

## Líneas R de girasol y su comportamiento frente a un nuevo test de inoculación con *Phomopsis helianthi* en capítulos

<sup>1,3</sup>Dinon, María Anabella; <sup>1,3</sup>Delgado, Santiago; <sup>1,3</sup>Castaño, Fernando; <sup>1,2</sup>Trogia, Carolina.

<sup>1</sup>Facultad de Ciencias Agrarias-UNMdP, <sup>2</sup>EEA-INTA,

<sup>3</sup>Unidad Integrada Balcarce, Argentina.

E-mail: [mdinon@mdp.edu.ar](mailto:mdinon@mdp.edu.ar)

### INTRODUCCIÓN

El objetivo de este trabajo fue evaluar la respuesta a las inoculaciones con *Phomopsis helianthi* en capítulos de 8 líneas R de girasol (del programa de mejoramiento local) y de los cultivares Syn3970CL y Par1600CLPlus (de comportamiento contrastante en infección natural).

### MATERIALES Y MÉTODOS

Los 10 genotipos se ubicaron en parcelas, de tres surcos de 12 plantas cada uno, bajo un diseño con dos bloques completos y aleatorizados realizado en Balcarce. Se raspó suavemente (alrededor de 1 cm<sup>2</sup>) la epidermis dorsal del capítulo verde-amarillento de 4 plantas, elegidas al azar en el surco central. Un disco de agar de 10 mm de diámetro se fijó con cinta adhesiva con el micelio del hongo hacia dicha superficie. El capítulo se cubrió con bolsa de papel. Se asperjaron unos 2 mm diarios de agua. El área relativa (%) del capítulo con síntomas (podredumbre de color marrón oscuro) se evaluó a los 9 días, en un bloque, y a los 13 en el otro.



### RESULTADOS Y DISCUSIÓN

Todos los síntomas medidos superaron el tamaño del disco. Con los datos transformados por el arco-seno de la raíz cuadrada, el ANOVA detectó efecto significativo de la interacción Genotipo-Fecha. En la primera lectura, Par1600CLPlus y las líneas R2 y R16 tuvieron las menores áreas relativas enfermas. Mientras que, en la segunda, fueron Syn3970CL, R15, R16, R31 y RF. Sólo los resultados de la última lectura coincidieron con el comportamiento conocido de los cultivares. La línea R16 fue la única que sobresalió en ambas lecturas.

Análisis de la varianza de la respuesta de genotipos de girasol a inoculaciones en capítulo con *P. helianthi*

	gl	SC	CM	F	p-valor
Fecha	1	0,402	0,402	43,945	2,284E-8
Genotipo	9	2,282	0,254	27,719	<2,20E-16
Fecha*Genotipo	9	0,692	0,077	8,409	1,652E-7
Error	50	0,457	0,009		

Otros ensayos, además de validar la repetibilidad de los resultados, permitirán estimar la interacción GxA y conocer si el nuevo protocolo de inoculación genera resultados semejantes a lo que sucede en la naturaleza.