



VARIABILIDAD GENÉTICA DE AGROPIRO ALARGADO (*Thinopyrum ponticum* (Podp) Barkworth et Dewey) CRECIENDO EN CONDICIONES DE ESTRÉS HÍDRICO

Leguizamón M¹, O Ferraro¹, R Guillén¹, ML Acuña^{1,2}

¹Universidad Nacional del Noreste de la Provincia de Buenos Aires; ²EEA INTA Pergamino.

E-mail: mirandaleguizamon@gmail.com

INTRODUCCIÓN

La expansión agrícola en Argentina condicionó la relocalización de la ganadería en ambientes menos productivos asociados a diferentes restricciones edáficas, entre ellas estrés hídrico. Ante este escenario, se requiere encontrar especies forrajeras adaptadas a estas condiciones restrictivas.

El agropiro alargado (*Thinopyrum ponticum*) se presenta como una opción viable, siendo una especie de gramínea templada.

OBJETIVOS

Evaluar el comportamiento de 10 familias de medio hermanos (FMH) de agropiro alargado en condiciones de estrés hídrico.

MATERIALES Y MÉTODOS

El experimento se realizó en invernáculo de la EEA INTA Pergamino en condiciones semicontroladas. Se estudiaron 10 FMH (1 a 10) de agropiro alargado que en estudios previos demostraron buen comportamiento productivo en condiciones halomórficas.

Cada FMH estuvo representada por 8 plántulas/maceta/repeticiones con sustrato arena-tierra (3:1) dispuestas en un DBCA con tres repeticiones y tres tratamientos: 80% (T1), 50% (T2) y 30% (T3) de capacidad a campo. La humedad edáfica fue controlada con sonda TDR-300. Se evaluó el peso seco aéreo a los 15 (PS1), 63 (PS2) y 97 (PS3) días iniciados los tratamientos y el peso de materia seca acumulada (PMSA) sumando la producción de los tres cortes. Se realizó ANOVA mediante Infostat® y se estimó la heredabilidad en sentido estricto (h^2).

RESULTADOS



Imágenes: A: sequía extrema, intermedia y nula; B: Peso de materia seca.

Tabla 1: Producción media de materia seca acumulada para los tratamientos control (1), sequías intermedias (2) y sequías prolongadas (3). Medias con una letra común no son significativamente diferentes ($p > 0,05$)

Test:LSD Fisher Alfa=0,05 DMS=0,14252

Error: 0,0760 gl: 58

Trat	Medias	n	E.E.	
3	0,49	30	0,05	A
2	1,37	30	0,05	B
1	1,67	30	0,05	C

Tabla 2: Producción de materia seca acumulada (PMSA) promedio para las FMH (1-10). Medias con una letra común no son significativamente diferentes ($p > 0,05$)

Test:LSD Fisher Alfa=0,05 DMS=0,26020

Error: 0,0760 gl: 58

FMH	Medias	n	E.E.	
4	0,97	9	0,09	A
7	1,04	9	0,09	A B
6	1,04	9	0,09	A B
10	1,07	9	0,09	A B C
9	1,08	9	0,09	A B C
8	1,14	9	0,09	A B C
1	1,25	9	0,09	B C
3	1,28	9	0,09	B C
2	1,31	9	0,09	C
5	1,59	9	0,09	D

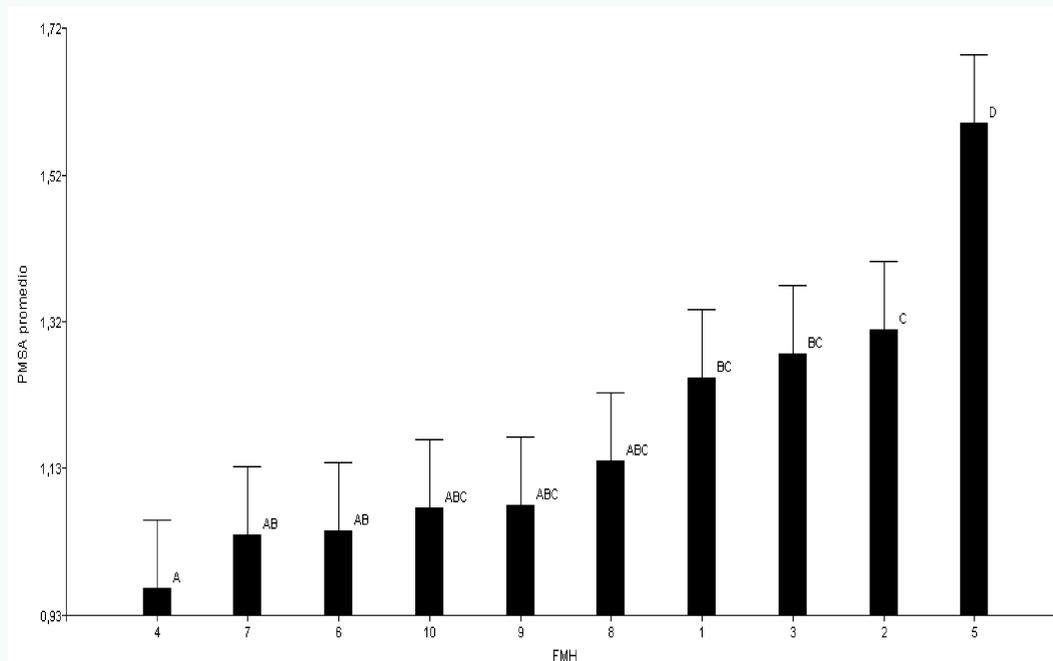


Figura: Producción de materia seca acumulada (PMSA) promedio en gramos para las FMH (1-10) y desvío estándar. Letras distintas indican diferencias significativas ($p < 0,05$)

CONCLUSIONES

La variabilidad genética observada en las FMH mostró una PMSA promedio que varió de 0,97 a 1,59 g. Se destacó la FMH 5 con un rendimiento 35% mayor a la media y la FMH 2 11,3% mayor a la media. Estas FMH podrían ser incorporadas a futuros programas de mejoramiento de la especie.