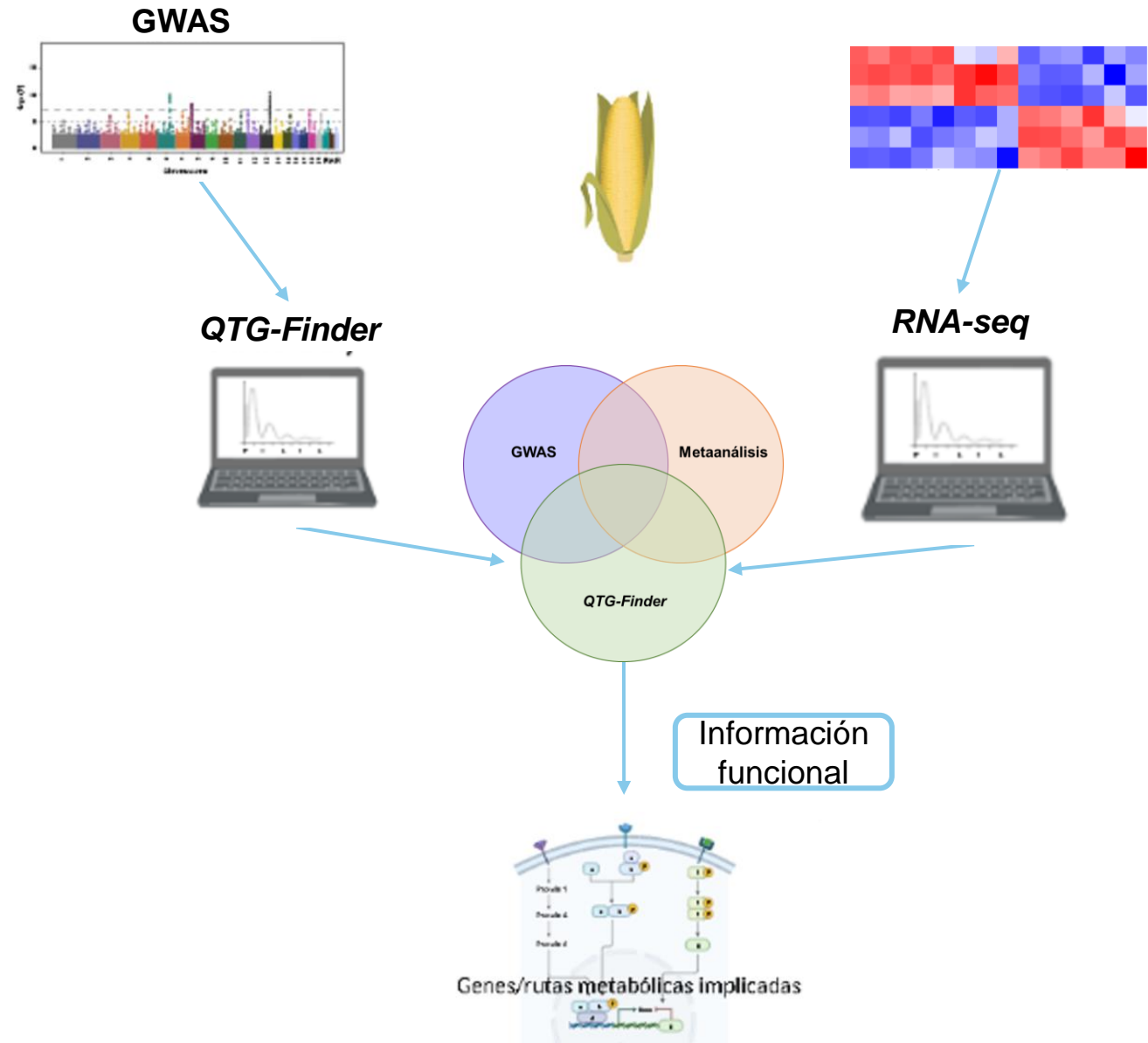
OBJETIVO

La **priorización de un set de genes candidatos** en una región del **cromosoma 2** asociada a **resistencia múltiple a podredumbres de espiga**

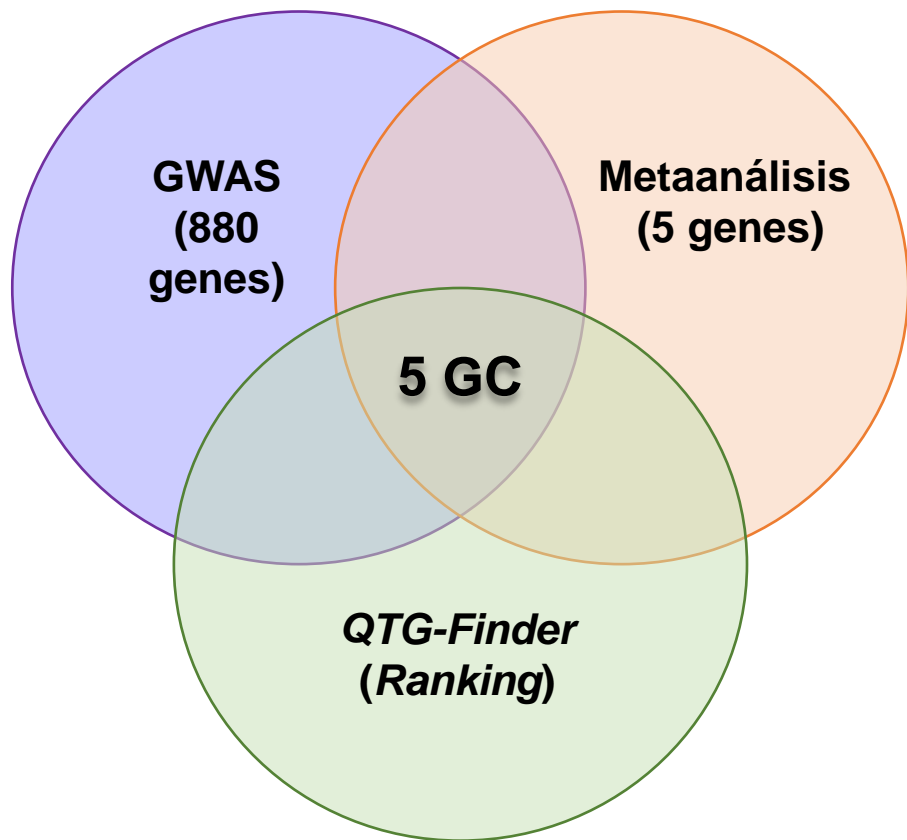
- Estudio de asociación a genoma completo (GWAS)
- Algoritmo de aprendizaje automático (*QTG-Finder*)
- Datos transcriptómicos
- Información funcional de genes



MATERIALES Y MÉTODOS



RESULTADOS



Identificador	Posición en ranking	Puntaje
Zm00001eb093560	3	0,659454
Zm00001eb093580	185	0,2127936
Zm00001eb099760	430	0,0680975
Zm00001eb094550	667	0,0072409
Zm00001eb099740	734	0,000771



- Wri1***
- Mate18***
- H(+)-exporting diphosphatase***
- downy mildew-related gene***
- Ubiquitin carrier protein 7***

Los cinco GC se posicionan como candidatos prometedores para futuras validaciones en estudios funcionales



Nicolas Pinardi
Yamila Sleiman
Daiana del Dago
Manuela Carrere Gómez
Agustín Baricalla
María Laura Federico
Juliana Iglesias

¡Muchas Gracias!

Andrea Peñas Ballesteros

apenasballesteros@comunidad.unnoba.edu.ar



unnoba.edu.ar

Inclusión y calidad para el desarrollo regional