

Mejoramiento genético del cultivo de batata

Obtención y evaluación de nuevas variedades

Martín Ferrari

Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria (INTA). Estación Experimental Agropecuaria San Pedro; Argentina
ferrari.martin@inta.gob.ar



Integrantes del equipo de trabajo

- Martín Ferrari; Mariel Mitidieri¹; Gonzalo Segade¹; Graciela Corbino¹; Julieta Gabilondo¹; Claudio Budde¹

Proyectos

- I509 - Mejoramiento genético hortícolas uso semi-extensivo

Reseña

1. Problema. La existencia de un programa de mejoramiento surge de la necesidad de obtener nuevas variedades de batata cuyas características nutricionales, organolépticas y de procesamiento se ajusten a las exigencias actuales de mercado interno, externo y a las demandas de la industria. A la vez existe una necesidad constante de obtener variedades de batata con tolerancia y/o resistencia a factores abióticos o bióticos adversos y adaptados a diversas zonas de producción. Dentro de las oportunidades están el crecimiento del mercado de productos saludables que demanda alimentos nutritivos funcionales e inocuos y la posibilidad de participación en el mercado internacional de batata. El programa busca resolver problemas como la baja disponibilidad de variedades con características superiores respecto a las

¹ Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria (INTA). Estación Experimental Agropecuaria San Pedro; Argentina

vigentes y las elevadas pérdidas poscosecha ocasionadas por patógenos del suelo. De este modo se busca aumentar la superficie implantada con nuevos cultivares adaptados y con características superiores que permitan aumentar los rendimientos en las distintas zonas productivas debido a su implementación.

2. Estrategia. Se cuenta con una parcela de policruzamiento en la que 30 genotipos, repetidos 4 veces y son ubicados al azar dentro de un invernáculo injertados sobre *Ipomoea carnea* ssp. *fistulosa*. La polinización es libre por insectos y la cosecha de semillas se hace identificando el progenitor femenino. Se seleccionan semillas al azar, se escarifican y se obtienen plantines (5000 a 6000). Plantados a 40 cm dentro de los surcos, identificando su parental femenino, se seleccionan directamente sobre los mismos a la cosecha. La etapa de multiplicación de materiales seleccionados el año anterior comprende 20 plantines por genotipo seleccionado, a 30 cm entre plantas y 1m entre surcos. El objetivo es tener una pre-evaluación y material suficiente para ser incluidos en el próximo ensayo comparativo de rendimiento (ECR) en DBCA, 32 genotipos, 3 repeticiones (3 bloques). 30 cm entre plantas y 1m entre surcos. Cultivares como Arapey, Beauregard y Boni INTA son utilizados como testigos. Se lleva a cabo una jornada de selección participativa en la cual se realiza una degustación de variedades con rendimientos superiores seleccionados dentro del programa.

3. Resultados y conclusiones. El programa cuenta con clones avanzados con potencial de convertirse en nuevos cultivares y/o progenitores. San Pedro ha logrado conformar un grupo de trabajo interdisciplinario que complementa la caracterización y evaluación de nuevos clones. Dentro de los materiales avanzados se encuentra un genotipo que espera pronto poder inscribirse en el Registro Nacional de Cultivares del INASE.

Palabras clave

Ipomoea, Genética, Cultivares, Clones

[al índice](#)