

2022 RESUMEN DE PADRES





TOROS CON DEP ENRIQUECIDOS POR EVALUACIÓN GENÓMICA

CON MÁS DE 634.000 ANIMALES EVALUADOS Y 549 CABAÑAS ADHERIDAS





TOROS P.P Y P.C. de 2 años y de 15 meses.

VIENTRES P.P Y P.C.

con ternero al pie.

Próximamente Catálogo Online

EN SOCIEDAD RURAL DE AZUL 14:00hs. Previo Almuerzo REMATA -



Juan I. Goenaga: 2281 65-8618 Martín P. Iturralde: 2281 66-7590 Más info: 2281 42-4500 (rotativas)

info@goenagasa.com.ar www.goengasa.com.ar

PRESENCIAL + ONLINE •)









© 2281-650063



CALENDARIO DE REMATES **2022**



AGOSTO 13

LA RUBETA LA NEGRA 100 Vaquillonas Angus PCpreñadas negras y coloradas, parición septiembre.30 Toros Angus PC negros y colorados

SEPTIEMBRE 21

HUANGUELÉN LA JUANITA LA NEGRA

120 Vaquillonas Angus PC negras con cría al pie - Hijas de Yamal.
30 toros angus PC

OCTUBRE 06

LAS PLANTELERAS

90 Vaquillonas Angus PC negras con cría al pie - Hijas de Yamal.





CONSULTAS: info@lanegraagropecuaria.com.ar



13:00 hs. - Soc. Rural de Bolívar (PRESENCIAL CON PROTOCOLO COVID-19)

STREAMING - PRE-OFERTAS ONLINE - www.rural.com.ar



75 TOROS
PP Y PC
Hijos de Charlo,
Effective, Heredero,
Esencial, entre otros.

10 VAQS. Y TERNERAS PP "Futuras Donantes".

40 VAQS. PC (Negras y Coloradas)

100 EST. DON PEDRO Y LA ROSA VAOS. GENERALES SELECCIONADAS

REVISÁ LOS LOTES EN EL CAMPO!! LLAMANOS!! (02314) 15 611119 - Oscar Busquet / (02392) 15 627926 - Manuel López



ESTANCIA LA BARRANCOSA

1902 - 2022

120 AÑOS DE PASIÓN GANADERA



PRESENCIAL Y STREAMING CLIC RURAL REMATE ANUAL
MIÉRCOLES 24 DE AGOSTO



ESTANCIA LA BARRANCOSA / LAZZARINO / SANTA FE - TEL.: 03462-444026 / 03382-470461
TEL.: 03382 1557 6818 - GENETICA@LABARRANCOSA.COM.AR







2022



PP y PC DE 2 AÑOS
DE 15M PARA 15M

En Soc. Rural de Gral. La Madrid. 14:00hs - Previo almuerzo

- lostigreslafontaine
- angustigres
- www.angustigres.com.ar

Apostando al uso de información desde el año 1969.



AGROMELU

Angus Colorado de Lizaso

Martín Facundo Lizaso +54 9 2314 511549



Seleccionamos con un exhaustivo programa de mejoramiento genético para potenciar los rodeos. Somos especialistas en genética de reproductores





LOS INVITAMOS A NUESTROS REMATES 2022

MARTES 16/08



9 hs - en vivo desde Santo Tomás de la Sierra Remata: Daniel Biocca Marcos Achaval LUNES **12/09**



13:30 hs - en vivo desde Santo Tomás de la Sierra

Remata: Daniel Biocca Marcos Achaval Santiago Abdo MIÉRCOLES 28/09

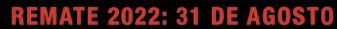


14 hs - en vivo desde Huinca Renancó



SANTO TOMÁS DE LA SIERRA







INFORMES: BUENOS AIRES: (011) 4334-9511 / 15-5408-2930 - TRENQUE LAUQUEN: (02392) 15-519025 / 15-627276





AUTORIDADES

PRESIDENTE HONORARIO

Horacio F. Gutiérrez

PRESIDENTE

Alfonso Bustillo

VICEPRESIDENTE 1º

Manuel Olarra Lynch

VICEPRESIDENTE 2º

Fabián Otero

SECRETARIOS

Carlos Fernández y Martín Tinello

TESORERO

Alfredo Gusmán

PROTESORERO

Amadeo Derito

VOCALES TITULARES

Roque Cassini, Carlos Gaccio (por Angus La Pampa), Patricia Iglesias, Ricardo Orazi, Julián Pessolani (por Angus Litoral), Sebastián Rodríguez Larreta y Alejandro Salemme

VOCALES SUPLENTES

Luciano Correndo, Brian Handley y Carolina Maito

VOCALES SUPLENTES ALTERNATIVOS

Claudia Lloret (por Angus Centro), Mario Sieber (por Angus Litoral) y Germán Tapia (por Angus La Pampa; fallecido el 18/5/2022)

DIRECTOR EJECUTIVO

Ing. Javier Martínez del Valle

COMISIÓN TÉCNICA

Coordinador: Ing. Alfonso Bustillo

Miembros: Ing. Păblo Bustillo, M.V. Luciano Correndo, Dr. Carlos Gaccio, Dr. Exequiel González Guerrico, Dr. Horacio Guitou, Dr. Juan Pablo Irico, Ing. Juan A. Lafontaine, Ing. Juan Martín Ojea, Ing. Manuel Olarra Lynch, Ing. Manuel Olarra (h), Ing. Gabriel Otero, Ing. Alejandro Salemme, Ing. Jorge Sedelli, Dr. Martín Sieber y Marcos Vila Moret (por Ateneo Angus)

COORDINADOR PROGRAMA ERA

Sr. Mariano Fernández Alt | E-mail: era@angus.org.ar

SERVICIO DE EVALUACIÓN GENÓMICA ANGUS

Ing. Agustín R. Curutchet, Sol García Guerra y Diego Gauna | E-mail: eragenomica@angus.org.ar

ADMINISTRACIÓN

Av. Cerviño 4449, 5º piso | C1425AHB | Ciudad Autónoma de Buenos Aires Tel.: 4774-0065 (líneas rotativas) | Fax: 4774-0554

E-mail: comunicacion@angus.org.ar | admin@angus.org.ar | www.angus.org.ar

Comercialización y diseño

PUBLICIDAD NORTE

San Martín 424, piso 6 of. 17 / (011) 4325-7753 / 4326-5801 angusrevista@gmail.com

RESUMEN DE PADRES ANGUS 2022

CONTENIDO

1. Presentación/Presentation	11
2. Desde el Resumen de Padres Angus 2019: Dos Cambios Importantes:	15
- A. Cambio en la Precisión (BIF): ¿Por qué Moderar la Precisión?	15
- B. Evaluación Genómica: Nuevo Servicio para los Socios Angus	19
3. Establecimientos Adheridos al Programa ERA	22
4. Cabañas con Evaluación Genómica basada en el ERA	22
5. Base Nacional de Datos del ERA	24
6. El Modelo Animal: Procedimiento One-Step	24
7. Rangos de DEP, Percentiles y Cambio Posible	25
8. Altura y Frame Score	32
9. Últimas Características Evaluadas (Peso al Año, Facilidad de Parto	
y Docilidad)	33
10. ¿Cuándo el Criador adherido al ERA recibe DEP Enriquecidos	
de sus Reproductores?	36
- A. Control de Producción	36
- B. Grupos Contemporáneos	39
11. Orientación al Criador	41
12. Método Interno de DEP Angus (¡MIDA!)	52
13. La Evolución del ERA	53
14. La Evolución de la Raza Angus	55
15. Características Carniceras por Ultrasonido	64
16 . Ecografistas Certificados para Toma de Imágenes a Campo	72
17. Interpretadores Certificados del CIIE	73
18. Cómo Interpretar este Resumen de Padres Angus	73
19. Listado de Padres Angus	75
20. Apéndice A: Códigos de Criador y Propietario	232
21. Apéndice B: Vientre Angus Superior (VAS)	235
22 . Apéndice C: Por qué Evaluar Tamaño Adulto en el ERA	248
23. Apéndice D: DEP de Facilidad de Parto	254
74 Apéndice F: DEP de Docilidad	256



1. PRESENTACIÓN

Con mucho orgullo, la **Asociación Argentina de Angus** presenta la **32**ª edición de su **Resumen de Padres Angus**, fruto del acuerdo firmado en **1989** con el **INTA** (Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria), que dio origen al **programa ERA** (Evaluación de Reproductores Angus).

Como importante novedad, en este **Resumen** se incluye, por **primera** vez, el **DEP de docilidad** en **140** toros (de los **364** evaluados), cuyas **3728** crías también fueron evaluadas por **44** cabañas, en esta importante característica. Cabe destacar que, por el momento, este es un **DEP clásico**. El aporte de más información de **docilidad**, por parte de las demás cabañas adheridas al **programa ERA**, permitirá formar nuestra propia **población de referencia** (training population) para esta característica, para así obtener **DEP enriquecidos**. Por tal motivo, invitamos a las cabañas a evaluar la docilidad de sus crías y a aportar al **ERA** los datos obtenidos, siguiendo el **Protocolo de Toma de Datos de Docilidad** (ver **Apéndice E**) que elaboramos en 2019, así como también ver el video sobre el tema (subido en el canal **Angus de YouTube**), para codificar correctamente esta característica muy importante y de alta heredabilidad.

Por cuarto año, todos los toros listados en este Resumen cuentan con DEP enriquecidos por evaluación genómica, siendo Angus la primera raza del país y de Latinoamérica en poder concretarlo. Así, nuestra Asociación está a la altura de las asociaciones de criadores más importantes del mundo, en lo que hace a evaluación genómica de reproductores.

Este gran logro comenzó a gestarse en el año 2012, al iniciarse la formación de nuestra propia población de referencia, cuando se comenzaron a genotipar, con chips de Illumina de alta densidad (GGP-HD 77K), tanto los reproductores nacionales como los extranjeros con DEP clásicos de alta precisión. Posteriormente, se detectaron y obtuvieron muestras de más reproductores que cumplían con dicha condición, los que también fueron genotipados con chips de Illumina de alta densidad (GGP-HD 150K). Gracias a aquel trabajo iniciado en 2012, hoy nuestra propia población de referencia está conformada por 10.238 reproductores Angus genotipados. Esto nos permite evaluar precozmente, con DEP enriquecidos, las doce características que se evalúan en el ERA, en aquellos animales genotipados que aún no tienen edad suficiente para producir datos fenotípicos, pero que están dados de alta en la Base Nacional de Datos del programa ERA, con al menos, peso al nacer, en primera instancia.

Esto nos ha posibilitado, desde abril de **2019**, comenzar a brindar, en el marco del **programa ERA**, el servicio **Evaluación Genómica Angus**, que se describe

1. PRESENTATION

Whith great pride, the **Argentine Angus Association** presents the 32nd edition of its **Angus Sire Summary**, as the result of the agreement signed in **1989** between **INTA** (National Institute of Agricultural Technology) and our **institution**, which gave rise to the **ERA program** (Angus Cattle Evaluation).

As an important news, for the first time, this **Summary** includes the **docility EPDs** in **140** sires (of the **364** evaluated), whose **3728** calves were also evaluated by **44** herds, in this important trait. It should be noted that now, this is a **Classic EPD**. The contribution of more information on **docility**, by the other herds enrolled to the **ERA program**, will allow us to form our own **training population** for this trait, in order to obtain **Enhanced EPDs**. For this reason, we invite the herds to evaluate the docility of their offspring and to contribute the data obtained to the **ERA**, following the **Protocol for Docility Data Recording** (see **Appendix E**) that we elaborated in 2019, as well as to watch the video on the theme (uploaded on the **Angus YouTube** channel), to correctly encode this very important and highly heritable trait.

For the **fourth** year, all the sires listed in this **Summary** have **Enhanced EPDs** by genomic evaluation, being **Angus** the **first** breed in our country and in Latin America to be able to do so. Thus, our **Association** reaches the level of the most important associations in the world, in terms of **genomic evaluation**.

This significative achievement began in 2012, when we initiated our own training population. At that time, we genotyped with high density Illumina chips (GGP-HD 77K) those national and foreign sires and dams which had Classic EPDs with high accuracy. After that, we detected and genotyped more animals that reunited the condition, with high density Illumina chips (GGP-HD 150K). Thanks to that work started in 2012, today we have our own training population of 10,238 genotyped Angus. This allows us to predict Enhanced EPDs for the twelve traits that are evaluated in the ERA program, in those genotyped animals that are not yet old enough to produce phenotypic data, but are registered in the National Database of the ERA program, with at least, birth weight, in the first instance.

This has allowed us, since April 1st of 2019, to start providing, within the framework of the ERA program, the Angus genomic evaluation service, which is described in detail in this Summary. Thus, our Association receives hair or blood samples from PP and PC animals, of any age and sex, from members enrolled in the program. Those samples are sent to GeneSeek, by Neogen (in Lincoln, Nebraska, United States), the largest laboratory in the world, with which our institution has signed an agreement for DNA extraction and genotyping of them, with a specific high-density chip (75K) for the Angus breed, called Angus GS.

en detalle en este **Resumen**. Así, nuestra **Asociación** recibe de sus socios adheridos al **ERA**, muestras de pelo o sangre de sus animales **PP** y **PC**, de cualquier edad y sexo, las cuales son enviadas a **GeneSeek**, de Neogen (en Lincoln, Nebraska, Estados Unidos), el mayor laboratorio del mundo, con el que nuestra **Asociación** firmó un **convenio** para la **extracción** del ADN y **genotipado** de las mismas, con un chip **específico** de alta densidad (75K) para la raza **Angus**, denominado **AngusGS**.

En consecuencia, a través de esta evaluación genómica, todos los 634.810 reproductores PP y PC que integran la Base Nacional de Datos del programa ERA y, por consiguiente, los toros incluidos en este 32º Resumen y los mencionados animales precoces cuentan con DEP enriquecidos por evaluación genómica.

A través de nuestro servicio Evaluación Genómica Angus, el socio Angus adherido al programa ERA puede obtener los DEP enriquecidos de sus reproductores de interés, para todas las características que actualmente evalúa la Asociación, ya sean estos toros, vientres, vaquillonas y toritos con progenie, así como también, terneros y terneras que aún no tienen sus propios datos fenotípicos, pero han sido genotipados. Esto brinda, tanto al criador como al productor comercial, una valiosa herramienta para seleccionar e incorporar tempranamente destacados reproductores (toritos y vaquillonas), maximizando así el progreso genético de los planteles Angus y rodeos generales.

De los 11.413 toros **Angus** evaluados en el **programa ERA**, 9713 (85%) son nacionales y 1700 (15%) son extranjeros. Y de esos 11.413 toros, en este **Resumen de Padres** se listan 1710 toros activos, de los cuales 1463 (86%) son nacionales y 247 (14%) son extranjeros.

Estos 1710 toros listados cuentan todos con DEP enriquecidos para las tres características relacionadas con eficiencia reproductiva (largo de gestación, peso al nacer y circunferencia escrotal) y las cuatro para crecimiento (peso al destete, leche, peso final y altura), mientras que 1488 (87%) de ellos poseen, además, DEP enriquecidos para las cinco características vinculadas a rendimiento y calidad de carne (espesor de grasa dorsal, espesor de grasa de cadera, área de ojo de bife, porcentaje de grasa intramuscular y porcentaje de cortes minoristas).

Como se mencionó, el **Banco Nacional de Datos del programa ERA** reúne ahora **634.810** animales (**22.458** más que en la anterior evaluación genética) aportados por **549** cabañas adheridas –**18** lo hicieron por primera vez para este **Resumen**–, distribuidas en **diez** provincias: Buenos Aires, Chubut, Córdoba, Corrientes, Entre Ríos, La Pampa, Mendoza, Río Negro, San Luis y Santa Fe.

Respecto de los **toros evaluados** en **características carniceras**, cabe destacar muy especialmente que la cantidad de ellos, respecto del anterior **Resumen**,

Thanks to this **genomic evaluation**, the **634,810** PP and PC animals included in the **National Database of the ERA program** and, consequently, the **sires** included in this **32**nd **Summary** and the aforementioned **young animals**, have Enhanced EPDs by genomic evaluation.

With this new service of **genomic evaluation**, the **Angus members enrolled** in the **ERA program** can obtain the **Enhanced EPDs** for their animals of interest, for all the traits that the **Association** is currently evaluating, either for sires, dams, heifers and young bulls with offspring, as well as male and female calves that do not have their own phenotypic data yet. This provides to both the breeder and the commercial producer a **valuable tool** for **early** selection of outstanding animals (bulls and heifers), maximizing genetic progress of the purebred Angus breeders and commercial herds.

From the 11,413 Angus sires evaluated in the ERA program, 9713 (85%) are national sires and 1700 (15%) foreign sires. And from those 11,413 bulls, 1710 active sires are listed in this Sire Summary from which 1463 (86%) are national sires and 247 (14%) foreign sires.

All these **1710** listed sires have **Enhanced EPDs** for **three** traits related to reproductive efficiency (gestation length, birth weight and scrotal circumference) and **four** for growth (weaning weight, milk, final weight and hip height). Furthermore, **1488** (87%) of them show **Enhanced EPDs** for **five** traits related to yield and beef quality (back fat thickness, rump fat thickness, ribeye area, intramuscular fat percentage, and retail product percentage).

As it was mentioned, the ERA program's National Database gathers now **634,810** animals (**27,458** more than the previous genetic evaluation) provided by **549** Angus cattle breeding ranches –**18** of them have done it for their first time in this **Summary**– from **ten** different provinces: Buenos Aires, Chubut, Córdoba, Corrientes, Entre Ríos, La Pampa, Mendoza, Río Negro, San Luis, and Santa Fe.

In relation to the amount of **evaluated** sires in **yield and beef quality traits**, it is worth noting that, in comparison with the previous **Summary**, it has risen from **5194** to **5525**. This is the outcome of the effort made by **262** cattle breeding ranches, members of the **ERA program**, that have carried out ultrasound scanning, between **2002** and this **Summary**, for **110,480 Angus** males and females. This has allowed us to have the **87%** of the sires listed in this summary with **Enhanced EPDs** for the traits related to yield and beef quality. Without any doubt, its importance is relevant for the increasing demands and exigencies of the Argentinean beef exportation.

At the **Centralized Ultrasound Processing Lab** (CIIE – Centro de Interpretación de Imágenes Ecográficas) –located at the Genetics Institute of INTA Castelar– created in **2004** by initiative of our **Angus Association**, under the context of the **ERA program**, lab technicians who were certified in



creció de **5194** a **5525**. Este es el resultado del esfuerzo de **262** cabañas adheridas al **programa ERA** que, entre el año **2002** y hasta el presente **Resumen**, ecografiaron **110.480** reproductores **Angus**, lo cual ha permitido que el **87%** de los toros listados posean **DEP enriquecidos** por evaluación genómica en las mencionadas características carniceras. Esto, sin duda, es muy relevante para las crecientes demandas y exigencias de exportación de la carne argentina.

En el CIIE (Centro de Interpretación de Imágenes Ecográficas), con sede en el Instituto de Genética del INTA Castelar, creado en 2004 por iniciativa de nuestra Asociación, en el marco del programa ERA, las imágenes de las características carniceras tomadas a campo son interpretadas de manera imparcial y con la máxima calidad académica, por técnicos certificados en Estados Unidos. Este servicio del CIIE está disponible para los ecografistas certificados y habilitados por nuestra Asociación que trabajan, no sólo para Angus sino también para otras razas bovinas (Bonsmara, Braford, Brahman, Brangus, Hereford, Limangus, Limousin, Senepol y Shorthorn) y ovinas (Hampshire Down), como resultado de los acuerdos correspondientes con las respectivas asociaciones de criadores.

Por otro lado, en el año 2014, desde el **programa ERA** se comenzó a tomar datos que hacen al **tamaño adulto**. El **objetivo** es generar **dos DEP** asociados al mismo: peso y altura adultos. Esta es una importante herramienta de selección, para ser considerada para diferentes sistemas y objetivos de producción. Por tal motivo, aquellas cabañas **Angus** interesadas en evaluar **tamaño adulto**, tienen que incorporar a sus controles de producción tres nuevas mediciones que hacen posible dicho objetivo; para ello tienen que usar la planilla de nacimientos y destetes del **programa ERA**. Por lo tanto, los invitamos a conocer y a adherirse a esta nueva iniciativa del **programa ERA** (ver **Apéndice C**).

Además, ofrecemos los **DEP** de **facilidad de parto directo** y **materno** a aquellas cabañas que, a partir de 2008, iniciaron la toma de datos de dicha característica. En principio, lo estamos haciendo como evaluación interna **MIDA**, y en un futuro incorporaremos dichas características al **programa ERA**, cuando el número de cabañas se aproxime a las **549** actuales. Para más información, ver **Apéndice D**.

También estamos incluyendo en los diagnósticos de las cabañas adheridas al **programa ERA**, los **DEP al año de edad** para las características de peso, CE, altura y ecográficas. Estos **DEP** son para las cabañas que están denunciando al **ERA** dichos pesos, medidas y ecografías tomados al año de edad del animal, debido a la **selección prematura** que hacen en sus rodeos.

En otro orden de cosas, en el marco del **programa ERA** damos a conocer un listado de **588 Vientres Angus Superiores (VAS)** que, surgidos de esta evaluación –de los **234.527** PP y PC totales–, sobresalen por su eficiencia USA interpret on-field images taken, not only on an impartial basis, but also with the highest academic quality. This CIIE service is available for qualified field technicians duly certified by our Association that are able to scan not only Angus but also for other bovine breeds (Bonsmara, Braford, Brahman, Brangus, Hereford, Limangus, Limousin, Senepol and Shorthorn) and ovine breed (Hampshire Down) as a result of agreements subscribed with the respective breeders' associations.

On the other hand, in 2014, within our **ERA program**, we decided to start evaluating our sires in **mature size** through two new EPDs: **mature weight** and **mature height**. This is an important tool to select animals for different goals and production systems. Consequently, those **Angus** breeders interested to evaluate **mature size** will have to incorporate three new measures to their record keeping program in order to reach that goal; for this they have to use the **ERA program's** birth and weaning sheet. We invite you to incorporate your new records for mature size in our **ERA program**. For more information, you can take a look to **Appendix C** in this **Summary**.

In addition, we remind breeders that we are already offering the EPDs for easy calving (direct and maternal) to those ranches which began the data collection of that trait on 2008. As a first step, we are doing it as an internal MIDA evaluation, and in the future we will incorporate these traits into the ERA program, once the number of breeders approaches the current 549. For more information see Appendix D.

We are also including in the diagnosis for the breeders enrolled in the **ERA program**, the yearlings **EPDs** of the following traits: weight, scrotal circumference, hip height and ultrasound. These **EPDs** are for those breeders who have been sending these records to **ERA**, in order to have information to achieve a **premature selection**.

On the other hand, for the **eleventh** time, we have recently released a list of **588 Superior Angus Dams** (VAS – Vientre Angus Superior) that have been emerged from our **ERA Program** –from a total of **234,527** PP and PC– because they excel in their reproductive efficiency, calving interval, and offspring weaning weight. This list is now included in this **Summary** (**Appendix B**).

Dr. Aldo Monti (Animal Genetics Unit, Genetics Institute, INTA Castelar) has led the current genetic evaluation with the collaboration of Dr. Juan Carlos Salerno, Graduate María Inés Baluk, Agricultural Engineer Andrés Ellinger, Mrs. Mariela Trazar and Mr. Juan Moglie. On behalf of the Association, the group is made up of the advisor Dr. Horacio R. Guitou, Mr. Mariano Fernández Alt, as ERA program coordinator, and Agricultural Engineer Agustín R. Curutchet, in charge of the organized and dynamic service of Angus Genomic Evaluation, cooperating with him, Miss. Sol García Guerra and Mr. Diego Gauna.

reproductiva, intervalo entre partos y la precocidad de crecimiento de sus crías (peso al destete). Este listado lo incluimos en este **Resumen** (ver **Apéndice B**).

El Dr. Aldo Monti (Unidad de Genética Animal, Instituto de Genética, INTA Castelar) condujo la presente evaluación genética. Colaboraron con él, el Dr. Juan Carlos Salerno, la Lic. María Inés Baluk, el Ing. Agr. Andrés Ellinger, la Sra. Mariela Trazar y el Sr. Juan Moglie. Por parte de la Asociación, el grupo está conformado por el asesor Dr. Horacio R. Guitou, el Sr. Mariano Fernández Alt, como coordinador del programa ERA, y el Ing. Agustín R. Curutchet, a cargo del organizado y dinámico servicio de Evaluación Genómica Angus, cooperando con él, la Srta. Sol García Guerra y el Sr. Diego Gauna.

Deseamos agradecer muy especialmente a la **Sociedad Rural Argentina** (SRA) por cedernos el archivo **genealógico** de **Angus**, utilizado para establecer las relaciones de parentesco a través de la información del **pedigree** (HBA). Además, cabe destacar que dicha entidad, a partir de un **acuerdo**, recibe los perfiles de SNP de **baja densidad** que le envía nuestra **Asociación**, surgidos del **genotipado** que realizan los socios Angus con nuestro servicio –a través del laboratorio **GeneSeek**, el mismo que usa la SRA–, para verificar las paternidades de los **Angus PP**.

Todos estos logros son la demostración del esfuerzo que, desde **1989**, pone la **Asociación Argentina de Angus** en la evaluación objetiva de los reproductores de la raza, una labor que se complementa con el empeño de los criadores en el uso de los **DEP enriquecidos**, la mejor herramienta para producir cambios direccionales en sus programas de mejoramiento.

Entendemos que el aporte de todos estos actores permite, año tras año, que nuestra raza consolide su **liderazgo** en el país. Por ello, alentamos la incorporación de nuevos criadores al **programa** ERA, para seguir agregando valor a la ganadería argentina.

ING. ALFONSO BUSTILLO
Presidente, Asociación Argentina de Angus
Coordinador, Comisión Técnica

We would like to thank the **Argentine Rural Society (SRA)**, for giving us the **genealogical** file of **Angus**, used to establish relationships through **pedigree information** (**HBA**). In addition, it should be noticed that the mentioned institution, based on an **agreement**, receives the **low-density** SNPs profiles sent by our **Association**, arising from the genotypes carried out by Angus members with our service –through **GeneSeek** laboratory, the same one that SRA uses–, to verify parentage of the **Angus PP**.

These achievements demonstrate, since 1989, the effort put by the Argentine Angus Association in the objective evaluation of breeding stock, work that is complemented with the commitment of the breeders in the use of the Enhanced EPDs, the best tool to produce directional changes.

We understand that the contribution of all these actors allows, year after year, that our breed consolidates its **leadership** in our country. For this reason, we encourage the incorporation of new breeders to the **ERA program**, to continue adding value to Argentine cattle. **

ALFONSO BUSTILLO, ENG
President, Argentine Angus Association
Coordinator, Technical Commission



2. DESDE EL RESUMEN DE PADRES ANGUS 2019: DOS CAMBIOS IMPORTANTES: A. CAMBIO EN LA PRECISIÓN (BIF) B. EVALUACIÓN GENÓMICA

A. CAMBIO EN LA PRECISIÓN (BIF): ¿POR QUÉ MODERAR I A PRECISIÓN?

Los DEP (Diferencia Esperada entre Progenies), como los generados por el programa ERA de esta Asociación, son una de las herramientas direccionales más importantes para seleccionar toros padres, toritos, vaquillonas de reposición y vientres en los rodeos de cría.

Sin embargo, el DEP de un animal para una determinada característica no es la única información que uno debe considerar para interpretar correctamente el mismo.

Siempre queremos seleccionar toritos y vaquillonas que tengan el mejor mérito genético para una combinación de características, a fines de maximizar el progreso genético en un rodeo de cría. Mientras los DEP proveen la mejor herramienta para seleccionar, por ejemplo, un reproductor para la próxima generación, el verdadero DEP de él nunca es conocido con un 100% de certeza, por lo cual, entender correctamente la Precisión que siempre acompaña al DEP, es parte esencial en la selección de la reposición de toritos y vaquillonas.

En consecuencia, un DEP siempre va acompañado de su correspondiente medida de Precisión, que va en el rango de 0 a 1. Esta medida refleja la cantidad de información utilizada para la obtención de la predicción del DEP: a mayor cantidad de información utilizada, mayor Precisión. Una medida de Precisión cercana a cero reflejaría casi ninguna confianza en el valor de predicción del DEP, mientras que una Precisión que se aproxima a 1 indicaría una mejor y más confiable predicción del DEP, pues nos vamos acercando al verdadero mérito genético. La Precisión es una medida de riesgo que un DEP se mueva de una evaluación a la siguiente, cuando se agrega más información.

Excluyendo a la evaluación genómica, a los animales recién nacidos sólo se les podía calcular un DEP de Pedigree, en base al promedio de los DEP de sus padres, con una Precisión bajísima. La mayoría de las asociaciones de criadores automáticamente le asignan a dicho DEP una Precisión de 0,05 (**Tabla I**). Debido a esto, hermanos completos (compañeros de un mismo "flushing") tendrán los

mismos DEP y con idéntica Precisión. En consecuencia, los hemos descontinuado a partir del 1° de enero de 2021. Pero como describiremos, a medida que los hermanos completos generen datos fenotípicos o genómicos propios, empezarán a diferenciarse.

TABLA I: COMPRENDIENDO LA PRECISIÓN

DEP de pedigree

DEP PROGENIE = 1/2 DEP Toro + 1/2 DEP Madre

DEP progenie

DEP DEP Toro + 1/2 DEP Madre + 1/2 (

Nota: mendelian sampling (φ)

Todos sabemos que los hermanos completos, ya sea de dos apareamientos diferentes, ambos no van a recibir los mismos genes. En consecuencia, es necesario agregar un tercer término propio de cada apareamiento entre los mismos padres, que se denomina "mendelian sampling" (φ) o efecto mendeliano. Esto se debe a que las gametas que se generan de un mismo individuo (tanto padre como madre) no necesariamente son iguales, dado que por el proceso de la meiosis se generan recombinaciones intracromosómicas e intercromosómicas (segregación independiente). En otras palabras, cada gameta específica de un individuo (macho o hembra) puede ser mejor o peor que el promedio de sus propias gametas. Esta es la causa de la diferencia entre hermanos completos de todas las especies de animales superiores, incluida la humana. El verdadero valor de este término –efecto mendeliano – no puede ser estimado hasta que tengamos información adicional de datos fenotípicos y/o genómicos propios de los individuos y de sus parientes.

La verdadera Precisión (r) indica la confiabilidad del DEP: en qué grado el DEP predice el verdadero valor genético aditivo de un animal para cualquier característica considerada en el Resumen de Padres. Como mencionamos, la Precisión varía de 0 a 1. La aproximación a valores más altos depende de varios factores: de la característica y su heredabilidad, de la correlación genética entre los diferentes caracteres asociados (Multiple Trait Model) y de las distintas fuentes de información utilizadas para obtener los DEP de los reproductores. En un toro padre, uno puede o no tener las siguientes fuentes de información: su genotipado, su propia performance y la performance fenotípica o genómica de sus hijos y la de otros parientes que surjan del pedigree de dicho reproductor. A su vez, si un toro padre tiene hijos en un mayor número de grupos contemporáneos o rodeos, esto incide favorablemente en su Precisión.

Todos los factores mencionados transforman el número real de crías de un toro padre en lo que académicamente se denomina "número efectivo de progenies", el cual tiene mucha influencia en la Precisión. Por los motivos mencionados, toros padres con igual número de crías reales pueden tener diferente Precisión, porque su "número efectivo de progenies" es diferente.

Se pueden comparar reproductores con diferentes Precisiones, ya que los DEP están ajustados por la diferente cantidad de información disponible. En este caso, la Precisión nos indica el mayor o menor riesgo que corremos al elegir uno u otro toro. Dicho riesgo se puede cuantificar con el Cambio Posible.

La forma de predicción de los DEP es la que siempre hemos usado y surge de la resolución de las ecuaciones de Modelos Mixtos del Dr. C. Henderson. También, de las mismas ecuaciones sacamos las "verdaderas Precisiones (r)" que acompañan a los DEP.

¿QUÉ ES LA PRECISIÓN DE LA BIF?

Verdadera Precisión (r)

-Definida como la correlación entre el verdadero DEP y el estimado DEP.

Precisión de la BIF

-Es más conservadora y requiere más registros de progenies para lograr más altas precisiones.

La verdadera Precisión (r) ha dejado de usarse en los programas de evaluación genética en Estados Unidos, dado que la misma tendía a subir muy rápidamente hacia su pico de 0,999. Si bien desde el punto de vista metodológico es lo correcto, la realidad es que muchos reproductores con alta Precisión sufrían cambios bruscos en sus DEP, creando una gran incertidumbre, no sólo en los criadores, sino en los programas de evaluación genética de las diferentes razas. Este problema fue planteado en la Beef Improvement Federation (BIF), que nuclea a todas las asociaciones de criadores de razas de carne de Estados Unidos, y se decidió transformar y moderar matemáticamente el crecimiento de la "verdadera Precisión (r)" de una forma pragmática y usando la misma como base, como lo ilustra la **Tabla II.**

De esta forma se genera la Precisión de la BIF, la cual es mucho más conservadora, porque requiere mucha más información fenotípica y/o genómica (propia o de parientes) para ir aproximando a valores cercanos a 0,999. La **Tabla III** nos ilustra cómo es transformada una verdadera Precisión (r) de 0,5 en una Precisión de la BIF de 0,13, más conservadora. La **Tabla IV** es muy ilustrativa, al mostrar cómo la Precisión, ya sea la verdadera (r) o de la BIF, varía en función de la heredabilidad de cada característica. También indica el número aproximado de progenies necesarias

TABLA II: PRECISIÓN

$$r_{\text{EBV,TBV}} = \sqrt{1 - PEV / \sigma_a^2}$$

$$r_{\text{EBV,TBV}} = \sqrt{1 - (1 - \text{BIF})^2}$$

$$BIF = 1 - \sqrt{1 - r_{EBV,TBV}^2}$$

Nota

 \mathbf{r} es la verdadera Precisión, que se define como la correlación entre el estimado valor genético (EBV) y el verdadero valor genético (TBV). Recuerde que el DEP=½VG (valor genético estimado) = ½EBV.

PEV = Al Error Estándar de Predicción.

 σ_a^2 = Es la Variancia Genética Aditiva.

para alcanzar los niveles de la verdadera Precisión (r) y su equivalente de la BIF, para tres características con heredabilidades diferentes. Cuanto menor sea la heredabilidad de una característica, más hijos con información necesitamos para lograr que la Precisión se vaya incrementando.

El **Gráfico I** generaliza y ejemplifica muy bien cómo las verdaderas Precisiones (r) son transformadas y limitadas en su crecimiento, es decir se las hace más conservadoras al generarse las Precisiones de la BIF. En consecuencia, todos los DEP en Estados Unidos son actualmente publicados con la Precisión de la BIF. De esta forma, cuando el criador lee un DEP con moderada o alta Precisión, tiene una mayor confiabilidad en la predicción de ese DEP, para su uso en los rodeos de cría. De esta forma, los reproductores con una razonable alta Precisión BIF (2), ya no presentan cambios tan bruscos entre una evaluación y la siguiente, siendo el Cambio Posible (expresado en la **Tabla V**), de menor magnitud con respecto al que mostraban con la verdadera Precisión (1).

TABLA III: CONVERSIÓN ENTRE LA VERDADERA PRECISIÓN (r) Y LA PRECISIÓN DE LA BIF

$$(r) = \sqrt{1 - (1 - BIF)^2}$$

$$BIF = 1 - \sqrt{1 - r^2}$$

Si la verdadera Precisión (r) es 0.5, la Precisión de la BIF es:

$$BIF = 1 - \sqrt{1 - (0.5 \times 0.5)} = 0.13$$

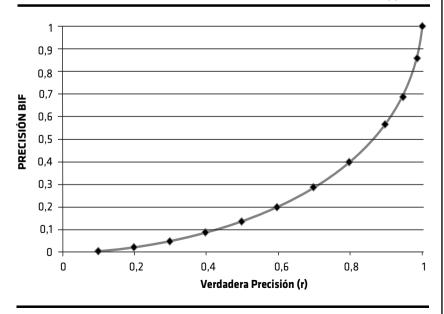


TABLA IV: PRECISIÓN COMPARADA

Número aproximado de progenies necesarias para alcanzar los niveles de verdadera Precisión (r) y su equivalente de la BIF, para tres heredabilidades diferentes

Prec	isión	Niveles de heredabilidad						
r	BIF	h² (0.1)	h² (0.3)	h² (0.5)				
0.1	0.01	1	1	1				
0.2	0.02	2	1	1				
0.3	0.05	4	2	1				
0.4	0.08	8	3	2				
0.5	0.13	13	5	3				
0.6	0.2	22	7	4				
0.7	0.29	38	12	7				
0.8	0.4	70	22	13				
0.9	0.56	167	53	30				
0.999	0.99	3800	1225	700				

GRÁFICO I: PRECISIÓN DE LA BIF VERSUS VERDADERA PRECISIÓN (r)



CAMBIO POSIBLE: VERDADERA PRECISIÓN (1) VERSUS PRECISIÓN DE LA BIF (2)

La **Tabla V** lista los valores de los denominados Cambios Posibles asociados con los distintos niveles de Precisión de los DEP, para las diferentes características evaluadas y para cualquier reproductor Angus incluido en nuestro programa ERA. El Cambio Posible está expresado en unidades positivas y negativas de DEP y lo podemos definir de la siguiente manera: Es el cambio esperado (o potencial desviación) entre el DEP calculado (listado) y el "verdadero" mérito genético (DEP) de cada reproductor, para la correspondiente característica evaluada. Como mencionamos, nunca podemos conocer el "verdadero" mérito genético de un reproductor, pero sí nos podemos ir aproximando a él a medida que tenemos mayor cantidad de información para calcularlo.

Para una dada Precisión, un reproductor debería tener su "verdadero" merito genético (DEP) alrededor del 67% de las veces, dentro del rango del DEP (listado) \pm el valor del Cambio Posible, expresado en la mencionada **Tabla V**. Como ejemplo, podemos observar cómo un reproductor que presenta una verdadera Precisión (1) de 0,60 para Peso Final, podría tener un Cambio Posible de \pm 7,90 kg. Sin embargo, con una Precisión de la BIF de 0,60, el Cambio Posible es de sólo \pm 3,95 kg. Como vemos, el Cambio Posible tiene mucho menos impacto o es de menor magnitud y da más confiabilidad al DEP estimado, si lo acompañamos por la Precisión de la BIF, pues es más conservadora, y a valores altos de la misma, no se espera que tengan saltos bruscos o grandes en Cambios Posibles.



TABLA V: CAMBIO POSIBLE DE DEP SEGÚN SU PRECISIÓN

(1) (2)

PREC	BIF-PREC	LG	PN	PD	LECHE	PF	CE	ALT	AOB	GD	GC	GI	РСМ
0,1411	0,01	± 2,67	± 1,09	± 7,00	± 6,26	± 9,77	± 0,72	± 1,40	± 3,62	± 0,42	± 0,69	± 0,45	± 0,77
0,1990	0,02	± 2,65	± 1,08	± 6,93	± 6,20	± 9,67	± 0,72	± 1,39	± 3,59	± 0,41	± 0,68	± 0,44	± 0,77
0,2431	0,03	± 2,62	± 1,07	± 6,86	± 6,13	± 9,57	± 0,71	± 1,38	± 3,55	± 0,41	± 0,68	± 0,44	± 0,76
0,2800	0,04	± 2,59	± 1,06	± 6,79	± 6,07	± 9,48	± 0,70	± 1,36	± 3,51	± 0,40	± 0,67	± 0,43	± 0,75
0,3122	0,05	± 2,57	± 1,05	± 6,72	± 6,01	± 9,38	± 0,69	± 1,35	± 3,48	± 0,40	± 0,66	± 0,43	± 0,74
0,4359	0,10	± 2,43	± 0,99	± 6,36	± 5,69	± 8,88	± 0,66	± 1,28	± 3,29	± 0,38	± 0,63	± 0,41	± 0,70
0,5268	0,15	± 2,30	± 0,94	± 6,01	± 5,38	± 8,39	± 0,62	± 1,21	± 3,11	± 0,36	± 0,59	± 0,39	± 0,66
0,6000	0,20	± 2,16	± 0,88	± 5,66	± 5,06	± 7,90	± 0,59	± 1,13	± 2,93	± 0,34	± 0,56	± 0,36	± 0,62
0,6614	0,25	± 2,03	± 0,83	± 5,30	± 4,74	± 7,40	± 0,55	± 1,06	± 2,75	± 0,31	± 0,52	± 0,34	± 0,59
0,7141	0,30	± 1,86	± 0,77	± 4,95	± 4,43	± 6,91	± 0,51	± 0,99	± 2,56	± 0,29	± 0,49	± 0,32	± 0,55
0,7599	0,35	± 1,76	± 0,72	± 4,60	± 4,11	± 6,42	± 0,48	± 0,92	± 2,38	± 0,27	± 0,45	± 0,29	± 0,51
0,8000	0,40	± 1,62	± 0,66	± 4,24	± 3,79	± 5,92	± 0,44	± 0,85	± 2,20	± 0,25	± 0,42	± 0,27	± 0,47
0,8352	0,45	± 1,49	± 0,61	± 3,89	± 3,48	± 5,43	± 0,40	± 0,78	± 2,01	± 0,23	± 0,38	± 0,25	± 0,43
0,8660	0,50	± 1,35	± 0,55	± 3,54	± 3,16	± 4,94	± 0,37	± 0,71	± 1,83	± 0,21	± 0,35	± 0,23	± 0,39
0,8930	0,55	± 1,22	± 0,50	± 3,18	± 2,85	± 4,44	± 0,33	± 0,64	± 1,65	± 0,19	± 0,31	± 0,20	± 0,35
0,9165	0,60	± 1,08	± 0,44	± 2,83	± 2,53	± 3,95	± 0,29	± 0,57	± 1,46	± 0,17	± 0,28	± 0,18	± 0,31
0,9367	0,65	± 0,95	± 0,39	± 2,47	± 2,21	± 3,45	± 0,26	± 0,50	± 1,28	± 0,15	± 0,24	± 0,16	± 0,27
0,9539	0,70	± 0,81	± 0,33	± 2,12	± 1,90	± 2,96	± 0,22	± 0,43	± 1,10	± 0,13	± 0,21	± 0,14	± 0,23
0,9682	0,75	± 0,68	± 0,28	± 1,77	± 1,58	± 2,47	± 0,18	± 0,35	± 0,92	± 0,10	± 0,17	± 0,11	± 0,20
0,9798	0,80	± 0,54	± 0,22	± 1,41	± 1,26	± 1,97	± 0,15	± 0,28	± 0,73	± 0,08	± 0,14	± 0,09	± 0,16
0,9887	0,85	± 0,41	± 0,17	± 1,06	± 0,95	± 1,48	± 0,11	± 0,21	± 0,55	± 0,06	± 0,10	± 0,07	± 0,12
0,9950	0,90	± 0,27	± 0,11	± 0,71	± 0,63	± 0,99	± 0,07	± 0,14	± 0,37	± 0,04	± 0,07	± 0,05	± 0,08
0,9987	0,95	± 0,14	± 0,06	± 0,35	± 0,32	± 0,49	± 0,04	± 0,07	± 0,18	± 0,02	± 0,03	± 0,02	± 0,04
0,9992	0,96	± 0,11	± 0,04	± 0,28	± 0,25	± 0,39	± 0,03	± 0,06	± 0,15	± 0,02	± 0,03	± 0,02	± 0,03
0,9995	0,97	± 0,08	± 0,03	± 0,21	± 0,19	± 0,30	± 0,02	± 0,04	± 0,11	± 0,01	± 0,02	± 0,01	± 0,02
0,9998	0,98	± 0,05	± 0,02	± 0,14	± 0,13	± 0,20	± 0,01	± 0,03	± 0,07	± 0,01	± 0,01	± 0,01	± 0,02
0,9999	0,99	± 0,03	± 0,01	± 0,07	± 0,06	± 0,10	± 0,01	± 0,01	± 0,04	± 0,00	± 0,01	± 0,00	± 0,01



RESUMEN

De acuerdo con lo descripto, los reproductores con propia performance únicamente o con pocos hijos para predecir sus DEP, tendrán una Precisión BIF más baja o más conservadora de la que veníamos usando (r), pudiendo sufrir cambios en sus DEP más frecuentemente. En síntesis, la verdadera Precisión (r) usada hasta el presente, si bien estaba bien calculada (Henderson, 1973), sobrestimaba la Precisión, haciendo que el DEP sea menos confiable en su predicción. La modificación hacia la Precisión de la BIF es pragmáticamente mucho más exigente y conservadora, dando una mayor confiabilidad al valor predictivo de cada DEP. Por lo tanto, recomendamos este cambio, el cual pusimos en práctica en el programa ERA de la Asociación Argentina de Angus, a partir del 1º de enero de 2019. Es importante remarcar que este cambio fue hecho previamente a la implementación de la evaluación genómica Angus (1º de abril de 2019), la cual irá incrementando la Precisión a medida que se vaya consolidando, beneficio que describiremos a continuación.

Fuente: Recopilación de información sobre la Precisión de la BIF, a través de publicaciones del Dr. Megan Rolf (Oklahoma State University), Dr. Mark Spangler (University of Nebraska), Dra. A. Van Eenennaam (University of Davis, California) y de la Beef Improvement Federation-BIF (2010).

B. EVALUACIÓN GENÓMICA: NUEVO SERVICIO PARA LOS

SOCIOS ANGUS

Desde el año 2012, la Asociación Argentina de Angus comenzó a trabajar en la formación de su propia población de referencia, con el propósito de implementar la evaluación genómica, en el marco de su programa ERA, iniciado en 1989, en convenio con el Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria (INTA), con sede en su Instituto de Genética de Castelar. El 26 de marzo de 2019, durante el Secretariado Mundial Angus, en Uruguay, esta Asociación firmó un acuerdo con el laboratorio GeneSeek, de Neogen (ubicado en Lincoln, Nebraska, Estados Unidos), quien tiene a su cargo la extracción de ADN de las muestras de pelo (bulbo piloso) o sangre de los Angus PP y PC de nuestros socios criadores adheridos al programa ERA, y el envío de los genotipados resultantes de dicho laboratorio a nuestra entidad. En este contexto, desde el 1º de abril de 2019, la Asociación genera DEP Enriquecidos por evaluación genómica a sus socios criadores, tanto para animales PP v PC jóvenes (aún sin datos fenotípicos) así como también para adultos ya evaluados en el programa ERA. Esto ha sido posible gracias a la incorporación de una nueva fuente de información, como lo es el genotipado del ADN -la molécula esencial de la herencia- de los animales. Los DEP Enriquecidos significan un cambio trascendental, ya que tienen como particularidad, trabajar por primera vez con la molécula esencial de la herencia, el ADN (ácido desoxirribonucleico). Esto tiene varias ventajas, siendo una de las principales, la evaluación de animales jóvenes que aún no tienen sus propios datos fenotípicos (pesadas, medidas y ecografías). Es decir, un animal recién nacido, si es genotipado, puede recibir DEP Enriquecidos para las doce características que hoy se evalúan en el programa ERA, aun sin haber medido ninguna de ellas por su edad. Con respecto a las características nuevas incorporadas últimamente (peso al año, facilidad de parto directa y materna, docilidad y consumo residual), se está en proceso de formar una población de referencia para cada una, cuando la cantidad de datos lo permita, para pasar de los DEP Clásicos a los DEP Enriquecidos.

Cabe destacar que la incorporación y uso de destacados reproductores jóvenes, que permite la evaluación genómica, ayuda a disminuir el intervalo generacional, conduciendo a maximizar el progreso genético de las principales características de interés económico, tanto en los planteles de cabañas como en los rodeos generales, en beneficio de la ganadería argentina. La evaluación genómica de los mencionados animales jóvenes (sin datos) no hace diferencia de género. En consecuencia, tanto los machos como las hembras PP y PC obtienen la misma precisión, pues en ambos casos la fuente de información es el ADN. Es decir, la precisión es independiente del sexo. Como mencionamos, la segunda ventaja también se ve reflejada cuando un criador desea genotipar reproductores que ya están evaluados en el programa ERA, lo cual le permite obtener los DEP Enriquecidos por información genómica ("Enhanced EPDs", según nomenclatura de la American Angus Association). Por tal motivo, dichos criadores también pueden enviarnos las muestras (pelo o sangre) de esos reproductores ya evaluados, a fin de extraer su ADN y genotiparlo. De esta forma se incrementará la precisión de sus DEP.

A través de este nuevo servicio, los socios Angus que evalúen sus animales reciben, como resultado, los DEP Enriquecidos de los mismos, referenciados a nuestra propia población de referencia ("training population"), compuesta por 8902 toros y vientres Angus genotipados con chips de alta densidad (75K o 75.000 SNP). Recuerde que los SNP (single nucleotide polymorphisms) son marcadores moleculares que se encuentran a lo largo de la molécula de ADN, los cuales nos resultan de gran utilidad porque muchos de ellos están asociados a distintas características de interés económico. La población de referencia fue implementada utilizando nuestra base de datos fenotípica del ERA, conformada por 634.810 reproductores, que representan más de 7.000.000 de datos de doce características de interés económico, provenientes de 549 cabañas adheridas al ERA, distribuidas en diez provincias de nuestro país.

En consecuencia, la Base Nacional de Datos del programa ERA, desde abril de 2019, está conformada por tres fuentes de información: genotipados, datos fenotípicos y genealogías. La evaluación de dichas fuentes de información se realiza simultáneamente bajo el procedimiento "un paso" ("one-step"), tal como lo hace la American Angus Association en la Universidad de Georgia. Así, todos los reproductores evaluados son comparables entre sí,

independientemente de las fuentes de información que los generaron. Esta metodología ("one-step") usada para la predicción de los DEP Enriquecidos, requiere que los grupos contemporáneos que integran los animales estén conectados genealógicamente, siendo todos referenciados a los datos fenotípicos totales en la base del ERA, así como también a nuestra propia población de referencia (genotipados de alta densidad). De aquí la necesidad de que los criadores estén adheridos al ERA.

En otras palabras, es necesario que el animal a analizar esté conectado a la población del ERA, para que así sus DEP Enriquecidos sean comparables con los DEP Enriquecidos de los animales pertenecientes a las 549 cabañas ya adheridas. Esta conexión se logra a través de las genealogías que los criadores declaran en los registros de producción que envían al programa ERA. Cabe destacar, además, que la precisión del DEP Enriquecido se irá consolidando a medida que se vaya incrementando la cantidad de animales genotipados y con mayor cantidad de datos fenotípicos (pesadas, medidas y ecografías). Por tal motivo, el aporte de datos fenotípicos al programa ERA nunca debe discontinuarse. En definitiva: más datos fenotípicos y más genotipados significa mejorar la predicción y la precisión.

En consecuencia, en este Resumen de Padres Angus, cuando el programa ERA está cumpliendo sus primeros 33 años, todos los toros padres figuran con DEP Enriquecidos por evaluación genómica. De esta manera, nuestra entidad se pone a la altura de las asociaciones de criadores Angus más importantes del mundo, como lo son las de Estados Unidos, Canadá y Australia, en lo que hace a evaluación genética objetiva de reproductores. Por último, pero no por ello menos importante, este nuevo desafío, el de la evaluación genómica Angus a partir de nuestra propia población de referencia –como la comunidad académica lo recomienda–, es el resultado del trabajo de la Comisión Técnica, con el apoyo incondicional de la Comisión Directiva de la Asociación Argentina de Angus. De esta forma, nuestra Asociación pone al servicio del criador una innovadora herramienta de evaluación y selección para afrontar el futuro, en beneficio de la ganadería argentina.

PARA LOS INTERESADOS EN GENOTIPAR

Como mencionamos, desde abril de 2019 el socio Angus adherido al programa ERA puede obtener de sus animales PP y PC, los DEP Enriquecidos por información genómica y el perfil de parentesco por SNP del animal genotipado (actualmente, con 200 SNP ISAG como mínimo), para ser enviado a la Sociedad Rural Argentina. En el caso de los animales PP, dicho parentesco es confirmado por la SRA, siempre y cuando los padres del ejemplar genotipado también tengan sus perfiles de parentesco por SNP. Cabe recordar que, todas las crías nacidas a partir del 1º de marzo de 2021 tienen que contar con perfil de parentesco por SNP (actualmente, con 200 SNP ISAG como mínimo) y con chequeo de ascendencia contra padre y madre o contra padre solamente –según corresponda– por STR o SNP, para

verificar su filiación. Este análisis tiene que ser realizado por el laboratorio indicado por esta Asociación, mientras que la verificación de parentesco para los animales PP es hecha por la Sociedad Rural Argentina. Sobre este último punto, el de la verificación de parentescos por SNP, corresponde mencionar el rápido avance en su técnica, pues hace un tiempo se usaban alrededor de 96 SNP, luego se pasó a 121 SNP, hoy nuestra Asociación está recibiendo, de GeneSeek, alrededor de 220 SNP ISAG y pronto serán más de 500 SNP los utilizados para verificar parentescos.

¿QUÉ ANIMALES SE PUEDEN GENOTIPAR?

Por el momento, animales PP y PC de cualquier sexo y edad. Para los animales PC, el criador deberá tener en cuenta que Angus realizará una verificación de parentesco interna del animal genotipado. En caso de que no coincida el padre PP declarado al ERA por el criador, el animal PC genotipado será eliminado del ERA y no recibirá los DEP Enriquecidos de la evaluación del ERA.

¿QUÉ DOS OPCIONES DE MUESTRAS SE PUEDEN ENVIAR PARA GENOTIPAR DE CADA ANIMAL?

- Pelos: 80 pelos de la cola, sacados a contrapelo y con bulbo piloso.
- Sangre: 2 muestras de sangre recolectadas en tarjetas especiales (FTA). Las mismas pueden ser solicitadas en las oficinas de la Asociación.

¿DÓNDE PRESENTAR O ENVIAR LAS MUESTRAS?

Las tiene que presentar o enviar a la sede de la Asociación Argentina de Angus: Av. Cerviño 4449, 5º piso – 1425 Buenos Aires.

PLAZOS

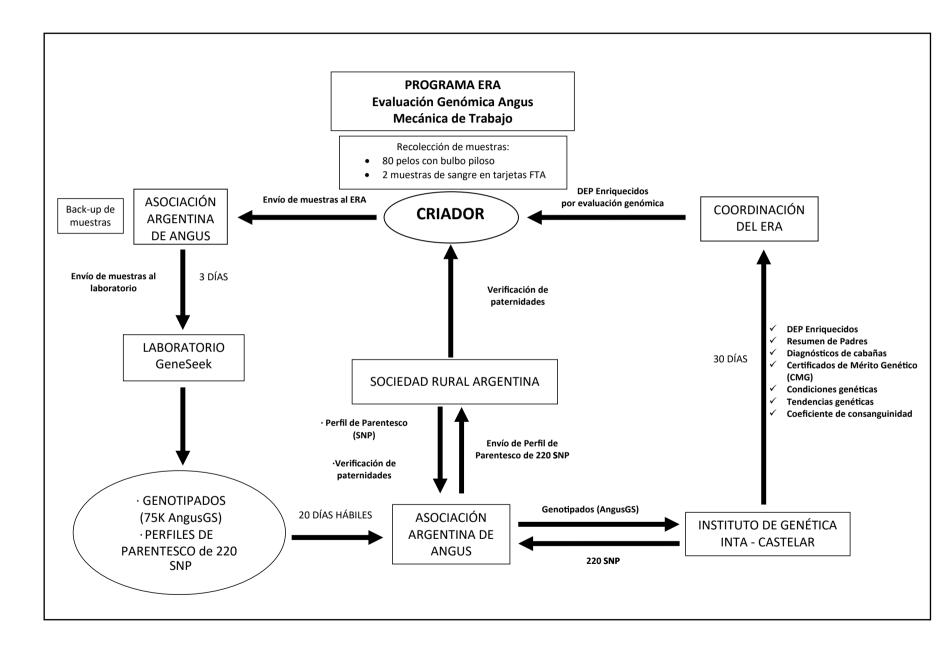
La Asociación realiza dos envíos mensuales de muestras a genotipar al laboratorio GeneSeek (Lincoln, Nebraska, Estados Unidos): el segundo y el cuarto jueves de cada mes. En cada envío son incluidas todas las muestras que hayan llegado a la Asociación hasta tres días antes de efectuarse el mismo.

El único caso en que no se realiza un envío es cuando no se acumula un mínimo de 24 muestras en total, de todos los criadores. Las mismas son enviadas en la próxima fecha, si en ésta se acumula el mínimo requerido. Una vez que la Asociación recibe los genotipados y los perfiles de parentesco del ADN extraído de las muestras por GeneSeek, dicha información se incorpora a la Base Nacional de Datos del programa ERA y se predicen los DEP Enriquecidos, los cuales son enviados al socio Angus, a los 90 días corridos de haber sido enviadas sus muestras a GeneSeek.



Respecto al parentesco verificado por la Sociedad Rural Argentina, dicha entidad se lo informa a sus socios por los canales habituales.

El siguiente **Diagrama** corresponde a la mecánica de trabajo para genotipar reproductores Angus:



DOCUMENTACIÓN PARA PODER ENVIAR A GENOTIPAR

En nuestra web (www.angus.org.ar) se encuentran para descargar los archivos necesarios para que el socio Angus envíe a genotipar sus animales: el sobre para enviar las muestras de pelo (también puede ser otro sobre, siempre y cuando tenga los mismos datos solicitados) y la solicitud de análisis de ADN que deberá acompañar la entrega de las muestras (pelo o sangre). En este sentido, le pedimos muy especialmente completar toda la información requerida. De haber datos faltantes, las muestras no serán enviadas a analizar, hasta que el criador complete los mismos.

CONTACTO

Ing. P. A. Agustín R. Curutchet o Sol García Guerra: Tel.: 4774-0065, int. 32. E-mail: eragenomica@angus.org.ar

3. ESTABLECIMIENTOS ADHERIDOS AL PROGRAMA E.R.A.

Al cierre de este Resumen de Padres, 549 establecimientos están adheridos al programa ERA, cuyos 634.810 (22.458 más que en el Resumen anterior) animales PP y PC integran la Base Nacional de Datos del programa ERA.

4. CABAÑAS CON EVALUACIÓN GENÓMICA BASADA EN EL E.R.A.

Como se mencionó, dichos 549 establecimientos adheridos aportan al programa ERA la información de sus controles de producción (pesos, circunferencia escrotal, altura, medidas ecográficas, códigos de docilidad, genotipados, etc.) de sus crías Angus PP y PC, siempre provenientes de toros padres PP. Al respecto, en este Resumen de Padres Angus se listan sólo aquellos toros activos que tienen al menos 10 crías entre el año 2017 y la edición de la presente publicación: 1710 padres listados de los 11.413 evaluados. A partir de 2019, el programa ERA brinda a los criadores Angus la posibilidad de disponer de los DEP Enriquecidos por evaluación genómica (genotipado de ADN) de sus rodeos PP y PC, relacionados a nuestra propia "población de referencia", a través de un servicio arancelado, como se describe a continuación.

Evaluación genómica particular ERA. Los criadores arancelados al ERA reciben un diagnóstico particular de su establecimiento, basado en los DEP Enriquecidos resultantes del mencionado programa (comparación nacional), para todas las categorías de animales PP y PC (toros, toritos, vientres, vaquillonas, terneros y terneras). A través de este diagnóstico particular, los criadores Angus

pueden saber cómo producen sus reproductores en comparación con el resto de la población nacional de la raza (ERA), así como también utilizar esta evaluación genómica para prácticas de selección o descarte, publicar en sus catálogos de remate, acceder a exposiciones y exportar reproductores con Certificado de Mérito Genético (CMG) relativo a la Base Nacional de Datos del programa ERA, entre otras ventajas.

Este diagnóstico brinda DEP Enriquecidos para las principales características asociadas a la eficiencia reproductiva, precocidad de crecimiento, rendimiento y calidad de carne: largo de gestación, pesos al nacer, al destete y final, leche, altura, circunferencia escrotal, espesor de grasa dorsal y de cadera, porcentaje de grasa intramuscular, área de ojo de bife y porcentaje de cortes minoristas. También contiene gráficos que ilustran las tendencias genómicas del rodeo, es decir, muestran la evolución de tales características a través de los años, permitiendo saber el progreso genético de acuerdo con los objetivos de selección determinados por el criador. Otros beneficios de este arancelamiento son la obtención del CMG oficial de cualquier reproductor PP evaluado y el acceso al Sistema Angus (a través de la web y aplicación Angus), para que el criador pueda consultar la información en el ERA de sus animales PP y PC.

A continuación, se listan las cabañas que poseen su evaluación genómica particular (servicio arancelado) del programa ERA:

ESTABLECIMIENTO	PROPIETARIO
14 de Abril	Teodelina S.A.
Agromelú	Martín F. Lizaso
Aitué	Daniel R. Fuente
Amakaik	Gule S.R.L.
Ancalú	Diego Otamendi
Angus La Materna	Javier P. Chaulet
Angus Santa Cecilia	Raicear S.A.
Atigué	Gualdesi Hnos. S.R.L.
Bototí Picú	Barcia Holzer S.A
Camino Viejo	Martín Salgado
Campazú	Campazú S.A.
Capiquí	Aurora Sur S.A.
Cardosanto	Cardosanto S.A.
Casamú	Casamú S.A.
Chañar Chico	Chañar Chico de Teso S.A.
Charles	Charles de Guerrero S.A.
Clen Antú	Clen Antú S.A.
Coembotá	Andrés F. Calderón
Curacó	Curacó S.A.
Doble Hache	Ciiado S.H.
Don Abraham	Karen Groenenberg
Don Carlos	Estancia Don Carlos S.A.
Don Fioto	Correndo Schefer e Hijos S.H.
Don Florencio	Oscar M. Busquet e Hijo S.A.
Don Gino	Don Gino S.A.



ESTABLECIMIENTO	PROPIETARIO
Don José	José C.V. Mammoliti S.A.
Don Leo	Igocfan S.A.
Don Luis	Estancia Don Luis S.A.
Don Miguel	Verónica Demaría Massey de García Llorente
Don Pancho	Don Pancho S.R.L.
Don Rodolfo	Mario R. Sívori
Don Romeo	Alejandro E. Spinella
Doña Sofía	Cabaña Doña Sofía S.A.
El Aguaribay	Mario E. Sieber
El Bonete	Bellamar Estancias S.A.
El Cerrillo	Manuel Olarra
El Cerro	Mackrey Agropecuaria S.A.
El Chajá (ERA y MIDA)	Agropecuaria Ibis S.A.A.G.I.
El Cholo	Susana Turrin y Omar Seibel
El Mirador	Ruiz Pérez y Cía. S.A.
El Mojón	Norberto y Jorge Mohr S.H.
El Morrito	Pedro Forgue
El Piquete	Miguel A. Ballester
El Ranchito	Las Manadas S.A.A.
El Rincón	Aldo Biscardi
El Señuelo	Agroservicios Latisana S.A.
El Trueque	El Trueque S.A.
El Viejo Mito	El Viejo Mito S.A.
El Viejo Zorzal	Rodeo El Delmo S.A.
El Volcán (ERA y MIDA)	Dinfe S.A.
El Yeruá	E. y H. Buffa y J.P. Knudtsen S.H.
Güe Glen Sur	Raúl A. Zanguitu
Huaca-Curú	Suc. de Jorge Blanco Villegas S.H.
Inambú	Cabaña Inambú S.A.
Isolet	Isolet S.A.
lotace	Juan Carlos Sagarzazu
Juancito	Juan Carlos Mayoral
La Angelita	Salvini e Hijos
La Argentina	Ricardo Cantarelli
La Barrancosa	La Barrancosa S.A.
La Bellaca	Lauro Gilardi (h)
La Biznaga (MIDA)	Ledesma S.A.A.I.
La Biznaga 1S (MIDA)	Ledesma S.A.A.I.
La Cascada	La Cascada S.A.
La Cassina	La Cassina S.A.
La Cirila	Ricardo Ziegenfuhs
La Cló	Burg S.A.
La Conquista	Suc. de Pedro H. Lloret
La Distancia	La Distancia Prod. Agropec. S.R.L.
La Edelmira	Edelín Agropecuaria S.A.
La Encrucijada	Nora García de Blaye
La Escondida (ERA y MIDA)	Suc. de José Moreno S.A.
La Esencia	Alejandro M. Aznar
La Esmeralda	Cominagro Ganadera S.A.
La Estrellita	Batial S.A.

ESTABLECIMIENTO	PROPIETARIO
La Guagua	Victoria Explotaciones S.R.L.
La Haydée	Labaca S.A.
La Helvecia	Bujamar S.A.
La Huella	Carlos Rocca Gennari
La Ilusión	Agro-Seiseme S.R.L.
La India	Quince Escobas S.A.
La Indiana (ERA y MIDA)	Golpe de Agua S.C.A.
La Juanita	Carlos Ojea Rullán
La Legua	Cía. La Legua S.A.
La Llovizna	Est. La Llovizna S.A.
La Loma	Hemabe S.R.L.
La Madrugada	J. Llorente y Cía. S.A.
La Margarita	Litomar S.A.A.I. y C.
La Morada	Alpaeupa S.A.
La Negra	Establecimientos La Negra S.C.A.
La Ñata	La Ñata S.A.
La Pastoriza	El Madrigal S.R.L.
La Paz	G., N. y N. Werthein S.A.
La Pelada	Terra Garba S.A.C.A.I. y F.
La Piedrita	Julio Méndez
La Pluma	La Pluma de Firpo S.A.
La Querencia	La Ouerencia de Arata Hnos S.A.
La Reforma	Zeberio Hnos. S.A.
La Reserva	Silvio M. Castro
La Rinconada	Gabriela Lanusse
La Rubeta	Rubeta S.A.
La Tigra	Est. y Cab. La Centella S.A.
La Torcacita	Piray Miní S.A.
La Unión	Agropecuaria La Unión S.R.L.
La Virtuosa	Cibus Argentina S.A.
Las Blancas	Delfinagro S.A.
Las Cortaderas	Estanar Estancias Argentinas S.A.
Las Lilas	Estancias y Cabaña Las Lilas S.A.
Las Tranqueras	Horacio La Valle
Las Veteranas	Genética Pampeana S.A.
	Estancia Kel S.A.
Lomas Pampas	
Los Bichos	Agrícola Carlos Keen S.A.
Los Ceibos	Est. Los Ceibos S.A.
Los Murmullos	Cía. Argentina de Hacienda S.A.
Los Pamperos	Est. Agropec. Los Pamperos S.A.
Los Tigres (ERA y MIDA)	Juan A. Lafontaine
Malele	Arandú S.A.
María Lucía	Pedro y Alejandro Ferrero S.C.
Mayacó	Agropecuaria Mayacó S.A.
Mis Amores	Guillermo Scanlan
Monte Nuevo	Cifre Agropecuaria S.A.
Moromar	Safico S.A. Financiera y Comercial
Namuncurá	Agroganadera Namuncurá S.A.S.

ESTABLECIMIENTO	PROPIETARIO
Oma Nicki	Posavina S.A.
Paymá	Suc. de Osvaldo Otero S.A.
Río Seco	Cía. Anglo Córdoba de Tierras S.A.
San Carlos	Explot. San Carlos Pringles S.A.
San Edmundo	Fernando Hernández
San Leoncio	Riczi S.A.
San Nemesio	Inés L. Schindler
Santa Cecilia	Héctor M. Eyherabide
Santa Elena	Ricardo Comisso
Santa Lucía	Ganadera del Villaguay S.A.
Santa Micaela	Agropecuaria Santa Micaela S.C.
Santa Rita	Antiguas Est. Don Roberto S.A.
Santa Rosa	Indio Nuevo S.A.
Santa Sergia	Cabaña Santa Sergia S.A.
Santo Tomás de la Sierra	Don Benjamín S.A.
Tachwüll	Martín Casá
Tres Marías	Cabaña Tres Marías S.A.
Tres T	Tres T S.A.
Trumil	Trumil S.A.
Zelduar	Estela Parisi

Evaluación genética ¡MIDA!

La evaluación genética ¡MIDA! (Método Interno de DEP Angus) es dentro de un plantel o rodeo Angus particular. Esta es una evaluación en base a DEP Clásicos de todas las categorías de animales, pero a diferencia de la del ERA, se pueden incluir animales Angus de rodeo general. Los DEP que se obtienen sirven para comparar reproductores, pero sólo dentro del establecimiento. Es decir, dichos DEP no son comparables con los de otros planteles o rodeos, pues esta evaluación no es a nivel nacional, como la del ERA. Sí, en cambio, pueden formarse los denominados Grupos ¡MIDA!, donde un grupo de cabañas realiza una evaluación conjunta, siempre y cuando los rodeos estén conectados genealógicamente (ancestros comunes) en base a las pautas previamente mencionadas. En este caso, todos los reproductores que integran el Grupo ¡MIDA! son comparables entre sí. Otra ventaja que tiene la evaluación ¡MIDA! es que las crías sin padre ni madre identificados son igualmente evaluadas, siempre y cuando ellas conformen grupos contemporáneos. También es un servicio arancelado. Las características que se agregaron últimamente, como peso al año, facilidad de parto directa y materna, se evalúan a través del MIDA.

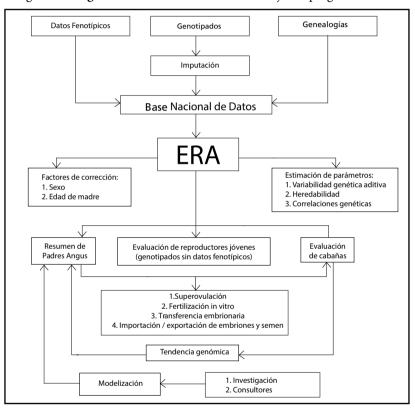
5. BASE NACIONAL DE DATOS ANGUS

Los datos fenotípicos o de producción (pesadas, medidas, códigos de docilidad y ecografías), así como también las muestras de pelo o sangre para extraer ADN –para producir e incluir los genotipados– y la información genealógica es todo

suministrado por los criadores, para producir la Base Nacional de Datos del programa ERA, de la cual resulta el presente Resumen de Padres de la raza.

La mencionada Base cuenta actualmente con 634.810 reproductores PP y PC evaluados. Esto nos permite contar con 11.413 toros evaluados en todas las mencionadas características asociadas a eficiencia reproductiva, precocidad de crecimiento, rendimiento y calidad de carne.

El siguiente **Diagrama** describe la mecánica de trabajo del programa ERA:



6. EL MODELO ANIMAL: PROCEDIMIENTO ONE-STEP

Para el análisis de los datos incluidos en este Resumen de Padres se utilizó el MA (Modelo Animal) con el procedimiento "one-step", ya que es el modelo operacional o de trabajo más avanzado, por describir mejor las características de interés económico en producción de carne y leche. Se denomina MA porque todos los animales que integran la Base Nacional de Datos del programa ERA, sin



distinción de sexo ni edad, son evaluados genéticamente, es decir, toros, toritos, vientres, vaquillonas, terneros y terneras reciben sus DEP Enriquecidos.

Como podemos apreciar, el MA tiene ventajas respecto de otros modelos. En primer lugar, no sólo evalúa toros, sino, además, vientres. Por otro lado, los toritos, vaquillonas, terneros y terneras, es decir los futuros padres de la raza, también reciben sus respectivos DEP Enriquecidos. Otra cualidad del MA es que todas las relaciones de parentesco entre los animales incluidos en la Base Nacional de Datos del programa ERA son utilizadas para aumentar el grado de confiabilidad –en otras palabras, la PREC (Precisión)– de dichos DEP Enriquecidos. En tal sentido, los DEP Enriquecidos para cada toro y vientre son calculados a partir de varias fuentes de información: la propia, la de su progenie, la de otros parientes (genealógica) y la de los genotipados (ADN). En cambio, en el caso de los animales que aún no dejaron descendencia, las fuentes de información son: la propia, la de sus parientes (genealógica) y la de su genotipado (si fue enviado a genotipar).

Para peso al destete, el MA permite, asimismo, predecir dos DEP Enriquecidos: uno directo, que refleja el potencial de crecimiento hasta el destete, y otro materno, relacionado al potencial de producción de leche, expresado por sus hijas a través del peso al destete de sus nietos u otros parientes.

Dentro del MA usamos el análisis Multiple Traits (Múltiples Características) para peso al destete, leche y peso final, así como también en las características que hacen al rendimiento y calidad de carne. Este análisis permite corregir, en alguna medida, por la pérdida de datos debido a la selección que ocurre entre el destete (578.520 registros) y el peso final (357.447 registros). Con este fin se usa la correlación genética entre el peso al destete y la ganancia diaria posdestete. Esto nos permite usar información de peso al destete proveniente de una población menos afectada por la selección, para obtener el DEP Enriquecido de la ganancia posdestete, a los fines de construir el DEP Enriquecido de peso final. De la misma forma se procedió con las características carniceras. Similar estrategia es aplicada por la American Angus Association.

En resumen, al realizar evaluación genómica se incluye una nueva fuente de información: los genotipados (ADN) de los reproductores. En consecuencia, tenemos tres fuentes de información: datos fenotípicos, datos genómicos y genealogías. Desde 2019, que por primera vez realizamos la evaluación genómica, utilizamos el procedimiento "one-step", que tiene la ventaja de usar conjuntamente todas las mencionadas fuentes y obtener simultáneamente los DEP Enriquecidos por evaluación genómica. Los DEP Enriquecidos se van recalibrando año tras año, a medida que ingresan más genotipados y más datos fenotípicos.

Por motivos prácticos, la Asociación Argentina de Angus publica el Resumen de Padres, mientras que los DEP Enriquecidos para los toros –incluidos o no en este Resumen–, vientres, toritos, vaquillonas, terneros y terneras son calculados y entregados por ella a los establecimientos adheridos al ERA (servicio arancelado).

7. RANGOS DE DEP, PERCENTILES Y CAMBIO POSIBLE

RANGOS DE DEP ENRIQUECIDOS

Para cada característica de importancia económica hay un DEP Enriquecido máximo y un DEP Enriquecido mínimo, conformando lo que se denomina un rango de DEP Enriquecidos, ya que estos se distribuyen entre esos dos valores extremos. Los rangos de los DEP Enriquecidos pueden variar entre un Resumen de Padres y otro. En la **Tabla 1** se muestra la cantidad de toros evaluados, el número de registros analizados y los rangos de DEP Enriquecidos para las distintas características consideradas en el presente Resumen de Padres, con sus correspondientes unidades. Recuerde que los DEP Enriquecidos se expresan en la misma unidad de medida.

Los rangos expuestos en esta **Tabla 1** son de utilidad, pues ayudan a interpretar la selección de un determinado reproductor en base a los DEP Enriquecidos, y a ver dentro de estos valores extremos dónde él está ubicado. Esto le permite predecir si usted se moverá en la dirección deseada de acuerdo con sus objetivos de selección. Recuerde que es usted quien fija las metas de selección. El Resumen de Padres es sólo una herramienta objetiva para llegar a ellas, pero no fija direcciones en uno u otro sentido. Los DEP Enriquecidos son la mejor herramienta de selección que cuenta el criador para producir cambios direccionales, en características de interés económico, de acuerdo con los objetivos de su programa de mejoramiento.

TABLA 1. RANGO DE DEP ENRIQUECIDOS DE LOS TOROS PADRES POR CARACTERÍSTICA

Característica	Cantidad de Toros	Cantidad de Registros	Rango de DEP	Unidad
Largo de Gestación	6.867	101.183	-3.1 a 3.9	días
Peso al Nacer	9.937	592.090	-5.0 a 4.4	kilos
Peso al Destete	9.752	578.520	-23.6 a 29.4	kilos
Leche	9.752	289.570	-18.5 a 17.0	kilos
Docilidad	364	3.728	-3.8 a 8.3	%
Peso Final	8.401	357.447	-51.6 a 51.5	kilos
Circunferencia Escrotal	8.197	176.035	-1.1 a 3.3	cm
Altura	8.046	226.441	-4.2 a 7.6	cm
Espesor de Grasa Dorsal	5.432	110.924	-1.4 a 5.6	mm
Espesor de Grasa de Cadera	5.407	108.145	-2.4 a 6.1	mm
Porcentaje de Grasa Intramuscular	5.525	105.797	-0.4 a 0.8	%
Área de Ojo de Bife	5.485	110.200	-6.2 a 10.0	cm²
Porcentaje de Cortes Minoristas	5.417	93.281	-5.1 a 2.6	%

PERCENTILES

Se sabe que la evaluación en DEP Enriquecidos de un toro está dentro de un rango, propio de la característica evaluada (**Tabla 1**). Sin embargo, ese rango es útil como primera aproximación, ya que no nos permite precisar en qué posición se ubica (en términos de porcentaje) el toro seleccionado dentro de toda la población evaluada.

Por tal motivo, en las **Tablas 2a, 2b, 2c** y **2d** de este Resumen de Padres Angus presentamos los porcentajes de toros padres, toritos, vaquillonas y vientres, respectivamente, por encima o por debajo de determinados valores de DEP Enriquecidos –también conocidos como percentiles–, tanto para las características de crecimiento como para las carniceras, y basados en las pariciones de 2017 y 2019 ("current sires"), con el propósito que los criadores y productores comerciales puedan interpretar de manera más precisa su distribución y ubicación relativa de las diferentes categorías.

En tal sentido, cuando el usuario del Resumen de Padres Angus busca, por ejemplo, un toro para usar en vaquillonas seguramente elegirá el que tenga un DEP Enriquecido negativo para peso al nacer. Pero con la ayuda de la **Tabla 2a** ahora puede ser más preciso: seleccionar aquel que no sólo sea negativo, sino que se ubique, por ejemplo, dentro del 5% de los más negativos. En este caso, la **Tabla 2a** nos indica a partir de qué valor negativo de DEP Enriquecido para peso al nacer se acumula el 5% de los toros más negativos.

Por el contrario, si se desea seleccionar toros con DEP Enriquecidos positivos para incrementar cierta característica, la **Tabla 2a** brinda la misma utilidad. Pero en este caso hay que ser cautelosos. Por ejemplo, si se quiere aumentar

leche, está bien elegir toros con DEP Enriquecidos positivos para esta característica, pero hay que tener cuidado de que no sean extremadamente positivos, pues en un futuro se podría ver afectada la eficiencia reproductiva de los vientres. Esto también es válido para otros rasgos, como peso al destete y peso final, pues los DEP Enriquecidos extremadamente altos probablemente conduzcan a un aumento de tamaño corporal con sus correspondientes consecuencias negativas. Como fue mencionado, esta **Tabla 2a** se calcula en base a los toros padres responsables de las pariciones de 2017 y 2019, llamados "current sires" por la American Angus Association. Es importante destacar que los promedios de dichos toros se aproximan al percentil 50.

Otra ventaja de los percentiles, respecto de los rangos de DEP Enriquecidos, es que describen con más exactitud si los toros, toritos, vaquillonas y vientres seleccionados son extremos o moderados dentro de cada característica evaluada. Se recuerda que el criador, dentro de las cuatro **Tablas** de percentiles que ofrecemos a continuación, tiene que usar la correspondiente a la categoría que desea consultar.

Por último, cabe aclarar que la Comisión Técnica de la Asociación, a partir del Resumen de Padres Angus 2020, decidió invertir el ordenamiento de los percentiles de los DEP Enriquecidos en las características de espesor de grasa dorsal (EGD) y de espesor de grasa de cadera (EGC), en las siguientes cuatro tablas de percentiles correspondientes a las cuatro categorías (2a toros, 2b toritos, 2c vaquillonas y 2d vientres). De esta forma, los reproductores de mayores DEP Enriquecidos para las características de EGD y EGC están ahora ubicados en la parte superior de las mencionadas **Tablas**. Las restantes características mantienen el mismo ordenamiento habitual.

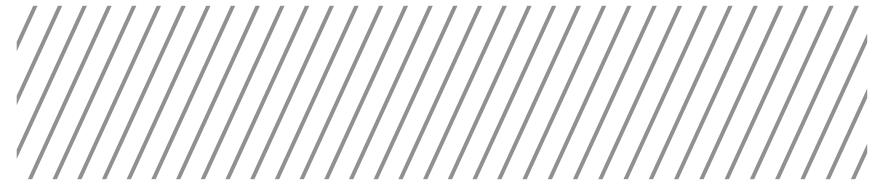




TABLA 2a. PERCENTILES: PORCENTAJES DE TOROS PADRES POR ENCIMA O DEBAJO DE DETERMINADOS VALORES DE DEP ENRIQUECIDOS

	DEP LG	DEP PN	DEP PD	DEP LECHE	DEP DOCIL	DEP PF	DEP CE	DEP ALT	DEP EGD	DEP EGC	DEP %GI	DEP AOB	DEP %CM
1%	-2,1	-2,9	+17,4	+8,1	+7,9	+49,7	+2,5	+3,8	+1,03	+1,64	+0,17	+5,6	+1,6
2%	-1,9	-2,5	+15,6	+7,7	+7,3	+44,9	+2,3	+3,4	+0,92	+1,47	+0,15	+5,5	+1,4
3%	-1,7	-2,4	+14,3	+7,0	+6,8	+42,2	+2,1	+3,2	+0,85	+1,36	+0,13	+5,1	+1,2
4%	-1,7	-2,3	+14,3	+6,1	+6,5	+40,1	+2,1	+3,2	+0,81	+1,18	+0,11	+5,1	+1,1
5%	-1,6	-2,2	+13,9	+5,8	+6,3	+39,5	+2,0	+3,1	+0,73	+1,13	+0,11	+4,9	+0,9
10%	-1,3	-1,6	+11,9	+4,9	+5,2	+35,4	+1,8	+2,8	+0,57	+1,02	+0,07	+4,0	+0,6
15%	-1,2	-1,2	+10,4	+4,0	+4,3	+31,1	+1,6	+2,5	+0,56	+0,92	+0,06	+3,7	+0,5
20%	-0,9	-1,0	+9,4	+3,3	+3,3	+27,9	+1,5	+2,3	+0,51	+0,82	+0,05	+3,2	+0,4
25%	-0,9	-0,8	+8,7	+3,0	+2,5	+25,3	+1,5	+2,2	+0,46	+0,73	+0,04	+2,9	+0,3
30%	-0,7	-0,6	+8,2	+2,5	+2,0	+23,6	+1,4	+2,1	+0,39	+0,68	+0,03	+2,6	+0,2
35%	-0,6	-0,4	+7,6	+2,2	+1,7	+22,4	+1,3	+2,0	+0,35	+0,61	+0,02	+2,2	+0,1
40%	-0,5	-0,2	+6,9	+2,0	+1,4	+20,8	+1,3	+1,9	+0,32	+0,59	+0,01	+2,0	+0,0
45%	-0,4	-0,1	+6,1	+1,7	+1,2	+18,4	+1,3	+1,9	+0,28	+0,54	+0,01	+1,9	+0,0
50%	-0,3	+0,0	+5,7	+1,4	+1,0	+17,0	+1,2	+1,7	+0,25	+0,50	+0,00	+1,6	-0,1
55%	-0,2	+0,0	+5,1	+1,1	+0,9	+16,5	+1,2	+1,6	+0,21	+0,45	-0,01	+1,5	-0,2
60%	-0,1	+0,1	+4,8	+0,8	+0,8	+15,9	+1,1	+1,5	+0,17	+0,39	-0,01	+1,3	-0,3
65%	+0,0	+0,2	+4,3	+0,5	+0,7	+14,5	+1,0	+1,4	+0,14	+0,33	-0,02	+1,1	-0,4
70%	+0,1	+0,3	+3,9	+0,2	+0,6	+13,1	+1,0	+1,3	+0,12	+0,28	-0,03	+1,0	-0,4
75%	+0,2	+0,4	+3,4	-0,3	+0,4	+10,2	+0,9	+1,0	+0,07	+0,20	-0,05	+0,8	-0,6
80%	+0,3	+0,4	+2,2	-0,7	+0,2	+8,5	+0,8	+0,8	+0,04	+0,15	-0,05	+0,6	-0,7
85%	+0,5	+0,6	+1,0	-1,4	-0,1	+5,6	+0,8	+0,6	-0,02	+0,08	-0,07	+0,2	-0,7
90%	+0,7	+0,9	+0,0	-2,2	-0,5	+2,0	+0,7	+0,5	-0,09	-0,02	-0,09	-0,1	-0,9
95%	+1,0	+1,1	-2,6	-3,9	-1,1	-1,8	+0,4	+0,1	-0,17	-0,19	-0,09	-0,8	-1,2
100%	+2,4	+2,2	-18,7	-10,7	-3,8	-50,2	-0,3	-2,3	-0,70	-0,84	-0,33	-4,9	-2,8
Promedio	-0,4	-0,2	+6,2	+1.0	+1,4	+17,9	+1,2	+1,6	+0,26	+0.49	+0.00	+1,8	-0,1

REFERENCIAS: LG (largo de gestación), PN (peso al nacer), PD (peso al destete), LECHE (leche), DOCIL (docilidad), PF (peso final), CE (circunferencia escrotal), ALT (altura), EGD (espesor de grasa dorsal), EGC (espesor de grasa de cadera), %GI (porcentaje de grasa intramuscular), AOB (área de ojo de bife), %CM (porcentaje de cortes minoristas). Los percentiles del DEP de docilidad son calculados en base a DEP Clásicos.



+0,8

+1,0

+3,7

+0,5

-1,1

-22,4

-1,9

-2,9

-10,0

+2,1

-2,6

-51,6

	TA	ABLA 2b. PERC	ENTILES: POR	CENTAJES DE 1	TORITOS POR E	NCIMA O DEB	AJO DE DETERN	MINADOS VAL	ORES DE DEP E	NRIQUECIDOS		
	DEP LG	DEP PN	DEP PD	DEP LECHE	DEP PF	DEP CE	DEP ALT	DEP EGD	DEP EGC	DEP %GI	DEP AOB	DEP %CM
1%	-1,7	-2,3	+15,6	+6,3	+47,9	+2,2	+4,0	+1,01	+1,49	+0,14	+5,1	+1,1
2%	-1,5	-2,0	+14,2	+5,7	+43,9	+2,1	+3,7	+0,87	+1,31	+0,12	+4,5	+0,9
3%	-1,4	-1,8	+13,5	+5,3	+41,1	+2,0	+3,5	+0,80	+1,21	+0,11	+4,1	+0,8
4%	-1,4	-1,6	+12,9	+5,0	+38,9	+1,9	+3,4	+0,73	+1,12	+0,10	+3,9	+0,8
5%	-1,3	-1,5	+12,4	+4,7	+37,5	+1,8	+3,3	+0,69	+1,07	+0,09	+3,8	+0,7
10%	-1,1	-1,1	+10,8	+3,9	+32,4	+1,7	+3,0	+0,54	+0,88	+0,07	+3,2	+0,5
15%	-0,9	-0,9	+9,8	+3,3	+29,3	+1,5	+2,7	+0,46	+0,77	+0,06	+2,8	+0,4
20%	-0,8	-0,7	+9,0	+2,9	+26,8	+1,5	+2,6	+0,40	+0,68	+0,05	+2,5	+0,3
25%	-0,7	-0,5	+8,3	+2,5	+24,6	+1,4	+2,4	+0,35	+0,62	+0,04	+2,3	+0,2
30%	-0,6	-0,4	+7,7	+2,2	+22,7	+1,3	+2,3	+0,31	+0,57	+0,03	+2,1	+0,1
35%	-0,5	-0,3	+7,2	+1,9	+21,1	+1,3	+2,2	+0,28	+0,52	+0,02	+1,9	+0,1
40%	-0,4	-0,2	+6,6	+1,6	+19,5	+1,2	+2,1	+0,24	+0,47	+0,01	+1,7	+0,0
45%	-0,3	-0,1	+6,1	+1,3	+18,0	+1,2	+2,0	+0,21	+0,43	+0,01	+1,5	+0,0
50%	-0,3	+0,0	+5,7	+1,1	+16,6	+1,1	+1,9	+0,19	+0,38	+0,00	+1,4	-0,1
55%	-0,2	+0,1	+5,2	+0,8	+15,1	+1,1	+1,8	+0,16	+0,34	-0,01	+1,2	-0,2
60%	-0,1	+0,2	+4,7	+0,5	+13,6	+1,0	+1,7	+0,13	+0,30	-0,01	+1,0	-0,2
65%	+0,0	+0,2	+4,2	+0,2	+12,1	+0,9	+1,6	+0,11	+0,26	-0,02	+0,8	-0,3
70%	+0,0	+0,3	+3,6	-0,1	+10,6	+0,9	+1,4	+0,08	+0,22	-0,03	+0,7	-0,4
75%	+0,1	+0,4	+3,1	-0,4	+8,9	+0,8	+1,3	+0,05	+0,17	-0,03	+0,5	-0,4
80%	+0,2	+0,5	+2,3	-0,8	+7,1	+0,8	+1,2	+0,01	+0,12	-0,04	+0,2	-0,5
85%	+0,3	+0,6	+1,5	-1,3	+4,8	+0,7	+1,0	-0,03	+0,06	-0,05	-0,1	-0,6

REFERENCIAS: LG (largo de gestación), PN (peso al nacer), PD (peso al destete), LECHE (leche), PF (peso final), CE (circunferencia escrotal), ALT (altura), EGD (espesor de grasa dorsal), EGC (espesor de grasa de cadera), %GI (porcentaje de grasa intramuscular), AOB (área de ojo de bife), %CM (porcentaje de cortes minoristas).

+0,6

+0,4

-0,7

+0,8

+0,4

-1,7

-0,08

-0,15

-1,24

-0,02

-0,14

-1,77

-0,07

-0,09

-0,34

-0,4

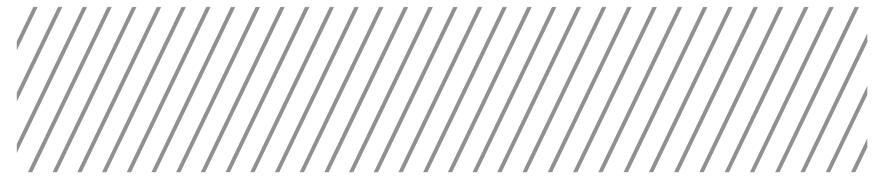
-1,0

-4,1

-0,8

-1,0

-3,7



90%

95%

100%

+0,5

+0,7

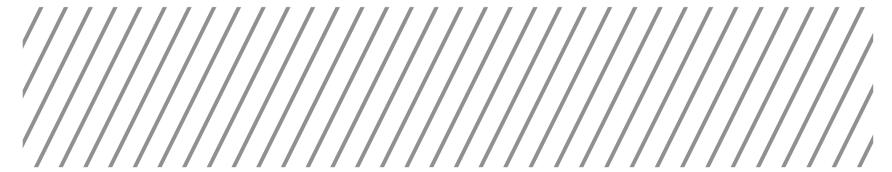
+1,8



TABLA 2c. PERCENTILES: PORCENTAJES DE VAQUILLONAS POR ENCIMA O DEBAJO DE DETERMINADOS VALORES DE DEP ENRIQUECIDOS

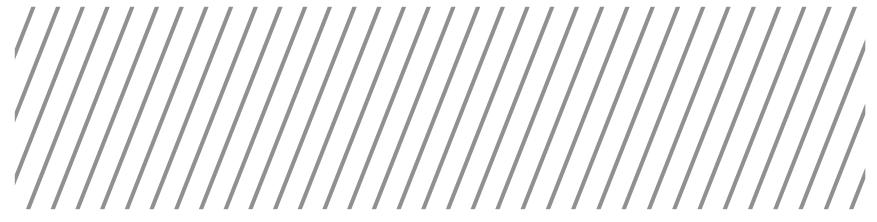
	DEP LG	DEP PN	DEP PD	DEP LECHE	DEP PF	DEP ALT	DEP EGD	DEP EGC	DEP %GI	DEP AOB	DEP %CM
1%	-1,8	-2,3	+16,0	+6,4	+48,3	+3,9	+1,01	+1,43	+0,17	+5,2	+1,2
2%	-1,6	-2,0	+14,4	+5,8	+43,6	+3,7	+0,89	+1,28	+0,14	+4,7	+1,0
3%	-1,5	-1,8	+13,7	+5,4	+41,6	+3,5	+0,81	+1,20	+0,12	+4,5	+0,8
4%	-1,4	-1,7	+13,1	+5,1	+39,6	+3,4	+0,75	+1,14	+0,11	+4,2	+0,8
5%	-1,3	-1,6	+12,6	+4,8	+38,1	+3,3	+0,71	+1,10	+0,10	+4,0	+0,7
10%	-1,1	-1,2	+11,0	+3,9	+33,4	+3,0	+0,57	+0,92	+0,08	+3,5	+0,5
15%	-0,9	-0,9	+9,9	+3,4	+30,3	+2,7	+0,50	+0,81	+0,06	+3,1	+0,4
20%	-0,8	-0,7	+9,1	+3,0	+28,1	+2,6	+0,45	+0,73	+0,05	+2,8	+0,3
25%	-0,7	-0,6	+8,5	+2,6	+26,1	+2,5	+0,41	+0,66	+0,04	+2,6	+0,2
30%	-0,6	-0,4	+7,9	+2,3	+24,5	+2,3	+0,37	+0,61	+0,03	+2,3	+0,1
35%	-0,5	-0,3	+7,4	+2,0	+22,9	+2,2	+0,33	+0,56	+0,02	+2,1	+0,0
40%	-0,4	-0,2	+6,9	+1,7	+21,3	+2,1	+0,30	+0,51	+0,01	+1,9	+0,0
45%	-0,4	-0,1	+6,3	+1,4	+19,8	+2,0	+0,27	+0,47	+0,01	+1,8	-0,1
50%	-0,3	+0,0	+5,8	+1,1	+18,3	+1,9	+0,24	+0,44	+0,00	+1,6	-0,1
55%	-0,2	+0,0	+5,3	+0,8	+17,0	+1,8	+0,22	+0,39	-0,01	+1,4	-0,2
60%	-0,1	+0,1	+4,8	+0,6	+15,5	+1,7	+0,19	+0,35	-0,01	+1,2	-0,3
65%	-0,1	+0,2	+4,2	+0,3	+14,0	+1,6	+0,16	+0,31	-0,02	+1,0	-0,3
70%	+0,0	+0,3	+3,7	+0,0	+12,3	+1,5	+0,13	+0,27	-0,03	+0,8	-0,4
75%	+0,1	+0,4	+3,1	-0,3	+10,5	+1,4	+0,09	+0,22	-0,04	+0,7	-0,5
80%	+0,2	+0,5	+2,4	-0,7	+8,5	+1,2	+0,05	+0,16	-0,04	+0,4	-0,6
85%	+0,3	+0,6	+1,6	-1,2	+6,1	+1,0	-0,02	+0,10	-0,05	+0,2	-0,7
90%	+0,5	+0,8	+0,6	-1,9	+3,3	+0,8	-0,09	+0,02	-0,07	-0,2	-0,8
95%	+0,7	+1,0	-0,9	-2,8	-1,1	+0,5	-0,19	-0,11	-0,09	-0,6	-1,1
100%	+2,0	+2,9	-22,0	-10,2	-23,3	-1,6	-0,88	-1,12	-0,35	-4,6	-3,1

REFERENCIAS: LG (largo de gestación), PN (peso al nacer), PD (peso al destete), LECHE (leche), PF (peso final), CE (circunferencia escrotal), ALT (altura), EGD (espesor de grasa dorsal), EGC (espesor de grasa de cadera), %GI (porcentaje de grasa intramuscular), AOB (área de ojo de bife), %CM (porcentaje de cortes minoristas).



	DEP LG	DEP PN	DEP PD	DEP LECHE	DEP PF	DEP CE	DEP ALT	DEP EGD	DEP EGC	DEP %GI	DEP AOB	DEP %CM
1%	-1,6	-2,1	+15,6	+8,6	+49,2	+2,0	+4,0	+1,23	+1,59	+0,21	+4,9	+1,2
2%	-1,4	-1,8	+14,2	+7,7	+44,8	+1,9	+3,7	+1,06	+1,38	+0,19	+4,4	+1,0
3%	-1,3	-1,6	+13,5	+7,0	+41,7	+1,8	+3,5	+0,94	+1,20	+0,16	+4,0	+0,9
4%	-1,2	-1,5	+12,8	+6,6	+40,0	+1,8	+3,4	+0,86	+1,17	+0,15	+3,7	+0,8
5%	-1,1	-1,3	+12,3	+6,2	+38,7	+1,7	+3,3	+0,79	+1,09	+0,14	+3,5	+0,7
10%	-0,9	-0,8	+10,8	+5,0	+33,6	+1,6	+3,0	+0,61	+0,91	+0,09	+2,8	+0,5
15%	-0,7	-0,6	+9,8	+4,2	+30,1	+1,5	+2,8	+0,50	+0,77	+0,07	+2,4	+0,4
20%	-0,6	-0,4	+9,0	+3,6	+27,3	+1,4	+2,7	+0,41	+0,66	+0,05	+2,0	+0,3
25%	-0,5	-0,3	+8,2	+3,1	+25,0	+1,3	+2,5	+0,35	+0,57	+0,04	+1,7	+0,2
30%	-0,4	-0,2	+7,6	+2,6	+23,1	+1,3	+2,4	+0,28	+0,49	+0,03	+1,5	+0,1
35%	-0,4	-0,1	+6,9	+2,2	+21,3	+1,2	+2,3	+0,23	+0,42	+0,02	+1,3	+0,1
40%	-0,3	+0,0	+6,4	+1,7	+19,7	+1,2	+2,2	+0,19	+0,36	+0,02	+1,0	+0,0
45%	-0,2	+0,0	+5,9	+1,4	+18,0	+1,1	+2,1	+0,15	+0,31	+0,01	+0,8	+0,0
50%	-0,2	+0,1	+5,4	+1,0	+16,2	+1,1	+2,1	+0,11	+0,26	+0,00	+0,7	-0,1
55%	-0,1	+0,1	+4,9	+0,6	+14,6	+1,0	+2,0	+0,07	+0,21	+0,00	+0,5	-0,1
60%	+0,0	+0,2	+4,5	+0,2	+13,1	+1,0	+1,9	+0,04	+0,16	-0,01	+0,3	-0,2
65%	+0,0	+0,3	+4,1	-0,2	+11,5	+0,9	+1,8	+0,01	+0,13	-0,02	+0,2	-0,3
70%	+0,1	+0,4	+3,7	-0,6	+10,0	+0,9	+1,7	-0,01	+0,09	-0,03	+0,0	-0,4
75%	+0,2	+0,5	+3,3	-1,0	+8,5	+0,8	+1,6	-0,03	+0,06	-0,03	-0,1	-0,5
80%	+0,3	+0,6	+2,9	-1,6	+6,9	+0,8	+1,5	-0,06	+0,02	-0,05	-0,3	-0,6
85%	+0,4	+0,7	+2,3	-2,2	+5,1	+0,7	+1,3	-0,10	-0,04	-0,06	-0,5	-0,7
90%	+0,6	+0,9	+1,6	-3,0	+3,0	+0,6	+1,1	-0,16	-0,11	-0,08	-0,8	-0,9
95%	+0,8	+1,1	+0,2	-4,3	-0,5	+0,5	+0,8	-0,26	-0,26	-0,11	-1,3	-1,2
100%	+2,2	+2,6	-11,3	-15,2	-42,9	-0,5	-1,7	-1,10	-1,46	-0,40	-5,1	-3,8

REFERENCIAS: LG (largo de gestación), PN (peso al nacer), PD (peso al destete), LECHE (leche), PF (peso final), CE (circunferencia escrotal), ALT (altura), EGD (espesor de grasa dorsal), EGC (espesor de grasa de cadera), %GI (porcentaje de grasa intramuscular), AOB (área de ojo de bife), %CM (porcentaje de cortes minoristas).





CAMBIO POSIBLE

Relación entre la PREC de un DEP Enriquecido y su Cambio Posible

La **Tabla 3** lista los valores de los denominados Cambios Posibles asociados con los distintos niveles de Precisión (PREC) de los DEP Enriquecidos, para las diferentes características evaluadas y para cualquier reproductor Angus incluido en el programa ERA. El Cambio Posible está expresado en unidades positivas y negativas de DEP Enriquecidos y lo podemos definir de la siguiente manera: Es el cambio esperado (o potencial desviación) entre el DEP Enriquecido calculado (listado) y el

"verdadero" mérito genético (DEP Enriquecido) de cada reproductor, para la correspondiente característica evaluada. Nunca podemos conocer el "verdadero" mérito genético de un reproductor, pero sí nos podemos ir aproximando a él a medida que tenemos mayor cantidad de información para predecirlo.

Para una dada PREC, un reproductor debería tener su "verdadero" merito genético (DEP Enriquecido) alrededor del 67% de las veces, dentro del rango del DEP Enriquecido (listado) \pm el valor del Cambio Posible, expresado en la mencionada **Tabla 3.** Este rango de confianza depende del error estándar de predicción de cada DEP Enriquecido calculado (listado).

TABLA 3. CAMBIO POSIBLE DE LOS DEP ENRIQUECIDOS, SEGÚN SU PRECISIÓN													
PREC	DEP LG	DEP PN	DEP PD	DEP LECHE	DEP DOCIL	DEP PF	DEP CE	DEP ALT	DEP AOB	DEP EGD	DEP EGC	DEP %GI	DEP %CM
0,05	± 2,57	± 1,05	± 6,72	± 6,01	± 0,42	± 9,38	± 0,69	± 1,35	± 3,48	± 0,40	± 0,66	± 0,43	± 0,74
0,10	± 2,43	± 0,99	± 6,36	± 5,69	± 0,40	± 8,88	± 0,66	± 1,28	± 3,29	± 0,38	± 0,63	± 0,41	± 0,70
0,15	± 2,30	± 0,94	± 6,01	± 5,38	± 0,38	± 8,39	± 0,62	± 1,21	± 3,11	± 0,36	± 0,59	± 0,39	± 0,66
0,20	± 2,16	± 0,88	± 5,66	± 5,06	± 0,36	± 7,90	± 0,59	± 1,13	± 2,93	± 0,34	± 0,56	± 0,36	± 0,62
0,25	± 2,03	± 0,83	± 5,30	± 4,74	± 0,33	± 7,40	± 0,55	± 1,06	± 2,75	± 0,31	± 0,52	± 0,34	± 0,59
0,30	± 1,89	± 0,77	± 4,95	± 4,43	± 0,31	± 6,91	± 0,51	± 0,99	± 2,56	± 0,29	± 0,49	± 0,32	± 0,55
0,35	± 1,76	± 0,72	± 4,60	± 4,11	± 0,29	± 6,42	± 0,48	± 0,92	± 2,38	± 0,27	± 0,45	± 0,29	± 0,51
0,40	± 1,62	± 0,66	± 4,24	± 3,79	± 0,27	± 5,92	± 0,44	± 0,85	± 2,20	± 0,25	± 0,42	± 0,27	± 0,47
0,45	± 1,49	± 0,61	± 3,89	± 3,48	± 0,24	± 5,43	± 0,40	± 0,78	± 2,01	± 0,23	± 0,38	± 0,25	± 0,43
0,50	± 1,35	± 0,55	± 3,54	± 3,16	± 0,22	± 4,94	± 0,37	± 0,71	± 1,83	± 0,21	± 0,35	± 0,23	± 0,39
0,55	± 1,22	± 0,50	± 3,18	± 2,85	± 0,20	± 4,44	± 0,33	± 0,64	± 1,65	± 0,19	± 0,31	± 0,20	± 0,35
0,60	± 1,08	± 0,44	± 2,83	± 2,53	± 0,18	± 3,95	± 0,29	± 0,57	± 1,46	± 0,17	± 0,28	± 0,18	± 0,31
0,65	± 0,95	± 0,39	± 2,47	± 2,21	± 0,16	± 3,45	± 0,26	± 0,50	± 1,28	± 0,15	± 0,24	± 0,16	± 0,27
0,70	± 0,81	± 0,33	± 2,12	± 1,90	± 0,13	± 2,96	± 0,22	± 0,43	± 1,10	± 0,13	± 0,21	± 0,14	± 0,23
0,75	± 0,68	± 0,28	± 1,77	± 1,58	± 0,11	± 2,47	± 0,18	± 0,35	± 0,92	± 0,10	± 0,17	± 0,11	± 0,20
0,80	± 0,54	± 0,22	± 1,41	± 1,26	± 0,09	± 1,97	± 0,15	± 0,28	± 0,73	± 0,08	± 0,14	± 0,09	± 0,16
0,85	± 0,41	± 0,17	± 1,06	± 0,95	± 0,07	± 1,48	± 0,11	± 0,21	± 0,55	± 0,06	± 0,10	± 0,07	± 0,12
0,90	± 0,27	± 0,11	± 0,71	± 0,63	± 0,04	± 0,99	± 0,07	± 0,14	± 0,37	± 0,04	± 0,07	± 0,05	± 0,08
0,95	± 0,14	± 0,06	± 0,35	± 0,32	± 0,02	± 0,49	± 0,04	± 0,07	± 0,18	± 0,02	± 0,03	± 0,02	± 0,04

Pongamos el siguiente ejemplo. Un toro padre con un DEP Enriquecido para Peso al Nacer de \pm 2,0 y una PREC de 0,65, de acuerdo con la **Tabla 3** se esperaría que su "verdadero" mérito genético (DEP Enriquecido) esté dentro del rango $2 \pm 0,39$, es decir de 1,61 kilos a 2,39 kilos, con un 67% de confianza.

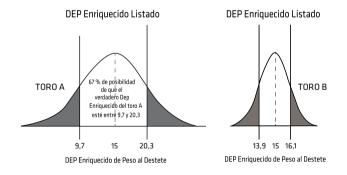
El valor de la PREC puede variar de 0 a 1 para cualquier característica. El significado del valor de la PREC que acompaña a un DEP Enriquecido es el mismo, independientemente de la característica evaluada, es decir esa PREC de 0,65 tiene la misma interpretación. Sin embargo, los valores del Cambio Posible son diferentes para cada característica, dado que reflejan las distintas variancias genéticas (aditivas) asociadas a cada una de ellas.

Si observamos la **Tabla 3** vemos que, a medida que aumenta la PREC (más información) disminuye el Cambio Posible. Esto se debe a que el DEP Enriquecido calculado está muy próximo al "verdadero" mérito genético (DEP Enriquecido) del reproductor evaluado, por lo que la diferencia entre el DEP Enriquecido calculado (listado) y el DEP Enriquecido "verdadero" es menor (se reduce el rango) a medida que aumenta la PREC. Es decir, a través de nuestras evaluaciones genéticas (Resúmenes de Padres), nos vamos acercando paulatinamente al "verdadero" mérito genético del reproductor, pues periódicamente vamos incorporando más información sobre él (más hijos/as). En conclusión, el concepto básico a recordar es que, a medida que la PREC aumenta, el Cambio Posible disminuye.

A continuación, presentamos dos ejemplos numéricos, para ilustrar el concepto y la interpretación entre los valores del Cambio Posible y la PREC.

Ejemplo 1. Ilustración del concepto de valores de Cambio Posible, asociados con diferentes niveles de PREC e iguales DEP Enriquecido de peso al destete.

	TORO A	TORO B
DEP Enriquecido Peso al Destete	+15 kilos	+15 kilos
PREC	0,25	0,85
Cambio posible	±5,3 kilos	±1,1 kilos
67% de las veces, el DEP Enriquecido'verdadero" estará entre:	+ 9,7 y +20,3 kilos	+ 13,9 y + 16,1 kilos

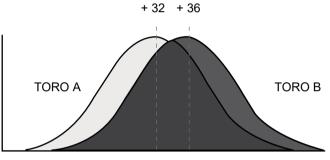


El **Ejemplo 1** se refiere a los toros padres A y B, que poseen iguales DEP Enriquecido de peso al destete (+ 15), pero distinta PREC. En el caso del Toro A, con una PREC de 0,25, su "verdadero" mérito genético (DEP Enriquecido) estará entre 9,7 kilos y 20,3 kilos, en el 67% de las veces, mientras existe una probabilidad del 33% que esté fuera de dicho rango. Por el contrario, en el Toro B, que tiene mayor PREC (0,85), su Cambio Posible, de acuerdo con la **Tabla 3**, es de sólo ± 1,1, por lo que su verdadero mérito genético está más próximo al valor listado (calculado) en el Resumen de Padres. Esto demuestra que, a medida que tenemos más información (PREC más alta) para calcular su DEP

Enriquecido, paulatinamente nos vamos acercando al verdadero mérito genético que queremos predecir.

Ejemplo 2. Ilustración del concepto de valores de Cambio Posible, asociados con iguales niveles de PREC y diferentes DEP Enriquecidos de peso final.

	TORO A	TORO B
DEP Enriquecido Peso Final	+32 kilos	+36 kilos
PREC	0,25	0,25
Cambio posible	± 7,4 kilos	± 7,4 kilos
67 % de las veces, el DEP Enriqueción verdadero" estará entre:	do +24,6 y +39,4 kilos	+28,6 y +43,4 kilos



DEP Enriquecido de Peso Final

El **Ejemplo 2** es para la característica de peso final. A diferencia del ejemplo anterior, éste nos muestra dos toros padres con iguales PREC, pero con distintos DEP Enriquecidos para esa característica, por lo que, de acuerdo con la **Tabla 3**, tendrán el mismo Cambio Posible (7,4 kilos) para peso final. Por lo tanto, para ambos toros, su rango de Cambio Posible será el mismo.

8. ALTURA Y FRAME SCORE

Recordemos que la altura se mide desde el piso hasta la punta de la cadera ("hip height"). Dicha medida, juntamente con los días de vida (edad) del animal al momento de la medición, permite calcular el frame score, un indicador del tamaño corporal.

Nadie puede asegurar que un determinado frame score es el mejor para todos los sistemas de producción. Sin duda, el criador y el productor comercial son quienes tienen que buscar el frame score más adecuado que les permita

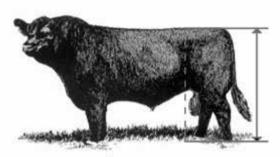


sincronizar no sólo tamaño-sistema, sino tamaño-sistema-mercado, sin descuidar la siempre prioritaria eficiencia reproductiva.

Por tal motivo, con el propósito de brindar otra herramienta de selección, incluimos en el presente Resumen de Padres Angus un DEP Enriquecido de altura para cada reproductor; este DEP Enriquecido está expresado en centímetros y ajustado a los 18 meses de edad. Esto es significativamente importante, pues seleccionar entre dos toros padres únicamente por DEP Enriquecido de peso final, es decir sin el DEP Enriquecido de altura, podría conducir a objetivos no deseados.

Al respecto, veamos un ejemplo. Si tenemos el Toro A y el Toro B con el mismo DEP Enriquecido de peso final de +20, podríamos suponer, erróneamente, que tienen similar velocidad de crecimiento posdestete y parecida precocidad de terminación. Ahora bien, si cada DEP Enriquecido de peso final estuviera acompañado por su respectivo frame score, su interpretación podría cambiar drásticamente. En nuestro ejemplo, si el Toro A tiene un frame score 5 y el Toro B un frame score 8, es obvio que, aunque ambos tengan igual DEP Enriquecido de peso final, son animales de diferente precocidad de terminación. En consecuencia, los novillos del Toro A se terminarán en menor tiempo, lo que resulta aún más relevante en sistemas pastoriles o semi pastoriles.

Por tal motivo, dado que la altura es la base para calcular el frame score, le recomendamos tener en cuenta este DEP Enriquecido al momento de la elección de un toro padre.



MEDICIÓN DE LA ALTURA.

9. ÚLTIMAS CARACTERÍSTICAS EVALUADAS: AÑO DE EDAD, FACILIDAD DE PARTO Y DOCILIDAD

Como mencionamos, la actual Base Nacional de Datos del programa ERA está conformada por 634.810 reproductores PP y PC que generan DEP Enriquecidos para doce características de interés económico. A pedido de criadores, la Comisión Técnica de esta Asociación decidió incorporar a la toma de datos, las siguientes características que describiremos a continuación. Estas, por el momento, son evaluadas con DEP Clásicos, es decir no DEP Enriquecidos, por no tener suficiente cantidad de información en nuestra población de referencia (training population) para incorporarlas a la evaluación genómica. Dichas características son:

DEP AL AÑO

Estos DEP Clásicos tienen como objetivo ser una herramienta para poder seleccionar toritos y vaquillonas prematuros, y son los siguientes:

- DEP de Peso al Año (365 días)
- DEP de Altura a los 365 días
- DEP de Circunferencia Escrotal a los 365 días
- DEP de Características Ecográficas a los 365 días

El peso al año de los animales aportados al ERA por las cabañas adheridas es una característica que venimos solicitando a las mismas sin obligatoriedad. Prueba de ello es que, en todos estos años, la mayoría de las cabañas no lo han informado, dándole prioridad al peso final (a los 18 meses, o sea 550 días). Ocurre también lo mismo con las características carniceras medidas por ultrasonido (EGD, EGC, AOB y %GI), pues casi la totalidad de los criadores las realizan a una fecha cercana a la pesada final de 18 meses +/- 45, siendo ajustadas a los 550 días, logrando los DEP Enriquecidos por evaluación genómica en este Resumen de Padres Angus; anteriormente informábamos DEP Clásicos.

Sin embargo, en estos últimos años y a pedido de las cabañas que pesan, miden y ecografían al año (365 +/- 45 días) de vida del animal, o en fecha muy próxima a esa edad, estamos realizando una evaluación, para que puedan seleccionar para uso propio o comercializar toritos y vaquillonas prematuros. En la mencionada Base Nacional de Datos del programa ERA contamos con un 30% de registros con pesadas próximas a los 365 días, del total de registros con pesada final (550 +/- días).

Por tal motivo, consideramos que incluir en los diagnósticos particulares de las cabañas aranceladas al ERA, los DEP Clásicos de peso al año, de CE, de altura y de cada característica carnicera (EGD, EGC, AOB, %GI y %CM), al año de vida del animal, sumará nuevas e importantes herramientas, tanto para la selección de la reposición como para la compra/venta de reproductores prematuros.

Cabe aclarar que, por el momento, no incluiremos estos DEP Clásicos en nuestro Resumen de Padres Angus, hasta que no aumente considerablemente la cantidad de cabañas que pesen, midan y ecografíen sus animales al año.

Cuando aumente considerablemente este grupo de cabañas, nos permitirá poder generar los DEP Enriquecidos por evaluación genómica de las mencionadas características, como lo estamos haciendo con las doce características presentes en este Resumen, basados en nuestra propia población de referencia.

Si los incluyéramos ahora, un criador que aporta datos al año y a los 18 meses de edad de sus animales, no podría comparar los DEP de ellos, debido a que provienen de dos bases de datos diferentes, no sólo en cantidad de información, sino también que en un caso se producen DEP Clásicos y en otro DEP Enriquecidos. Las correlaciones también pueden no responder de acuerdo con lo esperado, porque la cantidad de cabañas que miden al año no son numerosas.

DEP DE FACILIDAD DE PARTO

La Asociación Argentina de Angus ha decidido la recopilación de datos sobre facilidad de parto ("ease calving"), con el propósito de obtener un DEP Clásico para esta característica. El 80% de los problemas de parto están relacionados con el peso al nacer, lo cual está documentado en la literatura. En consecuencia, nuestro Resumen de Padres Angus brinda un DEP Enriquecido de peso al nacer, a fines de controlar los problemas de distocia. Sin embargo, existe la posibilidad de complementar el mencionado problema con información adicional. Esto requiere una ordenada y prolija recopilación de información, con el propósito de evaluar correctamente la facilidad de parto.

La calidad del dato y la definición clara de cada una de las diferentes ayudas (scores) que pueden prestarse al momento de un parto, con distintos grados de asistencia, es la base de la inclusión de esta importante nueva característica en los diagnósticos particulares de las cabañas aranceladas al programa ERA, lo cual comenzó a hacerse a partir del 1º de enero de 2018, pues es de suma relevancia en la selección de toros.

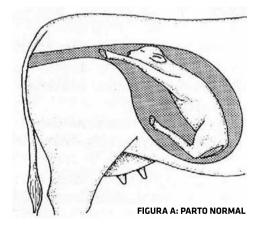
Por lo tanto, es necesario protocolizar la toma de datos sobre los tipos de parto, de acuerdo con la siguiente descripción de los scores:

SCORES DE LA FACILIDAD DE PARTO

Código	Definición
1	Sin asistencia.
2	Tracción leve (una persona sin asistencia mecánica).*
3	Tracción fuerte (dos personas o con asistencia mecánica).*
4	Cesárea.*
5	Mala presentación.**

NOTA: * No deben incluirse casos por mala presentación. ** Deben incluirse todos los casos por mala presentación.

Es importante definir en esta instancia qué consideramos un parto normal y qué un parto distócico, relevante para la evaluación genética. Un posicionamiento para un parto normal, como el descripto en la **Figura A**, es el que se desencadena con éxito dentro de las dos horas de observar la bolsa amniótica y las extremidades delanteras. En el caso de vaquillonas, este proceso puede sufrir una mayor demora. Si la demora es demasiada, el ternero puede morir o nacer debilitado. Por lo tanto, debe prestarse especial observación en dichos casos.



Con respecto a los partos distócicos relevantes para la evaluación genética (scores 2 al 4), es necesario excluir las malas presentaciones, dejando bien en claro que toda mala presentación de un ternero al momento del parto, si bien puede originar en muchos casos un parto distócico, en general no es una causa genética que deba ser atribuida al padre ni a su madre. Por lo tanto, las malas presentaciones no deben ser incluidas en los scores del 2 al 4, sino en el score 5.

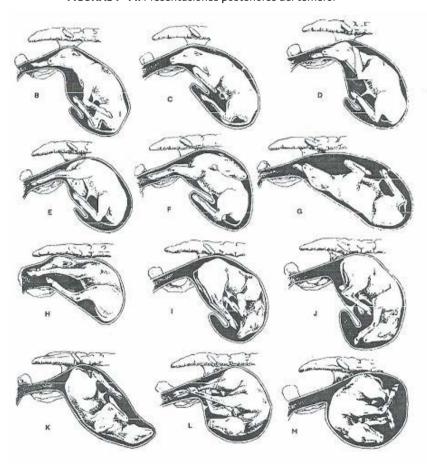
Lo mismo es válido para las cesáreas, pues deben incluirse con score 4 solamente los animales sujetos a cesáreas que no sean producto de malas presentaciones. Por tal motivo, en estos casos es imprescindible la colaboración o aclaración del veterinario para la codificación con el score 4 ó 5.



El objetivo de adjudicar los scores correctamente al momento del parto es detectar toros padres que causen problemas o partos distócicos, pero debemos ser cautos y excluir las malas presentaciones, pues éstas como fue mencionado, no responden a causas genéticas de la madre ni del padre.

CASOS DE MALAS PRESENTACIONES AL MOMENTO DEL PARTO

FIGURAS B - H: Presentaciones anteriores del ternero. **FIGURAS I - M:** Presentaciones posteriores del ternero.



INTERPRETACIÓN DE LOS DEP DE FACILIDAD DE PARTO

En este sentido, los nuevos DEP que comenzó a ofrecer la Asociación Argentina de Angus a los criadores arancelados al ERA, son: el DEP de Facilidad de Parto Directo (DEP-FPD) y el DEP de Facilidad de Parto Materno (DEP-FPM). Ambos DEP se expresan en unidades de porcentaje (%).

1. El ejemplo siguiente permite interpretar el uso correcto del DEP-FPD entre el toro A y el toro B. El mismo predice la diferencia promedio de partos sin ayuda en vaquillonas. De acuerdo con los valores en dicho ejemplo, si apareamos el toro A y el toro B, cada uno con 100 vaquillonas, tendremos un 7% más de vaquillonas sin ayuda (score de parto: 1) a favor del toro A. Cuando usamos el DEP-FPD, los valores más altos son los más favorables, dado que la unidad se expresa en porcentaje de nacimientos no asistidos o sin ayuda. Por eso hay un 7% de diferencia favorable al toro A. Recomendamos siempre tener en cuenta la Precisión de dicho DEP Clásico.

EJEMPLO: INTERPRETACIÓN DEL DEP-FPD

Toro A	+ 10%
Toro B	+ 3%
Diferencia	+ 7%

- · Los DEP más altos son más favorables.
- Usado como herramienta de selección en toros para vaquillonas.
- Incrementa la probabilidad de facilidad de parto o de partos no asistidos

2.El DEP-FPM es una herramienta genética que se usa para elegir padres, a los fines de seleccionar vaquillonas de reposición. Se eligen los toros padres en base al DEP-FPM, para incrementar los partos sin ayuda de sus hijas. Un valor (%) más alto es lo más favorable. La correlación entre los DEP-FPD y DEP-FPM es positiva, pero no muy alta (0,42). Cabe recordar que la madre incide en el peso al nacer, tanto en forma directa, así como también con el ambiente materno y la alimentación intrauterina.

La facilidad de parto está afectada por factores ambientales y genéticos. Para obtener el DEP-FPD y el DEP-FPM pueden usarse el peso al nacer, el largo de gestación y los scores numéricos que indican si los partos provenientes de vaquillonas necesitaron o no algún tipo de ayuda. El peso al nacer es el factor genético más importante, ya que tiene una correlación de casi 0,80 con el DEP-FPD. En otras palabras, incorporando el DEP-FPD intentaremos cubrir parte de esa ventana remanente del 20% (0,20) de la mencionada correlación que no explica, por sí sólo, el DEP de Peso al Nacer.

Con respecto al largo de gestación, está bien documentado que las gestaciones más cortas generan terneros con más bajos pesos al nacer. El área pélvica y la forma de la cría no se usan en la obtención de los DEP de Facilidad de Parto, pues los scores de facilidad de parto reflejan mejor la incidencia de ambos factores. La American Angus Association sólo usa, como fuente de información para predecir el DEP de Facilidad de Parto, el peso al nacer y los scores de asistencia al parto. La Angus Society of Australia, por su parte, agrega el largo de gestación a dicha información. Nuestra Asociación seguirá el protocolo de la American Angus Association, que se basa en las normas de la Beef Improvement Federation (BIF).

DEP CLÁSICOS DE DOCILIDAD

Históricamente, los criadores de ganado bovino han encontrado una variabilidad importante en el temperamento o docilidad de los animales de sus rodeos. En casos extremos, esto causa problemas de manejo y seguridad de los reproductores, así como también riesgos a los recursos humanos.

A su vez, la comunidad académica ha demostrado que la docilidad está correlacionada con varias características de importancia económica. Además, es importante destacar que, en la Universidad de Missouri, el Dr. Bob Weaber, a través de sus trabajos encontró que la docilidad tiene una heredabilidad de moderada a alta, dentro de un rango de 0,36 a 0,45. Esto nos permite, si medimos, evaluamos y seleccionamos por dicha característica, lograr un pronto progreso genético en temperamento, así como también en los caracteres correlacionados con docilidad.

En consecuencia, hemos generado un Protocolo de Toma Datos de Docilidad (ver **Apéndice E**), donde el criador encontrará un instructivo sobre la correcta forma de tomar los cinco códigos que usamos para evaluar esta importante característica.

10. ¿CUÁNDO EL CRIADOR ADHERIDO AL ERA RECIBE DEP ENRIQUECIDOS DE SUS REPRODUCTORES?

Como se mencionó, la Asociación Argentina de Angus cuenta actualmente con la mayor base de datos de performance (634.810 reproductores evaluados) de nuestro país y de América Latina, como resultado del meritorio trabajo de los 549 criadores adheridos al programa ERA.

En este sentido, queremos aprovechar esta oportunidad para ratificar algunos lineamientos con respecto a los controles de producción que nuestros criadores llevan en sus establecimientos, así como también esclarecer algunos conceptos sobre el armado de los grupos contemporáneos. Estos dos factores –controles de producción y grupos contemporáneos – son esenciales para que los reproductores puedan recibir DEP Enriquecidos en las doce características evaluadas, tanto en el presente Resumen de Padres Angus como en sus diagnósticos particulares (servicio arancelado), relativas al programa ERA.

A. CONTROL DE PRODUCCIÓN

Toda evaluación objetiva significa medir, pesar, adjudicar scores, ecografiar y genotipar el ADN. Sin embargo, tales mediciones, pesadas, scores y ecografías carecen de validez si las mismas no son hechas, para cada característica, dentro de un rango de edad específico y acompañadas de los correspondientes códigos de manejo en las distintas etapas de crecimiento. La excepción son los genotipados de ADN, que pueden realizarse en cualquier edad del animal.

Sin duda, la evaluación comienza con una correcta identificación del animal (RP, sexo, fecha de nacimiento, etc.), de su padre, de su madre y de la receptora (si hubiere), además del tipo de parto y de servicio. En el caso del tipo de parto, también tienen que incluirse las crías nacidas muertas (con su correspondiente código) con su peso al nacer, siempre y cuando la gestación haya sido a término. El paso siguiente es la inclusión de los correspondientes pesos, medidas y ecografías para cada característica a evaluar, para lo cual detallamos, a continuación (**Tabla 4**), los respectivos rangos de edad en que deben tomarse y los códigos de manejo que hay que asignarles.

TABLA 4. CONTROL DE PRODUCCIÓN. RANGO DE EDADES Y CÓDIGOS DE MANEJO
TABLA 4. CONTROL DE FRODOCCION, RANGO DE EDADES F CODIGOS DE MANEJO

Característica	Rango de Edad	Código de Manejo
Peso al Nacer	Dentro de las 24 horas	Sí, del vientre (1)
Peso al Destete (ajustado a 205 días)	205 días ± 45 días	Sí, de la cría (2)
Códigos de Docilidad	60/90 días después del PD	Sí, de la cría (3)
Peso al Año (ajustado a 365 días)	365 días ± 45 días	Sí, de la cría (3)
Circunferencia Escrotal (ajustada a 365 días)	365 días ± 45 días	Sí, de la cría (3)
Altura (ajustada a 365 días)	365 días ± 45 días	Sí, de la cría (3)
Ecografías (ajustadas a 365 días)	365 días ± 45 días	Sí, de la cría (4)
Peso Final (ajustado a 550 días)	550 días ± 45 días	Sí, de la cría (5)
Circunferencia Escrotal (ajustada a 550 días)	550 días ± 45 días	Sí, de la cría (5)
Altura (ajustada a 550 días)	550 días ± 45 días	Sí, de la cría (5)
Ecografías (ajustadas a 550 días)	550 días ± 45 días	Sí, de la cría (6)

- (1) Asignar el mismo código numérico a las crías cuyas madres recibieron igual manejo nutricional durante el último tercio de gestación. De lo contrario, poner otro código.
- (2) Asignar el mismo código de manejo a todas las crías que recibieron igual manejo nutricional entre el nacimiento y el destete. De lo contrario, poner otro código.



- (3) Asignar el mismo código de manejo a todas las crías que recibieron igual manejo nutricional entre el destete y el peso y medición de la CE y altura, al año, y la codificación de docilidad. De lo contrario, poner otro código.
- (4) Asignar el mismo código numérico de manejo a todos los animales que recibieron igual manejo nutricional entre el destete y la medición ecográfica; de lo contrario, usar otro código numérico. Los machos y hembras pueden ecografiarse lo más cerca posible de los 365 días (aprox. 12 meses) \pm 45 días de edad (rango 320 a 410 días de edad; aprox. 10,5 a 13,5 meses), si están bien alimentados. La medición ecográfica debe estar acompañada por la pesada ecográfica (tomada \pm 7 días de la fecha de medición) y su código numérico de manejo, ya que, si esta información no es recibida, el CIIE no interpretará las imágenes. Tampoco serán evaluados al año los animales que están fuera del rango mencionado, por lo que no tendrán DEP ni valores ajustados por edad.
- (5) Asignar el mismo código de manejo a todas las crías que recibieron igual manejo nutricional entre el destete y el peso y medición de la CE y altura, tomados dentro del rango del año y medio (550 días). De lo contrario, poner otro código.
- (6) Asignar el mismo código numérico de manejo a todos los animales que recibieron igual manejo nutricional entre el destete y la medición ecográfica; de lo contrario, usar otro código numérico. Los machos y hembras deben ecografiarse lo más cerca posible de los 550 días (aprox. 18 meses) ± 45 días de edad (rango 505 a 595 días de edad; aprox. 16,5 a 19,5 meses). Las hembras nunca



deben ecografiarse si tienen más de 3 meses de preñez. La medición ecográfica debe estar acompañada por la pesada ecográfica (tomada \pm 7 días de la fecha de medición) y su código numérico de manejo, ya que, si esta información no es recibida, el CIIE no interpretará las imágenes. Tampoco serán evaluados al año y medio (550 días) los animales que están fuera del rango mencionado, por lo que no tendrán DEP ni valores ajustados por edad.

En cuanto a la edad a ecografiar los animales a campo, nuestra recomendación es que las ecografías se tomen dentro del rango de 505 a 595 días, pues a esa edad, las características carniceras se habrán manifestado en su totalidad, especialmente el %GI.

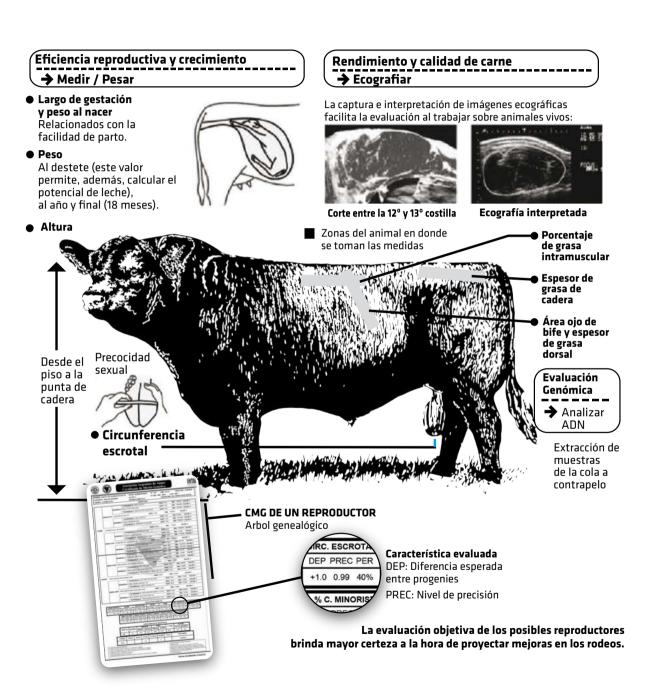
Resumiendo, si el animal es:

- Pesado, medido (CE y altura) y ecografiado (EGD, EGC, AOB y %GI) de los 320 a 410 días de edad (aprox. 10,5 a 13,5 meses): recibirá DEP Clásicos al año, para esas características, siempre y cuando se cumplan los demás requisitos (no haber nacido por FIV ni TE, no estar aislado, etc.).
- Pesado, medido (CE y altura) y ecografiado (EGD, EGC, AOB y %GI) de los 505 a 595 días de edad de edad (aprox. 16,5 a 19,5 meses): recibirá DEP Enriquecidos finales, para esas características, siempre y cuando se cumplan los demás requisitos (no haber nacido por FIV ni TE, no estar aislado, etc.).
- Los animales nacidos por FIV o TE recibirán DEP Enriquecidos para las doce características evaluadas en el programa ERA, únicamente si son genotipados o a través de la información de futuras crías. Es decir, no se usa la información de propia performance de los animales nacidos por FIV o TE.

OUÉ INFORMACIÓN BRINDA EL PROGRAMA ERA

Actualmente, como mencionamos, los reproductores Angus son evaluados en características de interés económico relacionadas con eficiencia reproductiva, precocidad de crecimiento, docilidad, rendimiento y calidad carnicera. A partir del Resumen de Padres Angus 2019, la Base Nacional de Datos del ERA tiene tres fuentes de información: los datos fenotípicos (pesadas, medidas, ecografías y códigos), las genealogías y el genotipado proveniente del análisis del ADN de los reproductores (jóvenes y adultos), cuando el criador suministre las muestras (bulbo piloso o sangre) para enviar a genotipar a GeneSeek, de Neogen, a través del servicio de Evaluación Genómica Angus de la Asociación. A partir de esta última información podemos generar, a edad precoz del animal, sus DEP Enriquecidos, aunque aún no posea sus datos fenotípicos. A su vez, nuestra Asociación brindará el Certificado de Mérito Genético (CMG) de un reproductor PP, con la evaluación genómica de todas las características y con su genealogía extendida a cinco generaciones. La única excepción es docilidad que, por la poca información disponible, aún no está en nuestra población de referencia y, por lo tanto, cuenta con DEP Clásicos.

UÉ INFORMACIÓN BRINDA - PROGRAMA E.R.A.





B. GRUPOS CONTEMPORÁNEOS

Definimos a un grupo contemporáneo como al conjunto de animales de una misma categoría (PP o PC), tipo de servicio, sexo, fecha de nacimiento (período de 45 días), fecha de destete (período de 45 días) y que han tenido el mismo manejo nutricional en las diferentes etapas de crecimiento. Todos ellos son efectos ambientales conocidos, que pueden ser codificados y eliminados cuando el criador suministra su control de producción, a través de las correspondientes planillas, al programa ERA.

Puede haber diferentes variantes para algunas características de interés económico. Sin embargo, si el criador completa correctamente dichas planillas, la Unidad Ejecutora del ERA (INTA) arma el grupo contemporáneo con la información que él suministra y elimina los mencionados efectos ambientales.

A continuación, explicamos en detalle cómo se arman los grupos contemporáneos y el valor que ellos tienen para eliminar los efectos ambientales entre los reproductores, para quedarnos solamente con las verdaderas diferencias genéticas (DEP) entre los mismos.

FUNDAMENTO Y ARMADO DE LOS GRUPOS CONTEMPORÁNEOS

Cualquier pesada, medida o ecografía de un animal son datos que se denominan fenotípicos (F), es decir que el valor o resultado obtenido involucra una componente genética propia del animal, y otra componente ambiental, a la que él fue expuesto. Por ejemplo, un peso al destete (F) es la resultante de la constitución genética propia del animal (efecto genético) más un conjunto de efectos ambientales a los que es expuesto. Es decir, F = genética + ambiente. El "valor fenotípico" puede representar una pesada, una ecografía o una medición (altura, circunferencia escrotal, etc.) de un animal. La única forma de "eliminar" del control de producción, gran parte de esos efectos ambientales que llevan todos los datos (F), es codificar por los efectos ambientales conocidos que afectan —positiva o negativamente— al animal medido, pesado o ecografíado. De esta forma podemos ilustrar, de una manera simplificada:

F = genética + ambiente (codificable y no codificable)

F = genética + ambiente (codificable) + A (efectos ambientales no codificables)

F = genética + grupo contemporáneo + A (efectos ambientales no codificables)

En este sentido, definimos como grupo contemporáneo al conjunto de animales que tuvieron las mismas oportunidades para desempeñarse. De este modo, cada dato o registro de un reproductor es comparado, en primera instancia, con el promedio del grupo contemporáneo al que pertenece. Esto nos permite estimar los efectos de cada uno de los grupos contemporáneos y eliminar de dichos datos (medidas, pesadas o ecografías), los efectos ambientales que podemos codificar.

La estimación de los efectos del grupo contemporáneo se realiza "simultáneamente" con la predicción de los efectos genéticos (DEP Enriquecidos) correspondientes a los toros padres, vientres, toritos, vaquillonas, terneros y terneras, mediante el denominado Modelo Animal y el procedimiento "one-step", que procesa simultáneamente los datos fenotípicos, genotipados y genealógicos. De la resolución de esas mismas ecuaciones también surge el error de predicción, que luego es transformado en la Precisión (PREC).

Por ejemplo, para peso al nacer, un grupo contemporáneo está conformado por todas las crías de igual sexo, nacidas en el mismo lugar (cabaña), dentro de un período de 45 días, mismo año, categoría (PP o PC), tipo de servicio y cuya madre o receptora, haya sido manejada igual en el último tercio de gestación. Es decir que, para el cálculo de sus respectivos DEP Enriquecidos, reciben los mismos ajustes por efectos ambientales. El peso al nacer y los pesos al destete son preajustados por la edad de la madre o receptora antes de formar los grupos contemporáneos.

Para el caso de peso al destete, peso a los 18 meses, circunferencia escrotal y altura, se arman de manera similar, pero con el agregado de un código de manejo específico para cada una esas etapas de crecimiento (peso al destete, peso posdestete), agrupados dentro de su correspondiente período de 45 días y año de medición. Una pesada, una ecografía o una medida de circunferencia o altura sin los códigos de manejo respectivos, carecen de valor desde el punto de vista de una evaluación genética objetiva.

La correcta identificación de las crías, en los aspectos de nutrición y manejo, requiere especial atención por parte de los criadores, con el propósito de poder conformar los grupos contemporáneos a través de la codificación y posterior eliminación de los efectos ambientales conocidos. Esto permite predecir las diferencias genéticas reales entre reproductores, enmascaradas por dichos efectos ambientales codificables. En consecuencia, a través del programa ERA se obtendrán DEP Enriquecidos de mayor confiabilidad. El criador sólo debe suministrar la información fenotípica (medidas, pesadas, scores y ecografías), mientras que la Unidad Ejecutora del ERA (INTA) armará los grupos contemporáneos de su plantel. Las muestras de sangre o bulbo piloso deben ser entregadas o enviadas a la Asociación Argentina de Angus, quien las remitirá al laboratorio GeneSeek, de Neogen (en Lincoln, Nebraska, Estados Unidos), para extraer el ADN y genotipar. Los genotipados no requieren ningún ajuste por grupo contemporáneo.

En pocas palabras, los grupos contemporáneos son la piedra fundamental o llave de la evaluación genómica objetiva. Ellos son el único camino para determinar y eliminar los efectos ambientales codificables que contienen los datos fenotípicos, quedándonos con las diferencias entre los animales atribuibles exclusivamente a la genética, la que es cuantificada en base a los DEP Enriquecidos. Como la estimación de los efectos de los grupos contemporáneos es simultánea con la predicción de los DEP Enriquecidos, la mala declaración de los factores que integran un grupo contemporáneo afectará la predicción de dichos DEP.

Como mencionamos al principio, para poder conformar los grupos contemporáneos con la mayor precisión posible, brindamos a continuación una serie de aclaraciones y recomendaciones para obtener una correcta evaluación genética de sus reproductores. Para la carga y envío del control de producción al programa ERA, a través de las planillas correspondientes, el criador debe recordar completar, indefectiblemente, los siguientes campos que hacen al armado de los grupos contemporáneos:

PLANILLA DE NACIMIENTOS Y DESTETES

De la cría: RP, sexo, fecha de nacimiento, categoría (PP o PC), código de manejo nutricional de la madre en el último tercio de gestación, fecha de destete y código de manejo de la cría al destete. Asignar el mismo código (número) a las crías que recibieron igual manejo nutricional desde el nacimiento hasta el destete.

• De la madre: Fecha de nacimiento. En el caso del servicio por TE, recuerde que, todas las crías que nazcan a partir del 1° de octubre de 2021 no recibirán DEP Enriquecidos basados en sus propios datos fenotípicos ni tampoco recibirán DEP de Pedigree (discontinuados desde el 1/1/2021). Estas crías de TE sólo recibirán DEP Enriquecidos si son genotipadas o a través de los datos fenotípicos y/o genotipados de sus futuras progenies.

Si la cría nació por FIV, ella recibirá DEP Enriquecidos si es genotipada o a través de los datos fenotípicos y/o genotipados de sus futuras progenies.

Cabe destacar que, ya sea que la cría haya nacido por TE o por FIV, igualmente tiene que ser dada de alta en el ERA por el criador, es decir, presentar sus planillas de Nacimientos y Destetes y de Posdestetes.

PLANILLA DE PESADAS POSDESTETE

• De la cría: RP, docilidad (código, fecha de evaluación y manejo), fecha de pesada al año y final y manejo. Asignar el mismo código a los animales que recibieron igual manejo nutricional desde el destete hasta la pesada final.

PLANILLA DE CARACTERÍSTICAS CARNICERAS

 \bullet De la cría: RP, establecimiento donde fue terminada, peso vivo a la fecha de medición ecográfica (ó \pm 7 días) y código de manejo. Las ecografías sin pesada al momento de la medición carecen de valor y no serán interpretadas, pues no pueden ser ajustadas, por lo que dichos potenciales reproductores no recibirán DEP Enriquecidos. Asignar el mismo código a los animales que recibieron igual manejo nutricional desde el destete hasta la medición ecográfica.

TABLA 5. EJEMPLO DE ARMADO DE UN GRUPO CONTEMPORÁNEO PARA PESO AL DESTETE

Ejemplo de peso al destete:

- * Cabaña: 22
- * RP animal: 115
- * Fecha de destete: 15/3/13 (se agrupan períodos de destete de 45 días, contados a partir del 1° de enero)
- * Sexo macho: 1
- * Tipo de servicio: IA = SN
- * Categoría: PP
- * Manejo: 2

Grupo contemporáneo:

* Cabaña/período destete/año/sexo/TS/PP/manejo = (22/período/13/1/IA/PP/2)

Lo que está entre paréntesis es transformado a un único número por la Unidad Ejecutora del ERA (INTA). Todo animal bajo las mismas condiciones formará parte del mismo grupo contemporáneo. Si algo cambia, generará un grupo contemporáneo diferente. Recuerde que los pesos al destete son previamente preajustados por la edad de la madre, que nos brinda el criador a través de las planillas del ERA.

• Cuando nos referimos a la asignación de un código numérico en las distintas etapas de crecimiento de los animales, los ejemplos pueden ser: (1) A campo natural; (2) En pradera; (3) A campo con suplementación; (4) En confinamiento, etc. El criador puede usar sus propios números que identifiquen diferentes manejos, pero una vez que los prefijó, es fundamental que mantenga su propia norma dentro del año específico que mide.

CUATRO PASOS PARA EL ARMADO DE LOS GRUPOS CONTEMPORÁNEOS

- 1. Cada grupo contemporáneo debe estar conformado por al menos dos animales, para poder predecirse los DEP Enriquecidos. Sin embargo, cuanto mayor sea la cantidad de animales dentro de cada grupo contemporáneo, más precisa será la evaluación genética. En consecuencia, recomendamos enviar al programa ERA la mayor cantidad de animales posibles, pues esto favorece tener grupos contemporáneos con un mayor número de integrantes. La estimación de los efectos de los grupos contemporáneos, como fue mencionado, se realiza simultáneamente con la predicción de los DEP Enriquecidos. Por lo tanto, cuanto mayor es la cantidad de animales en los grupos contemporáneos, mejor es la predicción de los DEP.
- 2. Una sola diferencia entre los animales ya sea de categoría (PP o PC), sexo, mes (período 45 días), año de nacimiento y manejo, por ejemplo,



requiere conformar distintos grupos contemporáneos. Si el criador no brinda la información requerida para la conformación de los grupos contemporáneos, los animales serán eliminados de la evaluación genómica, por lo que no obtendrán DEP Enriquecidos.

- 3. Después de armados los grupos contemporáneos de destete, los mismos no pueden crecer en cantidad de animales. Sí, en cambio, pueden permanecer igual o disminuir en la medida que el criador aparte los animales que manejará diferente, posterior al destete (para una exposición o por temas operativos, por ejemplo), sin caer del mínimo requerido, de dos animales por grupo. Esto también vale para el posdestete.
- 4. Los animales que conforman diferentes grupos contemporáneos de destete no pueden ser recombinados o juntarse posteriormente. Es decir, si hasta el destete el criador tuvo dos grupos que se diferenciaban en nutrición o manejo o en algún otro efecto ambiental codificable (mes/45 días, por ejemplo), continuarán separados, aun si reciben igual manejo posdestete. Es decir, el criador, después del destete podrá o no manejarlos igual, pero si pertenecieron a diferentes grupos contemporáneos de destete, nunca más se volverán a juntar en un grupo contemporáneo de posdestete de peso final, por ejemplo.

11. ORIENTACIÓN AL CRIADOR

Para una mejor interpretación del Resumen de Padres que resulta del programa ERA, a continuación, brindamos respuesta a las preguntas que más a menudo surgen entre los criadores de Angus.

EN EL PRESENTE RESUMEN DE PADRES ANGUS, ¿CÓMO ESTÁN LISTADOS LOS TOROS?

Los toros están listados en orden alfabético de acuerdo con los nombres con que están inscriptos en el registro genealógico de la raza. Además, figura el nombre del padre (P) y de la madre (M) y los códigos de Criador/Propietario (Cr/Pr).

EN ESTE RESUMEN DE PADRES, ¿ESTÁN LISTADOS TODOS LOS TOROS ANGUS QUE CONFORMAN LA BASE NACIONAL DE DATOS DEL ERA?

No, sólo están incluidos los toros activos que han dejado 10 o más crías bajo control de producción entre el año 2017 y la edición del presente Resumen de Padres: 1710 padres listados de los 11.413 evaluados con DEP Enriquecidos.

¿OUIÉNES PUEDEN ADHERIRSE AL PROGRAMA ERA?

Al ERA pueden ingresar todos los socios Angus que críen animales PP o PC con padres de pedigree conocidos (identificados).

ADEMÁS DE VER MIS TOROS INCLUIDOS EN EL RESUMEN DE PADRES Y DE CONTRIBUIR A LA BASE NACIONAL DE DATOS DEL PROGRAMA ERA, ¿QUÉ OTROS BENEFICIOS OBTENGO?

La Asociación Argentina de Angus entrega a aquellos establecimientos adheridos al programa ERA que lo soliciten (servicio arancelado), el diagnóstico particular de su cabaña, con los DEP Enriquecidos de sus reproductores PP y PC, no sólo de los toros y vientres, sino también de los animales que aún no dejaron descendencia (toritos, vaquillonas, terneros y terneras), así como también los coeficientes de consanguinidad, cuando los soliciten. Los criadores arancelados al ERA también pueden solicitar el Certificado de Mérito Genético (CMG) de los reproductores PP que deseen, y además acceder al Sistema Angus (a través de la web y aplicación Angus), para consultar la información en el ERA de sus animales PP y PC. Estos servicios del ERA son similares a los que brinda la American Angus Association, a sus asociados.

¿POR QUÉ TENGO QUE ESTAR ADHERIDO AL PROGRAMA ERA PARA GENOTIPAR ANIMALES PP Y PC?

Dado que la evaluación genómica requiere de la información fenotípica (medidas, pesadas, scores y ecografías), de los genotipados y de las genealogías ya existentes en nuestra Base Nacional de Datos, es necesario que su cabaña envíe datos al ERA, para disponer también de dicha información y que ésta esté genealógicamente conectada con la mencionada base, a fines de que los DEP Enriquecidos de sus reproductores sean comparables con todos los reproductores evaluados en nuestro programa. Si usted no envía los mencionados controles de producción al programa ERA y manda un animal aislado para genotipar, se incrementa la posibilidad de que este animal no esté genealógicamente conectado a la base de datos y no se le pueda proporcionar DEP Enriquecidos. Nunca hay que dejar de tomar datos fenotípicos (pesos, medidas, ecografías, etc.), mientras que el animal a genotipar tiene que estar dado de alta en el programa ERA y con su peso al nacer, en primera instancia.

EL RESUMEN DE PADRES ANGUS, ¿TIENE POR FINALIDAD ENUNCIAR DIRECTIVAS DE SELECCIÓN?

No. Este Resumen de Padres no tiene por finalidad enunciar directivas para ningún programa de mejoramiento. El presente Resumen y los DEP Enriquecidos resultantes, calculados a través del ERA, tienen por finalidad proporcionar la mejor comparación genética entre animales para las

características de importancia económica evaluadas. En consecuencia, los DEP Enriquecidos son la mejor herramienta de selección disponible para modificar, en forma efectiva, las diferentes características (objetivo de selección) en cualquier dirección deseada. Recuerde que es usted, como productor o criador, es quien fija las metas de selección.

¿CÓMO PUEDO PARTICIPAR EN EL ERA?

El primer paso es solicitar a la Asociación Argentina de Angus las planillas correspondientes para cargar los datos de producción de su rodeo (peso al nacer, peso al destete, peso final, circunferencia escrotal, altura, área de ojo de bife, etc.), más cierta información imprescindible, como el RP, fecha de nacimiento y sexo de las crías, HBA de los padres, tipo de servicio, códigos de manejo, etc. Una vez completa esta tarea, sólo le queda remitir las planillas a la Asociación, por correo electrónico.

No es obligatorio aportar información para todas las características de producción, pero tenga en cuenta que cuanto mayor es el volumen de datos recopilados, la PREC aumenta, y consecuentemente, los DEP son más confiables. Tenga en cuenta también que, para ajustar ciertas características, como por ejemplo el peso final, la fórmula de ajuste requiere del peso al nacer y del peso al destete, así como también de la fecha precisa de nacimiento y de las pesadas, con los correspondientes códigos de manejo.

¿EN QUÉ ÉPOCA DEL AÑO DEBO REMITIR LOS DATOS DE PRODUCCIÓN DE MI RODEO?

La Asociación Argentina de Angus publica gráficamente un Resumen de Padres por año, mientras que en primavera elabora un segundo Resumen de Padres, que está disponible únicamente a través de nuestro sitio web (www.angus.org.ar). En consecuencia, la información a ser incluida en la Base Nacional de Datos del programa ERA, para la elaboración de aquel Resumen, debe estar en nuestra sede antes del 30 de abril de cada año. Si la recepción de los datos se produce fuera de término, los mismos serán tomados en cuenta para el Resumen de Padres siguiente y para predecir los DEP Enriquecidos para las cabañas aranceladas, proceso que hacemos aproximadamente cada 30 días. En caso de que el criador esté arancelado al ERA y requiera su diagnóstico particular en otra fecha, tiene que enviar los datos con 30 días de anticipación a la fecha deseada, pero nuestra recomendación es que los mande ni bien termine de pesar y medir los animales.

¿QUÉ SIGNIFICA MODELO ANIMAL?

Se denomina Modelo Animal porque todos los animales que integran la Base Nacional de Datos del programa ERA, sin distinción de sexo y edad, son evaluados genéticamente, es decir, toros, toritos, vientres, vaquillonas, terneros y terneras reciben DEP Enriquecidos.

LA EDAD DE LA MADRE, ¿AFECTA EL PESO AL NACER Y AL DESTETE DE SU PROGENIE?

Sí, numerosos trabajos de investigación confirman que la edad de la madre afecta significativamente el peso al nacer y el peso al destete de sus crías, así como también la circunferencia escrotal.

En general, cuando la edad de ella se incrementa de 2 a 7 años, también lo hace el peso al nacer de su progenie. A partir de entonces, y hasta los 9, el peso al nacer se estabiliza, para comenzar a decrecer cuando el vientre sigue avanzando en edad.

En cuanto al peso al destete, el incremento de éste se debe principalmente al aumento en la producción lechera de la vaca hasta los 7 años. Entre esta edad y los 9 años, ella alcanza su nivel máximo de leche, para comenzar a decrecer junto al peso al destete.

Este efecto de la edad de la madre sobre el peso al nacer y al destete de sus terneros es netamente ambiental. Por ello, previo a calcular los DEP Enriquecidos es necesario utilizar factores de corrección con el propósito que las diferencias genéticas reales entre animales no queden enmascaradas por ese efecto ambiental de edad de la madre.

En la **Tabla 6** presentamos los factores de corrección utilizados para el análisis del presente Resumen de Padres.

TABLA 6. FACTORES DE CORRECCIÓN POR EDAD DE LA MADRE

Edad de la Madre	Factores de corrección (en kilos) para:								
(en años)	Peso al Nacer	Peso al Destete							
2	3,5	16							
3	2,2	11							
4	1,4	7							
5	0,7	4							
6	0,3	2							
7	0	0							
8	0	0							
9	0,2	1							
10	0,7	2							
11	1,4	5							
12	2,4	8							

Fuente: Basados en 181.372 madres del ERA.



¿QUÉ ES UN GRUPO CONTEMPORÁNEO?

Cualquier pesada, medida, ecografía o código de docilidad de un animal son datos que se denominan fenotípicos, es decir que el valor o resultado obtenido involucra una componente genética propia del animal, y otra componente ambiental, a la que él fue expuesto. Por ejemplo, un peso al destete es la resultante de la constitución genética propia del animal (efecto genético) más un conjunto de efectos ambientales a los que es expuesto. Es decir, genética + ambiente. La única forma de "eliminar" del control de producción, gran parte de esos efectos ambientales que llevan todos los datos es codificar por los efectos ambientales conocidos que afectan –positiva o negativamente– al animal medido, pesado o ecografiado.

Para peso al destete, por ejemplo, un grupo contemporáneo está conformado por todas las crías procedentes de una cabaña, de igual sexo, destetadas en un período de 45 días, igual año, categoría (PP o PC), mismo tipo de servicio y con igual código de manejo. Es decir que, para predecir sus respectivos DEP Enriquecidos, reciben los mismos ajustes por efectos ambientales. Los pesos al destete son ajustados a los 205 días y preajustados por edad de la madre, antes de formar los grupos contemporáneos. Los pesos al nacer son preajustados por edad de la madre. Para el caso de peso final (a los 18 meses), circunferencia escrotal y altura, los grupos contemporáneos se arman de manera similar, pero con el agregado de un código de manejo específico para cada una de esas etapas de crecimiento. Una pesada, una ecografía o una medida de circunferencia escrotal o altura sin los códigos de manejo respectivos, carecen de valor desde el punto de vista de una evaluación genómica objetiva (ver **Tabla 5**).

Para más información, consultar el capítulo "¿Cuándo el criador adherido al ERA recibe DEP Enriquecidos de sus reproductores?".

¿QUÉ DIFERENCIA HAY ENTRE LOS DEP CLÁSICOS Y LOS DEP ENRIQUECIDOS?

La sigla DEP significa Diferencia Esperada entre Progenies. Para cada caLa sigla DEP significa Diferencia Esperada entre Progenies. Para cada característica considerada (peso al nacer, circunferencia escrotal, área de ojo de bife, etc.), el DEP predice cómo será el comportamiento (performance) promedio de las futuras crías de un toro en comparación con las que producirán el resto de los padres incluidos en el mismo Resumen. En el caso de los DEP Clásicos que se venían usando, su fuente de información provenía sólo de los datos fenotípicos (pesadas, medidas, scores y ultrasonido) y genealógicos. Ahora, el gran cambio es que los DEP Enriquecidos se generan con esa misma información, más el valor agregado de los genotipados que se realizan del ADN extraído de las muestras de sangre o bulbo piloso, que el criador envía a nuestra Asociación. Es decir, son enriquecidos por el genotipado del ADN –la molécula esencial de la herencia– propio de cada animal, y/o del ADN de

sus parientes. Todos los toros listados en este Resumen pueden ser comparados directamente entre sí, como se hacía antes. Los DEP Enriquecidos también se expresan en la misma unidad de la característica considerada. Los toros que no tengan DEP Enriquecidos asignado (casillero en blanco) para alguna característica, significa que no se ha registrado información o ésta no pudo ser utilizada.

Con los DEP Enriquecidos, los usuarios del Resumen de Padres pueden comparar toros, aunque estos hayan sido evaluados en diferentes cabañas y dejen descendencia en distintas zonas, años y períodos de parición o destete (de 45 días). Por todo ello, dentro de cada raza, los DEP Enriquecidos son la mejor herramienta de selección para producir cambios direccionales. En resumen, son enriquecidos por la evaluación genómica (ADN) que implementó la Asociación Argentina de Angus a partir del Resumen de Padres 2019.

En conclusión, los DEP Enriquecidos se basan esencialmente en tres fuentes de información: Datos fenotípicos, genotipados y genealogías. Esto enriquece su predicción y precisión. La mayor ventaja se da en los animales precoces, es decir en los que aún no se han tomados sus datos fenotípicos, pues usted puede mandarlo a genotipar y obtener así los DEP Enriquecidos para las doce características que el programa ERA evalúa. Los DEP Clásicos sólo podían obtenerse con información fenotípica.

¿CÓMO SE USAN LOS DEP ENRIQUECIDOS?

Igual que se usaban los DEP Clásicos. Para ilustrar cómo deben utilizarse los DEP Enriquecidos, consideremos dos toros: A y B. Supongamos que el primero tiene un DEP Enriquecido para peso al destete de +16 kilos, mientras que el B, un DEP Enriquecido para esa misma característica de +6 kilos. A su vez, supongamos que el peso al destete de los terneros hijos del toro promedio (DEP Enriquecido igual a 0) es de 210 kilos. Ahora bien, si usted utilizara el toro A para servir a una muestra aleatoria de vacas de su establecimiento, y el toro B para servir a otra muestra aleatoria, también de su establecimiento, usted podría esperar que los terneros hijos del toro A pesen al destete, 226 kilos en promedio (210 más 16 = 226), y los hijos del toro B, 216 kilos en promedio (210 más 6 = 216). La diferencia en performance (226 menos 216 = 10 kilos) es exactamente la diferencia entre los DEP Enriquecidos de los dos toros (+16 menos +6 = 10).

¿QUÉ INFORMACIÓN SE UTILIZA PARA CALCULAR LOS DEP ENRIQUECIDOS?

Como se mencionó, para predecir los DEP Enriquecidos de un animal pueden contribuir distintas fuentes de información:

- a) La propia performance fenotípica y/o de sus parientes;
- b) El propio genotipado y/o de sus parientes; y

c) La información genealógica.

Cada una de estas fuentes está apropiadamente ponderada, de acuerdo con el lugar que ocupa el animal emparentado en el registro genealógico. Una vez que el toro deja descendencia, la información proveniente de sus parientes va adquiriendo menor relevancia. Cabe destacar que, si el animal sólo tiene su genotipado propio, con el mismo ya podemos predecir sus DEP Enriquecidos, siempre y cuando su información genealógica esté conectada a la Base Nacional de Datos del programa ERA y esté dado de alta en el mismo con peso al nacer, en primera instancia.

DADO QUE LOS DEP DE PEDIGREE FUERON DISCONTINUADOS, ¿CÓMO PUEDO OBTENER DEP ENRIQUECIDOS SI AÚN NO TENGO DATOS FENOTÍPICOS DE PROPIA PERFORMANCE?

Este es el mayor aporte de la evaluación genómica, dado que usted puede mandar muestras de sangre o bulbo piloso de ese animal precoz a nuestra Asociación, para nosotros mandar a extraer el ADN y genotiparlo en el laboratorio GeneSeek, de Neogen. Cuando recibimos los genotipados y los incorporamos a la Base Nacional de Datos del programa ERA, generamos los DEP Enriquecidos de ese potencial reproductor, con bastante mayor precisión que un DEP de Pedigree (discontinuados desde el 1/1/2021). Esta es una gran ventaja y aporte de la evaluación genómica: evaluar animales a muy temprana edad, aun cuando no han generado datos propios. Con esta misma mecánica podemos generar DEP Enriquecidos a las crías nacidas por TE o FIV o a las que se pesan, miden o ecografían fuera del rango establecido por el protocolo de toma de datos, así como también a los animales aislados (sin grupo contemporáneo). El genotipado y la evaluación genómica solucionan estos problemas y evalúan precozmente al potencial reproductor. Si se seleccionan los destacados y se incorporan como padres, se baja el intervalo generacional y se maximiza el progreso genético.

RESUMIENDO, ¿CUÁNDO LOS REPRODUCTORES ANGUS NO TIENEN DEP ENRIQUECIDOS?

En distintas oportunidades, las cabañas adheridas al ERA (servicio arancelado), los usuarios del Resumen de Padres Angus y quienes requieren los Certificados de Mérito Genético (CMG) nos han consultado acerca de por qué, en algunos casos, un reproductor Angus no posee DEP Enriquecido para una o más características evaluadas, aun cuando se han informado sus pesos, medidas y ecografías, o sea sus datos fenotípicos (propia performance).

Para esclarecer este tema, a continuación, describimos los principales motivos por los cuales un reproductor Angus incluido en el programa ERA puede carecer de algún DEP Enriquecido. En este sentido, le solicitamos tomar nota de las causas para evitar futuros inconvenientes.

- 1. Padre no identificado en las crías PP y PC: Esto sucede cuando el criador no aportó el RP y HBA del padre de la cría declarada.
- 2. Madre no identificada en las crías PC: A partir de la parición 2020, toda cría PC aportada al ERA, sin madre identificada o con madre identificada, pero sin al menos su año de nacimiento (lo ideal es fecha de nacimiento precisa), no recibirá DEP.
- 3. Padre o madre cuya categoría no cumple con el reglamento: Recordemos que, para el programa ERA, el criador debe declarar padre y madre PP cuando las crías son PP, mientras que, si éstas son PC, el padre debe ser PP y la madre PC. Cuando la situación es otra, a la cría no se le calcula ningún DEP.
- 4. DEP de largo de gestación: La cría no tendrá este DEP cuando el criador no declare la fecha de servicio.
- 5. DEP de peso al nacer y peso al destete: Si el criador no aporta el peso al nacer, la cría no tendrá este DEP ni el de destete, aun cuando el criador informe el peso al destete. Tampoco tendrá DEP de destete si fue destetado y pesado fuera de fecha (el rango es $205 \text{ días} \pm 45 \text{ días}$).
- 6. DEP de leche: Si falta el DEP de peso al destete, también faltará el DEP de leche
- 7. DEP de peso final: No se puede calcular cuando falta el DEP de destete.
- 8. DEP de características carniceras: Aunque el reproductor haya sido ecografiado, no tendrá DEP para estas características (EGD, EGC, AOB y %GI) si:
- a) Fue medido fuera de fecha (el rango es 550 días \pm 45 días para animales a campo ó 365 días \pm 45 días para animales con tratamiento diferencial, y en el caso de las hembras, cuando tengan más de tres meses de preñez).
- b) Falta el peso al destete.
- c) Falta la pesada ecográfica o ésta tiene una diferencia mayor a 7 días con la fecha de ecografía.
- d) Tiene la imagen ecográfica rechazada para esa característica.
- 9. DEP de %CM: Todas las causas para las cuatro características de calidad de carne mencionadas, más la falta de la medida de área de ojo de bife y de espesor de grasa dorsal.
- 10. Si la cría nació por TE (a partir del 1/10/2021), no recibirá DEP Enriquecidos basados en sus propios datos fenotípicos ni tampoco recibirá



DEP de Pedigree. Las crías de TE sólo recibirán DEP Enriquecidos a través de los datos fenotípicos o genotipados de sus futuras progenies y/o si dichas crías de TE son genotipadas.

11. Si la cría nació por FIV, no recibirá DEP Enriquecidos basados en sus propios datos fenotípicos ni tampoco recibirá DEP de Pedigree. Las crías de FIV sólo recibirán DEP Enriquecidos a través de los datos fenotípicos o genotipados de sus futuras progenies y/o si dichas crías de FIV son genotipadas.

12. Sin código de manejo o código incorrecto: Si en la declaración de la información de peso al nacer, peso al destete, peso final o en las ecografías para rendimiento y calidad de carne, el criador no declara el código de manejo de algún animal o lo declara, pero el animal queda como único integrante del grupo contemporáneo, dicha cría quedará aislada y, por consiguiente, sin ningún DEP. Para mayores detalles y evitar inconvenientes, por favor consulte el capítulo "¿Cuándo el Criador Adherido al ERA recibe DEP de sus Reproductores?".

¿CÓMO PODEMOS SOLUCIONAR ESTOS PROBLEMAS?

Las causas mencionadas en los puntos 4 al 12 se pueden solucionar, si usted envía a genotipar un reproductor que esté genealógicamente relacionado con la Base Nacional de Datos del programa ERA y esté dado de alta en el mismo con peso al nacer, en primera instancia. Si es así, dicho animal recibirá los DEP Enriquecidos para las doce características que evaluamos, como ya fue explicado. ¡Esto es posible gracias a la evaluación genómica!

¿POR QUÉ TENGO ANIMALES ECOGRAFIADOS EN LAS CUATRO CARACTERÍSTICAS, SIN PESADA ECOGRÁFICA, PERO EL %GI TIENE DEP ENRIQUECIDO?

En el ajuste del %GI no se utiliza el peso ecográfico. Esta es la única característica carnicera que no usa el peso ecográfico para su ajuste. Para solucionar

este problema en las otras características carniceras, usted debe pesar al momento de tomar la ecografía, o en su defecto, 7 días antes o después de realizada la misma.

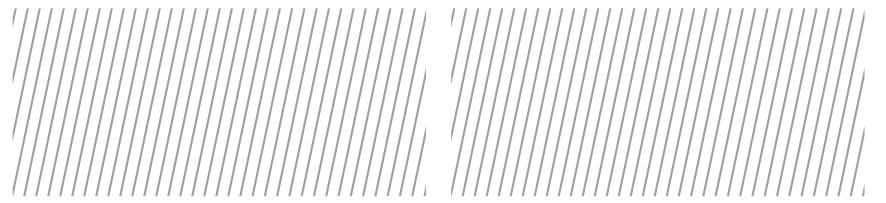
¿QUÉ ES UN CERTIFICADO DE MÉRITO GENÉTICO?

El Certificado de Mérito Genético (CMG) es un documento oficial –de una página– que incluye la siguiente información sobre cualquier reproductor Angus PP (ternero, ternera, torito, vaquillona, vientre y toro padre) evaluado en el programa ERA, como nombre, HBA, RP, fecha de nacimiento, genealogía, datos fenotípicos (pesos y medidas ajustadas o reales, depende la situación) y DEP para las distintas características que hacen a la eficiencia reproductiva, precocidad de crecimiento, rendimiento y calidad de la carne. Cabe destacar que, junto a los DEP para las diferentes características, se indica con "AngusGS" (refiere al chip específico utilizado) si el animal fue genotipado. Además, al pie del CMG figura la fecha de evaluación, es decir cuándo se realizó el cálculo de toda la información que allí figura, y la fecha de emisión, es decir cuándo se generó dicho documento.

En la página siguiente incluimos un ejemplo de CMG, que corresponde al del toro "Erre Te 383 Cóndor Euro T/E", por ser el padre con más crías (645) ingresadas al ERA entre el Resumen de Padres 2021 y 2022.

El CMG es una importante herramienta, no sólo para quienes tramitan la exportación de semen de un toro padre evaluado, sino también para los criadores que deseen comercializar sus reproductores, a través de sus remates o venta particular.

El CMG está disponible, sin cargo, para todas las cabañas adheridas al ERA (servicio arancelado). Para más información, le pedimos comunicarse con el coordinador del ERA.







Asociación Argentina de Angus Certificado de Mérito Genético DEP Enriquecidos por Evaluación Genómica





				1								_	
NOMBRE: ERRE TE 3	83 CONDOR E	URO-T/E-	APO	ODO: EURO)	RP: 1	1110 F	IBA: 79258	9 F	FECHA N	IAC.: 19/09/2	2011	
CATEGORIA: TORO DE PEDIGREE COLOR: N° ANALISIS: 251072 (STR / SNP) CABAÑA: LA PELADA (PP) CRIADOR: TERRA GARBA SACAIJF PROPIETARIO: RODACI Y CIA S.A., RUBETA S													
CABAÑA: LA PELAD	A (PP)		CRI			<u> </u>	P	ROPIETAR	IO: RODA	CI Y CIA	S.A., RUBE	TA S	
					SENEALOGIA								
					IARIAS 4955	SACARIAS				707625	COLOR: N		
	BISABUE	_		5887 HORN				C: AAAr		718899	COLOR: N		
		TAT	TARABUEL	.A: TRES N	IARIAS 4850	WIND EXT	T/E- ASO	C: AAAr	HBA:	707823	COLOR: N		
ABUELO I	PAT.: TRES MA	RIAS 630	1 ZORZAL-	T/E-		ASOC: AA	Ar	HBA: 7	27406	COL	OR: N		
		TAT	TARABUEL	O: WESTW	VIND RITO 85	03 D J H 0	19 ASO	C: AAAr	HBA: 69	8653	COLOR: N	_	
	BISABUE	LA: TRES	S MARIAS 4	4850 WIND	EXT-T/E-		ASO	C: AAAr	HBA: 70	07703	COLOR: N		
		TAT	TARABUEL	A: TRES N	IARIAS 4454	ERICA 1-T/	E- ASO	C: AAAr	HBA: 69	98563	COLOR: N		
PADRE: BENJAM	IN 1547 ZORZA	I LIDER			-16.3	ASOC: AA	Δr	HBA : 7	52552	COL	OR: N		
				• • • • •	1101 470110								
	BIOABUE				MBLAZON 8	54E		C: AAA	HBA: 78		COLOR: N		
	BISABUE		C HEADLIN		UANADA 858	-		C: AAAr	HBA: 71	19083 2740290	COLOR: N		
		_											
ABUELA I	PAT.: LA LEGU	A LIDER 8	3174 BELLE			ASOC: AA	Ar	HBA: 730	1944	COL	OR: N		
					NSON ROYCI	E 741C		C: AAAr	HBA: 70		COLOR: N		
	BISABUE	_		CE 7304 58	38			C: AAAr	HBA: 7		COLOR: N		
		_	TARABUEL		- 17			C: AAAr	HBA: 68		COLOR: N		
					EMULATION	EXT		C: AAAr	HBA: 69		COLOR: N		
	BISABUE	_		WIDESPRE.				C: AAAr	HBA: 71		COLOR: N		
		TAT	TARABUEL	.A: M B RA	CHEL 2173		ASO	C: AAA	HBA: 11	1814227	COLOR: N		
ABUELO I	MAT.:RUBETA	3910 GRII	NGO-T/E-			ASOC: AA	Ar	HBA: 738	613	COL	OR: N		
		TA1	TARABUEL	.0: G D A R	OSCAR 711	4	ASO	C: AAA	HBA: 68	38234	COLOR: N	_	
	BISABUE	LA: MOR	RIS GRING	A 2339 OS	CAR 711-T/E		ASO	C: AAAr	HBA: 70	2975	COLOR: N		
		TAT	TARABUEL	A: MORRIS	S MISS SAUC	Y 1956 G	ASO	C: AAAr	HBA: 68	38020	COLOR: N		
MADRE: ERRE TE	27 GRINGA TO	OLUCA-T	/E-			ASOC: AA	Δr	HBA: 759	172	COL	OR: N		
		TAI	TADADIJEI	O: MOUNT	AIN SIDE EX			C: AAAr	HBA: 70		COLOR: N		
	DICABLIE				JGADOR-T/E						COLOR: N		
	BISABUE				PRINCESS 8			ASOC: AAAr HBA: 714715 COLOR: N ASOC: AAAr HBA: 693706 COLOR: N					
ABUELA	MAT.:ERRE TE					ASOC: AA		HBA: 724		674 COLOR: N			
				O: BASIN I			C: AAAr	14325	COLOR: N				
	BISABUE			LOOD 324			ASOC: AAAr HBA: 71623				COLOR: N		
		TAT	TARABUEL	.A: ROSINA	A BLUE BLOC	D 2903	ASO	C:AAAr	HBA : 70	06206	COLOR: N		
		DEP	ENRIQUE	CIDOS POR	EVALUACIO	ON GENOM	IICA : Angu	sGS				_	
LARGO GEST			PESO AL D		LECHE		SO FINAL		SCROTAL		LTURA]	
DEP PREC PE	_	C PER	DEP PREC	_		_	PREC PER	_	REC PER	_	PREC PER	4	
-0.9 0.80 20	+0.4 0.92	2 75%	+4.8 0.9	1 60%	+1.9 0.80 45	+16.5	0.86 55%	+1.3 0	.88 35%	+2.2	0.91 25%	L	
A.0		E.G.D.		E.G.C.		G.I.	% C. MIN		CRIAS	R	ODEOS		
		PRECE		PREC PE		EC PER	DEP PRE		3777		120		
+1.1 0.8	5 65% +0.56	6 0.86	15% +1.02	2 0.86 10	% -0.09 0.	86 90%	-0.7 0.8	5 80%					
			_		ICAS FENOT		JSTADAS			_			
LARGO PESO AL DESTETE FINAL C. E.(g) ALTURA GEST.(a) NACER(b) PESO(c) GCIA(d) PESO(e) GCIA(f) ALT.(h) FRAME(i)													
	GEST.(a)	NACER(b			,,		ALT.(h)	FRAME	(1)				
40 322 1.362 771 1.301 38.5								126	3.5	┸			
Г	A.O.B.(j)	.G.D.(k)	E.G.C.(I)	%G.I.(m)	% C.M.(n)	COLOR	T.S.(o)	TIF	O PARTO				
L	91.1	16.9	19.9	2.6	43.4	N	TE	N	IORMAL				
a) LARGO DE GESTACI b) PESO AL NACER EN	ON EN DIAS	R FDAN NE	I A MADRE				i) ERAME	A EN CM AJUS					
b) PESO AL NACER EN c) PESO AL DESTETE E d) GANANCIA DIARIA P	REDESTETE EN KG	. AJUSTADA	POR EDAD D	E LA MADRE E LA MADRE			j) AREA D	E OJO DE BIFE OR DE GRASA	DORSAL ² EN I	MM AJUST	ADA A 550 DIAS		
e) PESO FINAL EN KG.	AJUSTADO A 550 D	IAS					n) ESPESO m) PORCI	OR DE GRASA I ENTAJE DE GR	DE CADERA E ASA INTRAMI	N MM. AJU JSCULAR A	ISTADA A 550 DI JUSTADA A 550	AS DIAS	
g) CIRCUNFERENCIA E	SCROTAL EN CM A	JUSTADA A	550 DIAS Y PO	OR EDAD DE L	A MADRE		n) PORCE o) TIPO D	NTAJE DE COI E SERVICIO	RTES MINORI	STAS			

FECHA DE EVALUACION: 09/06/2022

FECHA DE EMISION: 28/06/2022

SE PUEDEN COMPARAR DOS TOROS CON DIFERENTE PREC?

Sí, ya que los DEP Enriquecidos están ajustados por la diferente cantidad de información disponible. Sin embargo, la PREC nos indica el mayor o menor grado de riesgo que corremos al elegir uno u otro toro. Dicho riesgo se puede cuantificar con el Cambio Posible. Esto es muy importante para interpretar los DEP Enriquecidos, pues no sólo deben verse sus valores, sino también sus PREC, la cual nos indica el grado de riesgo de que dicho reproductor se mueva, hacia arriba o hacia abajo, con el agregado de más información para su predicción. No es lo mismo un animal con propia performance solamente, que un animal con propia performance y crías con datos productivos, ni tampoco si estas crías están distribuidas en un rodeo o en varios.

¿POR QUÉ LOS DEP ENRIQUECIDOS DE UN TORO PUEDEN VARIAR AÑO A AÑO?

Los DEP Enriquecidos pueden cambiar año tras año, por varios motivos. Periódicamente se mejora el análisis de la evaluación de padres y se agregan nuevos potenciales reproductores a la Base Nacional de Datos del programa ERA; entre el Resumen 2021 y éste, se incorporaron 22.458 animales con datos fenotípicos y se incrementó, en más de un 100%, los animales genotipados. Con este análisis mejorado y una población distinta de toros, se espera encontrar diferencias en los DEP Enriquecidos para algunos toros, los que podrán cambiar de posición en la escala de un Resumen a otro. Un cambio de 10 o 15 posiciones en una escala de 2000 toros, no es un gran cambio. Además, como regla general, los toros más viejos disminuirán su posición en la escala a medida que los toros jóvenes, de gran potencial genético, se incorporen a la población. Más datos fenotípicos y más genotipados conducen a una mejor predicción y precisión de los DEP Enriquecidos.

En resumen, los DEP Enriquecidos pueden variar por:

- a) Nuevos métodos de análisis del Modelo Animal (multiple trait): "one-step";
- b) Cambio del modelo matemático de análisis;
- c) Más información de performance fenotípica directa (proveniente de la progenie) e indirecta (proveniente de otros parientes);
- d) Más genotipados;
- e) Mejor distribución de las progenies de toros en varios rodeos;
- f) Nuevos criterios en la definición de grupo contemporáneo; y
- g) Cambio de la base genética.

¿EN QUÉ SE BASA EL CÁLCULO DEL FRAME SCORE DE UN ANIMAL?

El término "frame score" surgió en la Universidad de Missouri, de Estados Unidos. Su cálculo está basado en la alzada del animal (la altura desde el



piso hasta la punta de la cadera) y en su edad al momento de la medición. Usando dicha información dentro de una fórmula matemática suministrada por la Beef Improvement Federation (Federación para el Mejoramiento de Bovinos de Carne), de Estados Unidos, podemos calcular el frame score. En otras palabras, el frame score describe el tamaño corporal de los bovinos. Para las razas británicas, el frame score puede tomar valores entre 1 y 9, indicando así, los animales que tienen menor o mayor tamaño corporal bajo condiciones nutricionales que les permitan desarrollar un normal crecimiento.

PARA OBTENER MÁS KILOS DE CARNE POR HECTÁREA/AÑO EN UN SISTEMA DE PRODUCCIÓN PASTORIL O SEMI PASTORIL, ¿TENGO QUE ELEGIR SIEMPRE LOS TOROS CON DEP ENRIQUECIDOS MÁS ALTOS?

Para lograr más kilos de carne por hectárea/año no siempre debe elegir los animales con DEP Enriquecidos extremos para las características de crecimiento, sino aquellos cuyo tamaño adulto se adapten mejor a su sistema de producción. La idea es sincronizar tamaño-sistema-mercado: cuando seleccione un reproductor tenga en cuenta el sistema de producción donde él deberá expresar su máximo potencial genético y el objetivo de mercado que usted tenga. Siempre se deben priorizar las características asociadas a la eficiencia reproductiva, la precocidad de crecimiento, el rendimiento y la calidad de carne. ¡En este orden!

De ello se desprende que dentro de una raza no existe el toro ideal, sino que la riqueza de ella está en la variabilidad genética, lo cual le permite ofrecer reproductores adecuados para los diversos sistemas productivos. En pocas palabras: Si hay opciones, usted puede seleccionar.

En resumen, determine el frame score (tamaño) más adecuado para su sistema de producción, y dentro de dicho frame, elija los animales de DEP Enriquecidos mayores para peso final (a los 18 meses). Estos animales serán de más fácil terminación (más precoces). También debe considerar el frame score de las vaquillonas y vientres de su rodeo, para hacer apareamientos con toros padres adecuados a los mismos. Por eso incluimos el DEP de altura en nuestra evaluación.

¿QUÉ SIGNIFICA UTILIZAR UNA BASE GENÉTICA FIJA O MÓVIL?

De acuerdo con el Dr. Larry Shaeffer (Universidad de Guelph, Canadá; 1983), una base genética móvil significa que el promedio de los DEP Enriquecidos del último grupo de reproductores incluido en la evaluación nacional es cero, y el resto de los toros padres son comparados con ese grupo. En consecuencia, la base cambia cada vez que se realiza una nueva evaluación, ya que el grupo de reproductores que genera esa base también varía.

En la base genética fija, a diferencia de la móvil, los reproductores son comparados con un promedio poblacional fijado en un determinado año. Dicho promedio de DEP Enriquecido es "forzado" matemáticamente a ser igual a cero.

Para la edición 2004 y 2005 se utilizó una base genética móvil. Desde el Resumen de Padres 2006 al presente hemos decidido usar una base genética poblacional fijada en el año 1998. Esta base fue elegida con el criterio de minimizar los cambios en los valores absolutos de los DEP Enriquecidos con respecto a los Resúmenes 2004 y 2005, de tal forma que el criador no notase cambios bruscos en los reproductores.

AL USAR UNA BASE GENÉTICA FIJA O MÓVIL, ¿CAMBIA LA EVALUACIÓN DE LOS REPRODUCTORES O LAS DIFERENCIAS RELATIVAS ENTRE ELLOS?

El criterio para elegir una base fija o móvil es un tema de debate. Sin embargo, el ranking de reproductores o las diferencias relativas entre sus DEP Enriquecidos no cambian con la aplicación de una u otra base. Lo que sí varía, son los valores absolutos de los DEP.

La decisión de utilizar una u otra base genética tiene connotaciones de mercado y filosóficas. De mercado, significa que los criadores prefieren, para la mayoría de las características, no tener DEP Enriquecidos negativos en sus reproductores, y filosóficas, en el sentido que algunos prefieren una base móvil y otros una fija.

En general es más difícil para un mayor número de reproductores obtener valores superiores (o positivos) con una base móvil. Por otro lado, si la base genética fija se establece en un año muy remoto, habrá toros que tendrán DEP positivos, pero no serán necesariamente mejoradores.

Es importante que los productores o criadores que utilizan los Resúmenes de Padres (nacionales o internacionales), comprendan los cambios de base para aplicar y entender correctamente los DEP.

¿SON EVALUADAS LAS CRÍAS NACIDAS POR FIV?

No. Como está bien documentado en la literatura, el 80% de los problemas de parto (distocia) están relacionados con el peso al nacer de la cría. Por ello, el programa ERA brinda DEP Enriquecidos de peso al nacer, como herramienta para controlar los problemas de distocia.

Actualmente, la aplicación de la fertilización in-vitro (FIV) en los establecimientos ganaderos está creciendo significativamente. Sin embargo, aquí y en otros países, como Estados Unidos, Australia y Canadá, por ejemplo, la FIV tiene un efecto ambiental no deseado, pues produce mayores pesos al nacer; también incrementa, aleatoriamente, el peso al destete. Estos mayores pesos no tienen causalidad genética, sino que son atribuibles a procesos de laboratorio.

Esto ha conducido a la American Angus Association a no tomar en cuenta los datos fenotípicos propios de los animales nacidos por FIV en su programa de evaluación genética. Dicha Asociación los excluye por los citados problemas ambientales, de mayores pesos al nacer y al destete. Incluirlos, no sólo afectaría a los toros padres con facilidad de parto, sino a toda la evaluación genética.

Siguiendo dicho camino, y hasta que se perfeccione esta técnica, esta Asociación Argentina de Angus ha decidido que en su programa ERA, a los animales nacidos por FIV no se les calcule DEP basados en su propia performance. La cría nacida por FIV recibirá DEP Enriquecidos únicamente si es genotipada a través del servicio de Evaluación Genómica Angus. Posteriormente, cuando esa cría sea padre o madre, podrá tener los DEP Enriquecidos aportados por la información de sus progenies.

En este sentido, las planillas del ERA tienen la opción de FIV en el tipo de servicio, para que el criador lo indique cuando corresponda, lo cual lo agradecemos, pues es sumamente importante para esta Asociación, ya que la información que él declare será utilizada para sacar algún tipo de conclusión sobre este tema. Por tal motivo, se agradece muy especialmente a los criadores notificar fehacientemente las crías nacidas por FIV, en beneficio propio y de la raza.

CON LA EVALUACIÓN GENÓMICA, ¿UN ANIMAL NACIDO POR FIV PUEDE OBTENER DEP ENRIQUECIDOS?

Sí, y para las doce características que actualmente evalúa el programa ERA. Este es otro de los aportes de la evaluación genómica, pues como ya mencionamos, si usted envía a nuestra Asociación muestras de sangre o bulbo piloso de la cría, nosotros mandamos a extraer el ADN y a genotipar la misma a GeneSeek. Luego incorporamos ese genotipado a la Base Nacional de Datos del ERA, para predecir los DEP Enriquecidos para dicha cría. Eso lo viene haciendo la American Angus Association, y desde 2019 lo implementamos en nuestra Asociación.

¿QUÉ SUCEDE CON LAS CRÍAS NACIDAS POR TE?

Para la elaboración del presente Resumen de Padres se tomaron en cuenta los datos propios de las crías nacidas por TE, siempre y cuando las receptoras sean Angus. Sin embargo, a partir del 1° de octubre de 2021, el uso de la propia

performance de una cría proveniente de TE no es tenida en cuenta, pues el uso de vientres receptores, por más que sean Angus, producen un sesgo en los datos de peso al nacer y peso al destete, dado que dichos vientres afectan diferencialmente el valor de los mismos, a través de la alimentación intrauterina y la producción de leche hasta el destete. En consecuencia, el uso de la propia performance de dichas crías está discontinuado desde esa fecha. Por lo tanto, si usted quiere una evaluación precoz de las crías nacidas por TE, tendrá que mandar a genotipar las mismas o esperar a que ellas generen datos fenotípicos a través de sus progenies. Cabe mencionar, que dichas crías de TE tienen que ser igualmente dadas de alta en la planilla de nacimiento y destete del ERA, como actualmente lo viene haciendo.

¿OUÉ SUCEDE CON LAS CRÍAS PROVENIENTES DE DESTETE PRECOZ?

De ellas sólo se utiliza el peso al nacer y los códigos de facilidad de parto, para posteriormente ser excluidas del análisis de todas las demás características. Es decir, las crías destetadas antes de los 160 días de vida sólo suministran datos de peso al nacer y facilidad de parto para la base de datos del Resumen de Padres Angus.

EN EL PRESENTE RESUMEN DE PADRES, ¿POR QUÉ NO SE PUBLICA UN LISTADO DE TOROS LÍDERES POR CARACTERÍSTICA, COMO EN EL RESUMEN DE PADRES ANGUS DE ESTADOS UNIDOS?

Recordemos que en Estados Unidos la producción de carne se realiza en feedlot, mientras que la nuestra, casi mayoritariamente, bajo sistemas pastoriles o semi pastoriles. Por lo tanto, uno de nuestros principales objetivos es incrementar los kilos de carne por hectárea/año. Para esto es fundamental, como ya hemos visto, sincronizar el tamaño corporal de la hacienda con el sistema productivo, ya que un aumento desproporcionado de aquel seguramente afectará la eficiencia reproductiva del rodeo (tamaño de los vientres y distocia) y la facilidad de terminación de la invernada (precocidad).

En tal sentido es muy importante destacar que seleccionar correctamente no significa elegir los toros, toritos, vientres y vaquillonas que presenten mayores DEP (valores más altos) para las características que se deseen direccionar y cambiar, sino sólo aquellos cuyo tamaño corporal (frame score) se adapte mejor al sistema de producción de cada establecimiento y objetivo de mercado, sea este interno o de exportación, así como también hacer apareamientos acordes al frame score del rodeo.

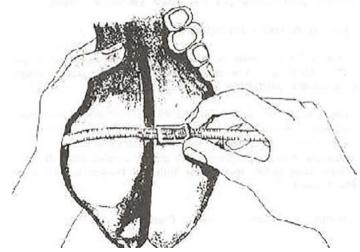
Al respecto, como hemos mencionado, la riqueza de una raza está en su variabilidad genética, ya que esto le permite ofrecer reproductores adecuados para diferentes sistemas productivos y mercados.



Por tal motivo hemos preferido no publicar un listado de Toros Líderes. El presente Resumen de Padres y los DEP Enriquecidos resultantes, calculados a través del programa ERA, tienen por finalidad proporcionar la mejor comparación genética entre animales para las características de importancia económica evaluadas, constituyéndose, en consecuencia, en una fundamental herramienta de selección para modificar –en forma efectiva– las características de interés económico, en cualquier dirección deseada. Recuerde que usted, como productor, es quien fija las metas de selección (mercado).

¿POR QUÉ ES IMPORTANTE MEDIR LA CIRCUNFERENCIA ESCROTAL?

La circunferencia escrotal nos da una indicación de la aptitud del toro, no sólo para producir semen (cantidad), sino también su relación con la precocidad sexual (edad a la pubertad) de su progenie y otros parientes. La medida debe ser tomada con una cinta métrica, donde el diámetro escrotal es mayor. Previamente es necesario presionar hacia abajo, poniendo un testículo junto al otro. La medida, tomada en centímetros, debe ir acompañada de la fecha de medición. Usando esta información, la circunferencia escrotal será ajustada a los 18 meses (550 días). Se sugiere medirla a los 550 días ± 45 días de edad, si bien puede medirse a edad más temprana (ver el capítulo "¿Cuándo el criador adherido al ERA recibe DEP Enriquecidos de sus reproductores?".



MEDICIÓN DE LA CIRCUNFERENCIA ESCROTAL.

¿A QUÉ EDAD DEBO ECOGRAFIAR LOS ANIMALES PARA PODER TENER SUS VALORES AJUSTADOS Y DEP ENRIQUECIDOS?

Nuestra recomendación es que los machos y hembras sean ecografiados lo más cerca posible de los 550 días (aprox. 18 meses) \pm 45 días de edad

(rango 505 a 595 días de edad; aprox. 16,5 a 19,5 meses). Las hembras nunca deben ecografiarse si tienen más de 3 meses de preñez. Hay que asignar el mismo código numérico de manejo a todos los animales que recibieron igual manejo nutricional entre el destete y la medición ecográfica; de lo contrario, poner otro código numérico. La medición ecográfica debe estar siempre acompañada por la pesada ecográfica (tomada \pm 7 días de la fecha de medición) y su mencionado código numérico de manejo, ya que, si esta información no es recibida, el CIIE no interpretará las imágenes. Tampoco serán evaluados los animales que están fuera del rango mencionado, por lo que no tendrán DEP Enriquecidos ni valores ajustados por edad.

¿CÓMO HAGO SI DESEO SELECCIONAR TORITOS Y VAQUILLONAS PREMATURAS?

Algunas cabañas usan toritos y vaquillonas de alrededor de un año de edad para su reposición. En estos casos, si dichos animales han estado en confinamiento o en buen estado nutricional (cuida), pueden ecografiarse a los 365 días (aprox. 12 meses) \pm 45 días de edad (rango 320 a 410 días de edad; aprox. 10,5 a 13,5 meses), pero estos recibirán DEP del servicio MIDA (Método Interno de DEP Angus), que no son Enriquecidos, sino Clásicos, y no comparables con los DEP del ERA (nivel nacional). Si son hembras, no pueden ecografiarse con más de tres meses de preñez. La medición ecográfica debe estar acompañada por la pesada ecográfica (tomada \pm 7 días de la fecha de medición) y su código numérico de manejo, ya que sin esta información el CIIE no interpretará las imágenes.

¿QUÉ SON LOS DEP ENRIQUECIDOS?

Son aquellos DEP obtenidos a partir de tres fuentes de información: datos fenotípicos, genotipado del ADN extraído de las muestras (sangre o bulbo piloso) y genealogía de los reproductores. Toda esta información es relativa a nuestra propia Base Nacional de Datos del programa ERA, de la cual obtuvimos nuestra propia población de referencia. La palabra "Enriquecido" surge de la posibilidad de incorporar los genotipados de la molécula esencial de la herencia, el ADN. Y esto se logra con la evaluación genómica implementada.

¿CUÁL ES LA PRINCIPAL VENTAJA DE ESTA EVALUACIÓN?

El criador puede obtener los DEP Enriquecidos, con mediana precisión, de todas las características de interés económico que evalúa actualmente la Asociación, a través de su programa ERA, en animales jóvenes que todavía no las han expresado. Esto brinda al criador una herramienta para seleccionar tempranamente sus reproductores, en función de su programa genético.

SI CON UNA MUESTRA DE ADN OBTENGO LOS DEP ENRIQUECIDOS, ¿TENGO QUE SEGUIR PESANDO, MIDIENDO Y ECOGRAFIANDO?

Sí, debe continuar llevando sus controles de producción (pesadas, medidas, ecografías, etc.) y enviarlos al programa ERA. Como se mencionó, los DEP

Enriquecidos son obtenidos a partir del genotipado del ADN del animal en cuestión, y son relativos a los datos fenotípicos (medidas, pesadas, scores y ecografías) y genealógicos incorporados a nuestra Base Nacional de Datos del ERA. Si usted posteriormente le agrega datos fenotípicos (pesadas, medidas, ecografías, etc.) al animal genotipado de su interés, la precisión de sus DEP crecerá más allá de la sola información genómica. Más datos fenotípicos y más genotipados conducen a una mejor evaluación genómica.

¿QUÉ ANIMALES ANGUS PUEDEN SER EVALUADOS POR LA EVALUACIÓN GENÓMICA ANGUS?

Actualmente estamos evaluando animales PP y PC, de cualquier sexo y edad, siempre y cuando estén genealógicamente conectados a la Base Nacional de Datos del programa ERA, estén dados de alta en dicha base con peso al nacer, en primera instancia, y el criador esté adherido a dicho programa.

¿POR QUÉ HAY QUE ESTAR ADHERIDO AL PROGRAMA ERA?

Dado que la evaluación genómica requiere de información fenotípica (pesadas, medidas, ecografías, score, etc.) de los parientes del animal a evaluar, ésta se obtiene de la Base Nacional de Datos del programa ERA. Esta es la razón por la cual es necesario que las cabañas adheridas continúen aportando datos fenotípicos al ERA, y las que aún no lo hacen, empiecen a hacerlo a la brevedad

¿PUEDE UN ANIMAL JOVEN RECIBIR DEP ENRIQUECIDOS?

Sí. Cualquier animal joven que es genotipado y está genealógicamente conectado con la Base Nacional de Datos del programa ERA, recibirá DEP Enriquecidos.

¿QUÉ DIFERENCIA HAY ENTRE PERFILES DE SNP DE BAJA Y DE ALTA DENSIDAD?

A lo largo de la molécula de ADN existen marcadores moleculares, denominados SNP. Estos son de gran utilidad, tanto para la verificación de parentescos como para la evaluación genómica.

Para la verificación de ascendencia se usan unos pocos SNP o marcadores moleculares (alrededor de 200/500), dependiendo de cada asociación de criadores. Por lo tanto, el perfil de parentesco de un animal proviene de un genotipado de baja densidad (pocos SNP). Cuando se verifican parentescos, simplemente se comparan los perfiles de una cría con los perfiles de su padre y madre; todos ellos, de baja densidad (actualmente estamos usando 200 marcadores o SNP). Estos perfiles de parentesco son utilizados por la Sociedad Rural Argentina para llevar adelante las verificaciones de ascendencia de los animales PP, y también por nuestra Asociación, para la verificación de parentescos de los PC.

En cambio, en los genotipados de alta densidad (miles de SNP) se busca, a lo largo de la cadena de ADN, muchos marcadores moleculares o SNP, pues de esa forma tenemos una mayor cantidad de SNP que se asocian con diferentes características de interés económico. Actualmente, el programa ERA, para realizar la Evaluación Genómica Angus, utiliza un genotipado de alta densidad, específico para la raza Angus, de 75.000 (o 75K) SNP o marcadores moleculares. Es importante aclarar que existen genotipados de alta densidad aún con un mayor número de SNP.

¿EL SERVICIO DE EVALUACIÓN GENÓMICA ANGUS TAMBIÉN INCLUYE EL PARENTESCO DEL ANIMAL GENOTIPADO?

Como se aclaró, hay varios tipos de genotipados, de acuerdo con el número de SNP o marcadores moleculares usados. Nuestra Asociación actualmente está usando los dos siguientes, de acuerdo con el fin:

- 1. El genotipado de alta densidad (HD) de 75K (75.000 SNP o marcadores moleculares), llamado AngusGS, para su evaluación genómica; y
- 2. El genotipado de baja densidad (LD), de 200 SNP, para la verificación de parentescos (SRA). Podrían usarse más, por ejemplo 500 SNP o marcadores moleculares para el mismo fin, como se mencionó en la pregunta anterior.

Ambos genotipados provienen de la extracción del ADN de las muestras de bulbo piloso o sangre de un animal, que la Asociación envía a GeneSeek, de Neogen.

Tanto los perfiles de alta como de baja densidad de SNP son incorporados a la Base Nacional de Datos del programa ERA y son usados en nuestra evaluación genómica, para obtener los DEP Enriquecidos.

Los perfiles de SNP de baja densidad de los Angus PP son usados para verificar los parentescos, tarea a cargo de la Sociedad Rural Argentina, a través de un acuerdo con dicha entidad. Para ello, nuestra Asociación separa dichos perfiles del genotipado realizado por GeneSeek (Neogen) y los envía a la SRA, para que realice la mencionada verificación.

En el caso particular de los perfiles de SNP de baja densidad de los Angus PC, nuestra Asociación también los usa para realizar la verificación de parentesco de una cría PC con su padre, previo a generarle un DEP Enriquecido.

¿CUALQUIER ANIMAL PUEDE OBTENER LA VERIFICACIÓN DE PARENTESCO POR SNP?

La obtendrá cualquier animal PP y PC, siempre y cuando sus padres tengan también perfiles por SNP, ya que los perfiles que surgen al genotipar las muestras de ADN, se hacen en base a SNP. Como fue mencionado, la verificación de



parentesco de los animales PC la realiza nuestra Asociación, mientras que la de los animales PP la lleva a cabo la Sociedad Rural Argentina.

¿CÓMO HACER ANALIZAR ANIMALES EN EL PROGRAMA ERA MEDIANTE EVALUACIÓN GENÓMICA?

El socio criador adherido al ERA tiene que enviar o presentar en la Asociación, muestras de sangre o bulbo piloso de los animales PP y PC de su interés, para extraer el ADN. Éstas las enviamos al laboratorio GeneSeek, quien hace dicha extracción y realiza los genotipados. Luego recibimos estos genotipados y producimos los DEP Enriquecidos, los cuales incluimos en los Certificados de Mérito Genético (CMG) que elaboramos para cada animal, para las doce características que el programa ERA evalúa actualmente. Además, enviamos los perfiles de SNP de baja densidad de los animales PP a la Sociedad Rural Argentina, para que realice la correspondiente verificación de parentesco.

¿QUÉ TIPO DE MUESTRAS PUEDO ENVIAR?

Puede enviar muestras de pelo o de sangre. En el caso de los primeros, tiene que enviar 80 pelos de la cola, sacados a contrapelo y con bulbo piloso. Si quiere enviar sangre, tiene que recolectar la muestra en dos tarjetas especiales (FTA); las mismas pueden ser solicitadas en las oficinas de la Asociación.

¿DÓNDE PRESENTAR O ENVIAR LAS MUESTRAS?

En la sede de la Asociación Argentina de Angus: Av. Cerviño 4449, 5º piso – 1425 Ciudad Autónoma de Buenos Aires.

¿QUÉ LABORATORIO ANALIZA LAS MUESTRAS DE ADN?

La Asociación firmó un acuerdo con GeneSeek, de Neogen, el mayor laboratorio de genotipados del mundo, durante el Secretariado Mundial Angus de Uruguay, en marzo de 2019. Este laboratorio, con sede central en Lincoln, Nebraska, Estados Unidos, es el encargado de genotipar las muestras de pelo o sangre que le envía la Asociación.

¿QUÉ SUCEDE CON LOS GENOTIPADOS OBTENIDOS?

La Asociación, a través de la Unidad Ejecutora del INTA Castelar, con la información recibida de los genotipados provenientes de GeneSeek, los incorpora a la Base Nacional de Datos del programa ERA y genera los DEP Enriquecidos.

¿CUÁLES SON LOS PLAZOS PARA OBTENER LOS DEP ENRIQUECIDOS?

La Asociación realiza dos envíos mensuales de muestras a genotipar al laboratorio GeneSeek: el segundo y el cuarto jueves de cada mes. En cada envío

son incluidas todas las muestras que hayan llegado a la Asociación hasta tres días antes de efectuarse el mismo. El único caso en que no se realiza un envío es cuando no se acumulan al menos 24 muestras en total, de todos los criadores. Las mismas son enviadas en la próxima fecha, si en ésta se acumula el mínimo requerido. Los DEP Enriquecidos son enviados al criador, a los 90 días corridos de haber sido remitidas las muestras a GeneSeek. Respecto al parentesco verificado por la Sociedad Rural Argentina, dicha entidad se lo informa al socio por los canales habituales. Pedimos a los socios que tengan en cuenta estos plazos a la hora de planificar los análisis.

¿QUÉ VALIDEZ TIENEN LOS RESULTADOS OBTENIDOS A PARTIR DEL GENOTIPADO DE ADN, OFRECIDOS POR ALGUNA EMPRESA EN NUESTRO PAÍS? ¿SIRVEN PARA COMPARAR REPRODUCTORES ENTRE SÍ, COMO LOS DEP ENRIQUECIDOS?

En primer lugar, la empresa que ofrece ese servicio no genera DEP Enriquecidos. En consecuencia, lo que ofrece es de utilidad muy limitada, y estas son las razones:

- 1. Los DEP Enriquecidos se basan en la evaluación que surge de la base de datos que posee una asociación de criadores, la cual tiene tres fuentes de información: la base de datos fenotípicos (propios, de progenies y de parientes), la base de genotipados (propia y de parientes) y la base de las relaciones de parentesco (genealogías). Todo esto conforma la Base Nacional de Datos del programa ERA de nuestra Asociación. Del uso simultáneo de toda esa información, se producen los DEP Enriquecidos, los cuales, en este escenario, son todos comparables entre sí.
- 2. Hecha esta aclaración, se desprende que la empresa que ofrece ese servicio genera sólo DEP Moleculares, no DEP Enriquecidos, pues su única fuente de información proviene del genotipado del ADN de unos pocos animales. Es decir, no usan todas las otras fuentes de información mencionadas, lo cual limita totalmente su predicción, y no son comparables con ningún DEP Enriquecido de nuestra raza Angus ni de ninguna Asociación del mundo. Por lo tanto, el valor de dicha evaluación sólo puede servir para una muy limitada comparación interna de los animales de un rodeo, con una muy limitada precisión, pues nunca incorporan información fenotípica (propia ni de parientes) ni genealógica del establecimiento de donde proviene el animal. En consecuencia, dichos limitados DEP Moleculares nunca crecerán en precisión. Tampoco son comparables con los DEP Enriquecidos de la American Angus Association.
- 3. Meramente es un resultado referido a una población de referencia desconocida, de una empresa comercial que ofrece el servicio. La base de referencia que usa no tiene relación alguna con la base de datos de la American Angus Association. En países como Estados Unidos, Canadá y Australia, por ejemplo, las asociaciones de criadores Angus tienen a su cargo generar los

propios DEP Enriquecidos a sus criadores, como lo está haciendo nuestra Asociación, y no la empresa que ofrece el mencionado servicio.

LA ASOCIACIÓN ARGENTINA DE ANGUS, A TRAVÉS DEL PROGRAMA ERA, ¿NOS PUEDE FACILITAR LOS COEFICIENTES DE CONSANGUINIDAD DE NUESTROS ANIMALES?

Como se sabe, a medida que se aparean individuos emparentados, es decir con ancestros comunes, se incrementa el coeficiente de consanguinidad, lo cual puede provocar la segregación de genes deletereos (menor eficiencia biológica y/o aparición de condiciones genéticas no deseadas). Por tal motivo, la Asociación Argentina de Angus brinda a los establecimientos adheridos al programa ERA que lo soliciten (servicio arancelado), el cálculo del coeficiente de consanguinidad para cada animal del rodeo. Cabe recordar que el coeficiente de consanguinidad puede tomar valores entre 0 (mínimo) y 1 (máximo).

SI MI ACTIVIDAD NO ES LA CRÍA DE ANGUS PP NI PC, SINO EL USO DE LA RAZA EN PROGRAMAS DE CRUZAMIENTOS, ¿PUEDO OBTENER ESTE RESUMEN DE PADRES?

Sí. Simplemente solicítelo a nuestra Asociación, la que le facilitará un ejemplar sin cargo o también puede descargarlo desde nuestra web (www.angus.org.ar).

12. MÉTODO INTERNO DE DEP ANGUS (¡MIDA!)

El programa ¡MIDA! (Método Interno de DEP Angus), lanzado en el año 2002, permite a los criadores de rodeos comerciales Angus disponer de DEP Clásicos de sus toros, vientres y procreos para las principales características relacionadas con la eficiencia reproductiva, precocidad de crecimiento, rendimiento y calidad carnicera, para usarlos en sus propios programas de selección u ofrecerlos a sus clientes en remates y exposiciones.

A diferencia del programa ERA, el ¡MIDA! no exige necesariamente utilizar toros PP ni PC, o sea que es ideal para los criadores de hacienda "general" (MaS, toros PC sobre vientres PC, etc.).

Las mencionadas características productivas para las que se obtienen DEP Clásicos del ¡MIDA!, son: largo de gestación, peso al nacer, facilidad de parto directa y materna, peso al destete, leche (aptitud materna), docilidad, peso final (a los 18 meses), circunferencia escrotal, altura, espesor de grasa dorsal,

espesor de grasa de cadera, área de ojo de bife, porcentaje de grasa intramuscular y porcentaje de cortes minoristas.

BENEFICIOS PARA EL CRIADOR

Con esta evaluación en base a DEP de sus reproductores, los criadores podrán compararlos dentro de su propio establecimiento para tomar decisiones selectivas objetivas y lograr un rápido mejoramiento de la productividad en la dirección deseada, de acuerdo con sus prioridades. También recibirán gráficos que les mostrarán el comportamiento de sus rodeos comerciales y la evolución de las principales características productivas.

¿QUÉ DEBE HACER EL CRIADOR?

Los criadores interesados deben identificar los toros, los vientres y sus crías, anotar sus fechas de nacimiento, pesar (al nacer, al destete y final) y medir (circunferencia escrotal, alzada y características carniceras, si lo desea), así como también colocar los códigos de manejo de las mencionadas medidas.

¿CUÁNDO PESAR, MEDIR Y ECOGRAFIAR?

- Peso al nacer: Dentro de las 24 horas del nacimiento
- Peso al destete: Al destete, preferentemente hasta 45 días antes o después de los 7 meses de edad, dado que este dato se ajusta a 205 días. Es decir, entre 160 y 250 días.
- Docilidad: Entre los 60 y 90 días posteriores al destete.
- Peso final, circunferencia escrotal y alzada: Preferentemente, hasta 45 días antes o después de los 18 meses de edad, dado que se ajustan a 550 días. En el caso de toritos en confinamiento, donde el criador necesita una evaluación genética anticipada, se pueden pesar y medir entre los 320 y 410 días de edad.
- Rendimiento y calidad de carne: Estos rasgos los miden los ecografistas habilitados por Angus, a los 550 días de edad ± 45 días; no medir vaquillonas que superen 3 meses de preñez. En el caso de toritos y vaquillonas prematuros, que están en confinamiento o buen estado nutricional (cuida), donde el criador necesita una evaluación genética anticipada, se pueden pesar y medir entre los 320 y 410 días de edad. Para más información, consultar el capítulo "¿Cuándo el Criador Adherido al ERA recibe DEP de sus Reproductores?"

Recuerde:

• Los DEP Clásicos del programa ¡MIDA! no son comparables con los DEP Enriquecidos del programa ERA.



- Los DEP predicen el comportamiento y comparan la performance esperable entre crías de distintos toros de su rodeo, así como también la de los toros padres y vientres que las generaron.
- Las comparaciones deben ser hechas siempre entre animales del mismo establecimiento, excepto que se puedan integrar grupos ¡MIDA!, a través del uso de toros comunes (toros de referencia).
- Los DEP de los toros pueden ir cambiando a medida que aumenta la información sobre su progenie (consecuentemente se incrementa la PREC).

13. LA EVOLUCIÓN DEL PROGRAMA ERA

En noviembre de 1989, durante el 6º Forum Mundial Angus realizado en Mar del Plata, se presentó el 1er Resumen de Padres de la raza en el marco del ERA, programa conducido por esta Asociación Argentina de Angus y el Instituto de Genética del INTA-Castelar, como resultado del convenio suscripto ese año entre ambas instituciones. Las **Figuras** siguientes representan cómo evolucionó el programa ERA entre 1989 y el presente Resumen de Padres Angus.

La **Figura I** muestra la evolución del peso al nacer desde 1989 hasta 2019. En la misma se puede ver una marcada declinación del peso al nacer hasta el año 2003. Luego subieron levemente hasta 2011. A partir de dicho año comenzaron a bajar, para obtener, durante el año 2021, los siguientes promedios: machos, 36 kilos, y hembras, 34,4 kilos. Estos promedios son valores muy estables entre 2016 y 2021 para peso al nacer.

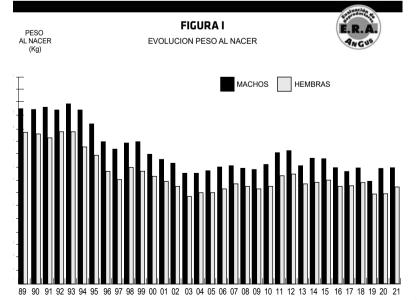
La **Figura Ha** muestra el crecimiento en la cantidad de animales que conforman la Base Nacional de Datos del programa ERA: de 10.011, en 1989, hasta los 634.810 actuales. Tomando sólo los últimos diez años, esto representa un incremento del 100% en la cantidad de reproductores PP y PC, acumulándose más de 7.000.000 de datos de las principales características de interés económico.

En el presente Resumen hemos agregado la **Figura IIb**, que nos muestra un crecimiento de más del 100% de animales genotipados desde 2019 hasta el cierre de la presente publicación (4201 versus 8902). También puede observarse que, al cierre, estaban en procesamiento 1336 genotipados, totalizando 10.238 genotipados, los que ya están incorporados a la Base Nacional de Datos del programa ERA. Esto muestra la gran aceptación de los criadores Angus de evaluar y seleccionar reproductores jóvenes. Cabe señalar que, la incorporación de destacados reproductores jóvenes a los plateles maximiza el progreso genético en los mismos.

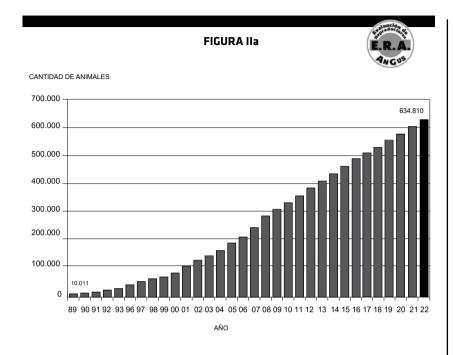
El número de toros padres Angus evaluados, como indica la **Figura IIIa**, también se incrementó considerablemente: de 138 (en 1989) a 11.413 (en el presente Resumen de Padres). Es importante destacar nuestro deseo, que la cantidad de animales en los grupos contemporáneos sea mayor al mínimo de dos, pues eso permite una mejor predicción de los DEP. También incluimos la **Figura IIIb**, que ilustra la cantidad de toros listados en los Resúmenes de Padres publicados desde 1989, aclarándose que desde el año 2007 sólo se publican los que tienen 10 o más hijos evaluados en el programa ERA y que siguen activos (produciendo progenies), en los seis años anteriores a la edición del presente Resumen (1710). La **Figura IIIc** ilustra que el 87% de los toros publicados tiene DEP Enriquecidos de rendimiento y calidad de carne, lo cual significa un gran logro.

Como se presenta en la **Figura IV**, el aumento en la cantidad de establecimientos adheridos al ERA –de 17 a 549– es otro aspecto muy importante de este programa, indicando el interés de los criadores Angus en utilizar información sobre sus rodeos, surgida de evaluaciones genéticas objetivas como ésta.

A partir del año 2002, con el objetivo de evaluar reproductores Angus por rendimiento y calidad carnicera, comenzaron a realizarse mediciones ecográficas en los establecimientos adheridos al programa ERA. En ese año se ecográfiaron machos y hembras Angus en sólo 20 de esos establecimientos. La **Figura V** muestra cómo aumentó significativamente la cantidad de establecimientos que miden características de rendimiento y calidad carnicera por ultrasonido. Actualmente, 262 establecimientos adheridos al ERA están ecografiando sus reproductores, lo que nos ha permitido evaluar 5525 toros padres en base a DEP, en características tan importantes como espesor de grasa dorsal, espesor de grasa de cadera, área de ojo de bife, porcentaje de grasa intramuscular y porcentaje de cortes minoristas.



año 53





89 90 91 92 93 96 97 98 99 00 01 02 03 04 05 06 07 08 09 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22

ΑÑΟ

FIGURA IIb



RESUMENES DE PADRES ANGUS ANIMALES GENOTIPADOS

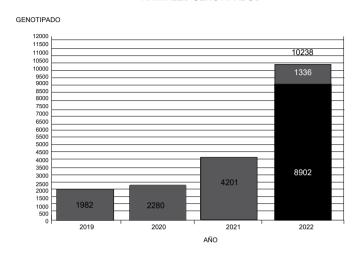
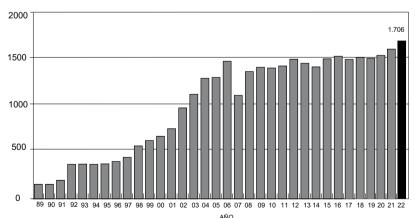


FIGURA IIIb



CANTIDAD DE TOROS PUBLICADOS RESUMEN DE PADRES 1989/2022

TOROS PADRES



Nota: A partir del año 2007, sólo son publicados los Toros Padres activos con más de 10 Hijos

1500 1000 500



FIGURA IIIC TOROS PUBLICADOS CON DEP DE RENDIMIENTO Y CALIDAD DE CARNE 2000 1500 1000 136 1,766 1,786 1,488

FIGURA IV

Nota: A partir del año 2007, sólo son publicados los Toros Padres activos con más de 10 Hijos



CANTIDAD DE CRIADORES ADHERIDOS

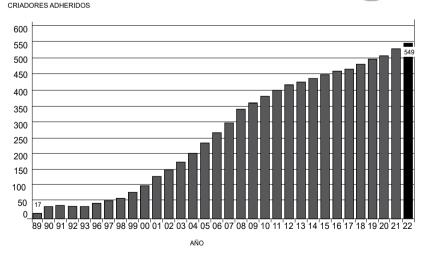
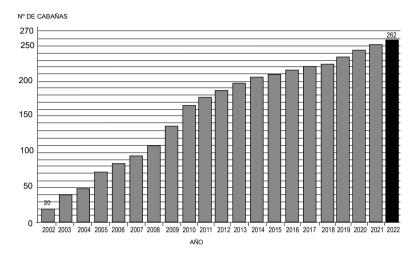


FIGURA V
CABAÑAS CON DATOS ECOGRAFICOS





14. LA EVOLUCIÓN DE LA RAZA ANGUS

TENDENCIAS GENÓMICAS

Dónde está y hacia dónde se dirige una raza es uno de los temas de mayor discusión entre los criadores. Al observar las tendencias genómicas (unidades genéticas DEP Enriquecidos) de las características de producción, podemos notar cómo evolucionó genéticamente nuestra raza Angus a través del tiempo.

En noviembre de 1989, con motivo del 6º Forum Mundial Angus, se presentaron las tendencias genéticas para las principales características de interés económico, evaluadas, en aquella oportunidad, en base al denominado Modelo Toro. En el año 2002, usando el Modelo Animal, mostramos las mencionadas tendencias genéticas para peso al nacer, peso al destete, leche, peso final y circunferencia escrotal, desde 1974 hasta 2001.

En los últimos Resúmenes de Padres Angus hemos ilustrado cómo la raza comienza a moderar su tamaño a partir de 1989, pues la tendencia genómica positiva del peso al nacer empieza a revertirse. En el presente Resumen de Padres Angus nos parece más relevante ilustrar sólo las tendencias genómicas a partir de 1996. Por lo tanto, la **Figura VI** describe mejor la realidad e ilustra aun una tendencia genómica negativa para peso al nacer en los últimos ocho años (1996).

a 2003), lo que está ratificando una marcada moderación y una selección exitosa por parte de los criadores Angus, hacia menores pesos al nacer. Sin embargo, es importante destacar que esta tendencia genómica negativa comienza a moderarse en los últimos nueve años (2004 / 2012), bajando levemente en los seis últimos años, lo cual indicaría que los actuales pesos al nacer estarían en el nivel deseado por los criadores Angus (ver **Figura I**).

Sin embargo, la Figura VIII, que representa la evolución genómica del peso al destete, muestra una tendencia genómica positiva, con un moderado incremento en los últimos seis años (2007 / 2012), mientras que se estabilizó desde los años 2013 a 2020, mostrando una tendencia a subir en 2021, aunque esto es prematuro afirmarlo, pues sólo explicita dicho año. Esto indica que los criadores están haciendo un correcto uso de la información de los DEP, dado que es posible mantener los pesos al nacer en valores razonables (evitar distocias) e incrementar y estabilizar los pesos al destete, lo cual es un doble mérito de ellos. La Figura XIIa expresa una tendencia genómica positiva del peso final (18 meses) dentro de la buscada moderación, por parte de los criadores, del tamaño corporal (frame score). La misma muestra una marcada tendencia positiva, con sostenido incremento del peso final desde 2005 a 2020. Lo más destacable se muestra en la Figura XIIb, donde en los últimos 18 años, estas tres tendencias genómicas superpuestas resaltan el triple mérito de los criadores, pues mantienen un bajo y razonable peso al nacer, mantienen el peso al destete, habiendo incrementado el peso final (2005 / 2020). Con respecto a circunferencia escrotal, la Figura XIV muestra una razonable tendencia genómica positiva desde 1996 hasta 2020, manteniendo el promedio en DEP Enriquecido superior a +1,2. Creemos que esta característica puede mejorarse aún más. En cuanto a la tendencia genómica para aptitud materna (leche), si bien se mantuvo prácticamente estable desde 2004 a 2015, a partir de 2016 y hasta 2021 inclusive, empieza a mostrar un marcado incremento positivo (Figura X).

Con respecto a las **Figuras VII, IX, XI, XIII, XV** y **XVII** son de suma relevancia, pues nos muestran la variabilidad genética existente en la población de los toros padres evaluados para peso al nacer, peso al destete, leche, peso final, circunferencia escrotal y altura, respectivamente. Tal variabilidad en la raza Angus demuestra su riqueza, pues los criadores y productores comerciales pueden usar los DEP Enriquecidos como la mejor herramienta de selección de toros padres, para moverse en la dirección deseada de acuerdo con sus objetivos. A su vez, la **Figura XVI**, referida a la tendencia genómica de la altura, es una demostración más de la moderación en tamaño (frame score) de nuestra raza Angus, pues se muestra un muy leve incremento en los últimos nueve años (2003 / 2011), comenzando a bajar en los últimos ocho años (2012 / 2020), cuidando el tamaño adulto, a fines de no incrementar el tamaño de los vientres, a través de las vaquillonas de reposición.

TOROS PADRES ANGUS ACTUALES: PROMEDIOS EN DEP ENRIQUECIDOS

A continuación, en la **Tabla** 7 presentamos los valores promedios en DEP Enriquecidos de los toros padres usados en la actualidad ("current sires"). Estos

promedios ponderados de los toros padres de la raza Angus están basados en las pariciones de los años 2018 y 2020.

Estos promedios permiten ilustrar las decisiones de selección y el énfasis o prioridades que ponen los criadores en las principales características de interés económico. También son de gran utilidad para los criadores que reciben las evaluaciones genéticas particulares a través del servicio arancelado del programa ERA, pues pueden comparar sus propios promedios con respecto a los aquí presentados, pudiendo establecer cómo se encuentran relativamente.

TABLA 7. PROMEDIOS EN DEP ENRIQUECIDOS DE LOS TOROS PADRES ANGUS ACTUALES AÑOS 2018/2020 DEP PN LECHE DOC ALT **EGD EGC AOB** LG %GI %CM +1,0 +1,2 -0,2 +6,2 +1,4 |+17,9 +1,6 +0.26 +0,49 +1,8 0.00

TENDENCIAS FENOTÍPICAS LA ACTUAL PERFORMANCE DE LA RAZA ANGUS

En la actualidad, la Asociación Argentina de Angus cuenta con la mayor base de datos de performance (634.810 reproductores) de nuestro país y de América Latina, siendo esto mérito del trabajo silencioso, pero sin pausa, de los criadores Angus. El programa ERA se inició con 17 criadores, y en la actualidad cuenta con 549 adheridos –distribuidos en diez provincias–, habiendo conducido todos ellos a que este programa de evaluación genética sea el líder entre los de las razas de carne del país.

Así como en el año 2002 nos pareció importante compartir con ustedes la evolución de nuestra raza, somos conscientes que mostrar su situación actual, después de 33 años, reviste una mayor relevancia a los fines comparativos o de decisión de nuestros criadores y productores comerciales. Al respecto, en las próximas páginas presentamos una serie de **Figuras** que ilustran la actualidad de ciertas características de interés, como peso al nacer, peso al destete, peso final, circunferencia escrotal, altura y frame score. Las mismas hablan por sí solas, por lo que las describiremos brevemente.

Las **Figuras XVIII** y **XIX** nos muestran los promedios y la distribución de los pesos al nacer para machos y hembras, respectivamente. En estas **Figuras** no hemos incluido el año 2020, con excepción de peso al nacer, pues la idea ha sido presentar una serie de años que contengan información de todas las características mencionadas. Como ya se ilustró en la **Figura I**, en el año 2021 los promedios de peso al nacer fueron de 36 y de 34,4 kilos para machos y hembras, respectivamente. Esto representa una razonable baja de dichos promedios, con respecto a 2011 y una marcada estabilización en los últimos cuatro años.

Si seguimos avanzando, las **Figuras XX** y **XXI** indican los promedios y la distribución de los pesos al destete en machos y hembras. Al respecto, cabe destacar que ese exitoso trabajo de selección de nuestros criadores, por bajar el peso al



nacer del Angus, fue hecho manteniendo buenos pesos al destete, pues tomando el promedio del año 2020, los machos y las hembras pesaron 230 y 220 kilos, respectivamente. Sin duda, un doble mérito de ellos.

Con respecto al peso final (ajustado a 18 meses), las Figuras XXII y XXIII muestran la distribución de esta característica tan importante para los invernadores y exportadores, con el objetivo de responder a los mercados internos y externos (cuota Hilton, etc.). Podemos mencionar que, en el año 2020, los pesos finales (18 meses) de los machos promediaron 493 kilos y los de las hembras 407 kilos. Aquí es importante detenernos para señalar que, históricamente, el 80% de nuestra producción se destina al mercado interno, y que en los últimos 20 años del Mercado de Liniers -un muy buen referente de nuestro mercado interno- los pesos promedio de los novillos se mantuvieron alrededor de los 430-500 kilos. En tal sentido, de acuerdo con los mencionados pesos finales de nuestra raza, podemos deducir que el Angus satisface plenamente dicho mercado. Por su parte, la Unión Europea y la cuota Hilton demandan animales que están dentro de la distribución que se muestra en la Figuras XXII y XXIII. De ahí, la importancia de las mencionadas Figuras, pues en ellas se muestra que más allá del promedio, la raza posee una amplia variabilidad fenotípica (kilos) para responder con gran facilidad a cualquier mercado externo.

Como se sabe, la circunferencia escrotal está relacionada con la fertilidad, pues los toros con mayor circunferencia no sólo están asociados con una mayor cantidad de semen, sino también con mayor precocidad sexual. El promedio de los animales nacidos en 2019, para esta característica que se comenzó a medir a partir de 1988 –más tarde que las características de peso mencionadas–, fue de 36,6 centímetros (**Figura XXIV**). Aprovechamos esta oportunidad para recomendar a los criadores poner mayor énfasis en esta característica de fácil medición, pues al ser de alta heredabilidad (0,47), la selección de padres superiores (DEP positivos) los conduciría a un significativo progreso genético de la misma.

La moderación de la raza Angus se pone bien en evidencia con un indicador de tamaño, como el frame score. Recordemos que éste surge de la altura medida desde el piso a la punta de la cadera (Figuras XXV y XXVI) del animal ajustada por su edad (días de vida), y que, a igual altura y edad, las hembras darán un mayor frame score. En las Figuras XXVII y XXVIII se ilustra el frame score promedio de la raza Angus para machos y hembras. Somos conscientes que, si bien los animales han disminuido su tamaño, los actuales animales tienden a ser más pesados que en el pasado, a igual frame.

Es importante aclarar que todos los promedios expresados anteriormente fueron calculados en base al total de animales en la Base Nacional de Datos del programa ERA, en los años mencionados. A continuación, por medio de la **Tabla 8** nos parece importante ilustrar la buena complementación que se da entre los criadores de PP y PC, pues los mismos suministran permanentemente con reproductores a los productores comerciales, a los fines de maximizar no

sólo los kilos de carne/hectárea/año, sino también el rendimiento y la calidad del producto final, es decir la carne.

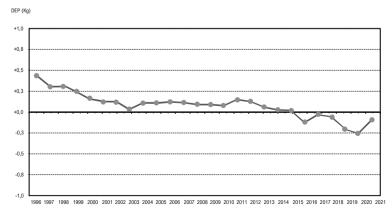
Dicha **Tabla 8** contiene los promedios de las principales características de interés económico en la producción de carne, tanto para PP como para PC y para el período 2018 / 2020.

TABLA 8. PROMEDIOS PARA LAS CARACTERÍSTICAS DE CRECIMIENTO Y CALIDAD CARNICERA AÑOS 2018/2020

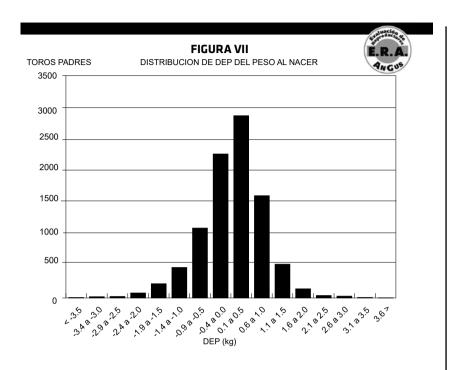
		Puro de .	Pedigree		Puro Controlado						
Característica	MACI	HOS	НЕМЕ	BRAS	MACI	HOS	HEMBRAS				
	Nº Crías	Prom.	Nº Crías	Prom.	Nº Crías	Prom.	Nº Crías	Prom.			
Largo de Gestación (días)	5.550	282	5.348	281	36	280	35	277			
Peso al Nacer (kg)	17.783	36.0	16.817	344	19.771	34.9	12.539	33.5			
Peso al Destete (kg)	15.686	15.686 248 14		232	17.330	213	10.846	206			
Docilidad (score)	ilidad (score) 690 1.2		398	1.2	2.154	1.3	233	1.3			
Peso Final (kg)	9.092	531	8.086	424	10.906	471	5.041	368			
Circunf. Escrotal (cm)	9.029	37.2			10.940	36.2					
Altura (cm)	7.227	126	6.451	122	8.560	124	4.125	121			
Frame Score	7.227	3.6	6.451	4.3	8.560	3.1	4.125	4.1			
EGD (mm)	5.317	3.6	4.158	4.7	2.896	2.2	1.802	2.5			
EGC (mm)	5.315	5.2	4.155	6.2	2.502	3.4	1.803	3.9			
GI (%)	5.587	87 3.0 4.417		3.2	2.712	3.0	1.853	2.9			
AOB (cm²)	5.317	71.9	4.158	62.8	2.896	67.0	1.801	53.5			

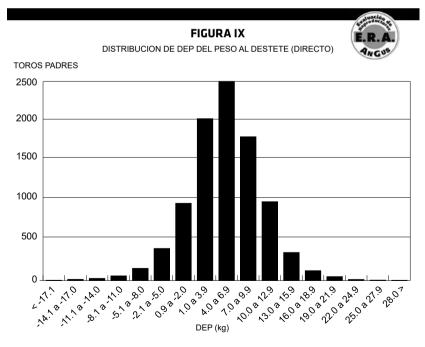
FIGURA VI TENDENCIA GENOMICA PESO AL NACER

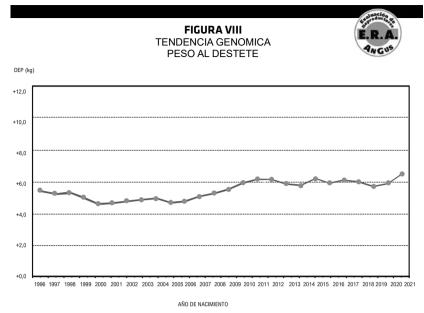


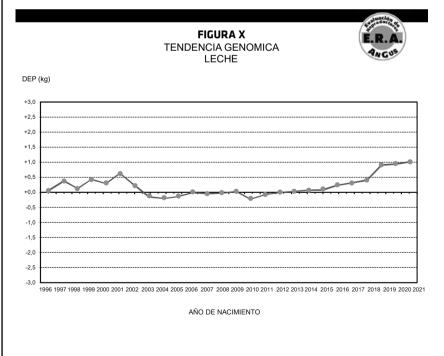


AÑO DE NACIMIENTO

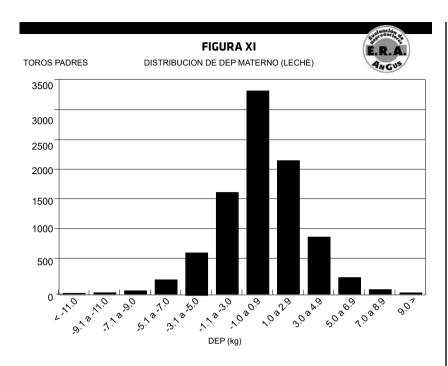


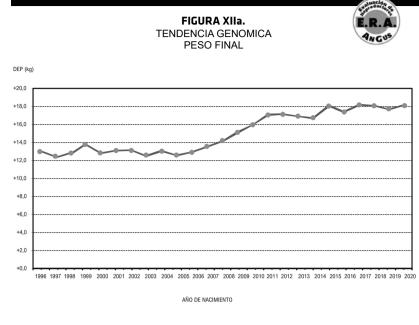


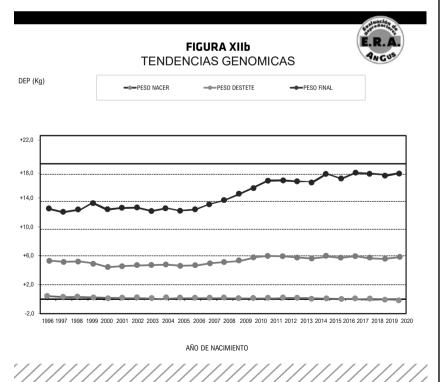


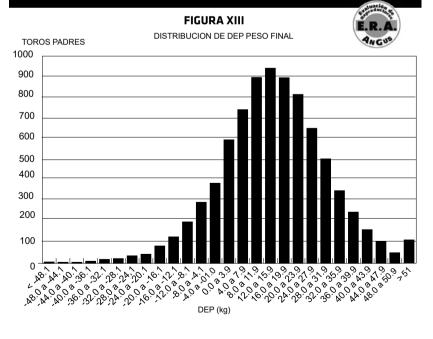


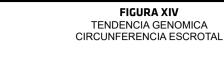




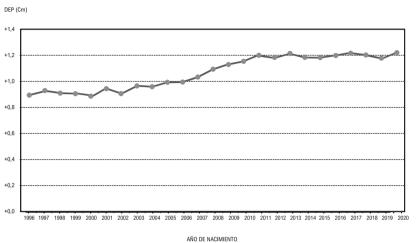


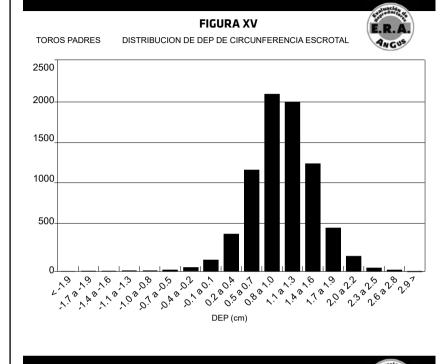


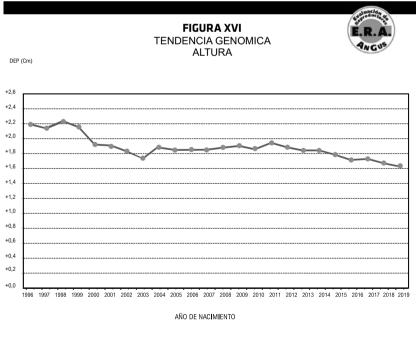


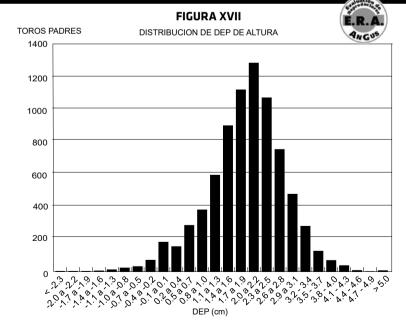




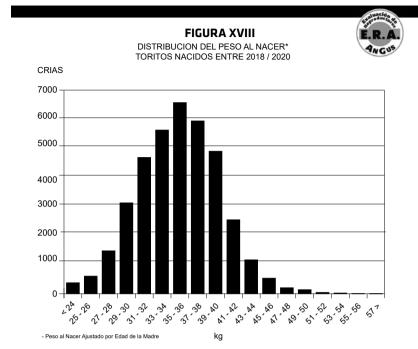


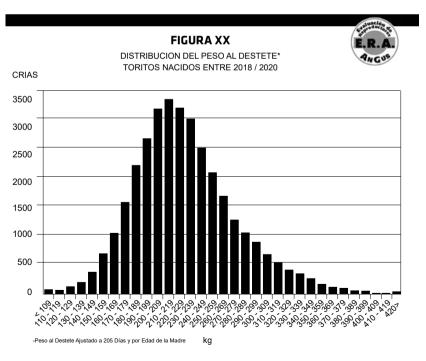


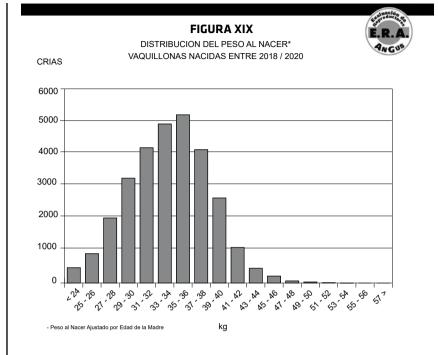


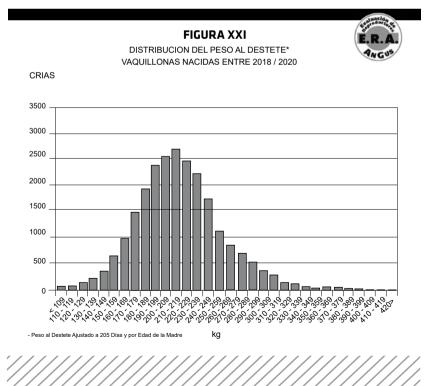


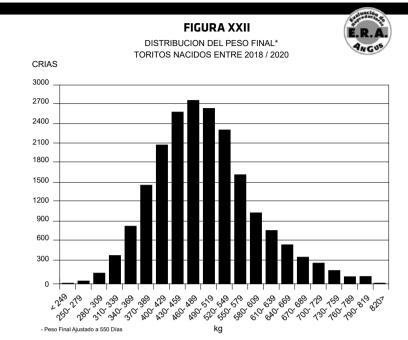


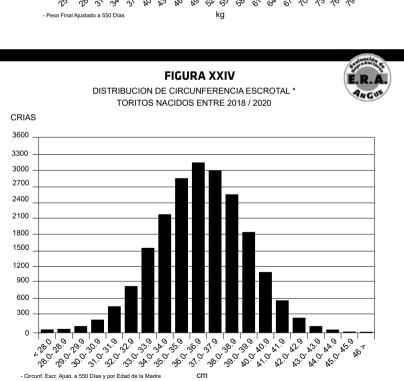


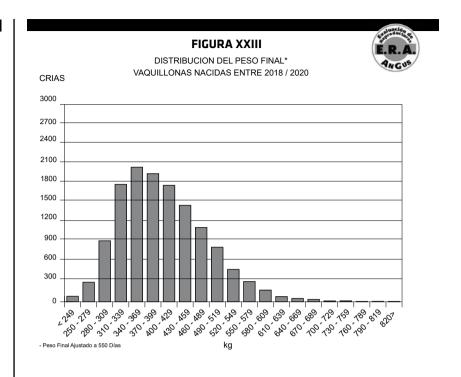


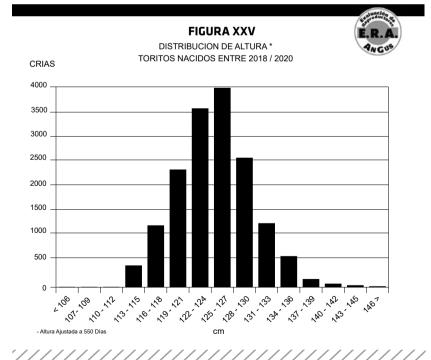




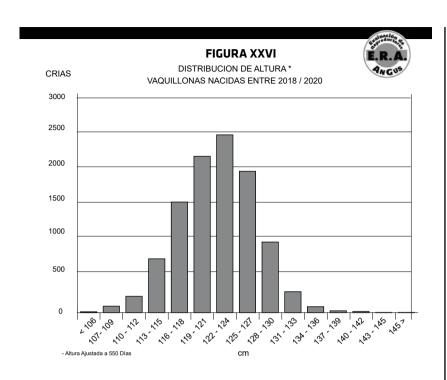


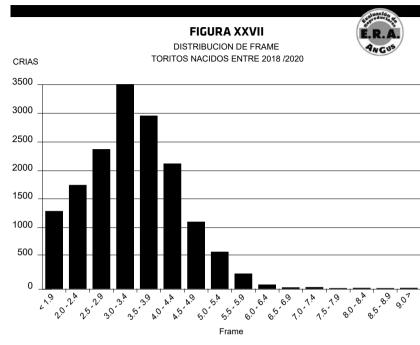


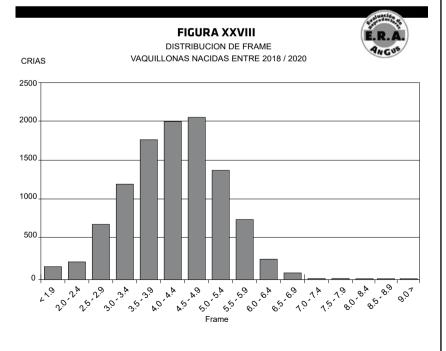














15. CARACTERÍSTICAS CARNICERAS POR ULTRASONIDO

En el año 2002, la Asociación Argentina de Angus decidió incluir en su programa ERA, además de las características de interés económico relacionadas con el potencial de crecimiento y la eficiencia reproductiva, aquellas que influyen sobre el rendimiento y la calidad del producto final, la carne. De esa decisión, más la colaboración de los criadores, logramos toros Angus evaluados con DEP Enriquecidos para las características que hacen al rendimiento y a la calidad de carne, que presentamos en este Resumen de Padres, siendo nuestra raza la primera del país en hacerlo.

Tales características son: espesor de grasa dorsal (EGD), espesor de grasa de cadera (EGC), área de ojo de bife (AOB), porcentaje de grasa intramuscular (%GI) y porcentaje de cortes minoristas (%CM).

Cabe recordar que el primer paso de esta Asociación fue la elaboración y aprobación del protocolo "Procedimientos de Recolección de Datos Ecográficos de Calidad de Carne", que sigue los lineamientos establecidos por la Iowa State University, de Estados Unidos, el centro más importante del mundo que desarrolló la evaluación de características carniceras por ultrasonido. Este protocolo tiene como única finalidad establecer pautas académicas precisas para los potenciales ecografistas interesados en prestar este servicio de medición, en lo que respecta a técnica de trabajo, operarios y equipos. Esto nos permite, no sólo asegurar la calidad de la información, sino también garantizar la compatibilidad de los datos provenientes de distintas fuentes.

En el año 2004, dado que los ecografistas certificados en Estados Unidos no eran suficientes para la demanda de los criadores Angus argentinos, se decidió invitar al Dr. Doyle Wilson, profesor emérito de Iowa State University y precursor en todo lo referente a la captura, interpretación y evaluación de imágenes ecográficas vinculadas con calidad de carne, a dictar el 1er Curso de Capacitación y Certificación de Ecografistas para la Toma de Datos de Rasgos de Calidad de Carne. También bajo la dirección del Dr. Wilson, en los años 2006, 2008, 2010, 2013 y 2018 se realizaron la 2da, 3ra, 4ta, 5ta y 6ta edición de este Curso Internacional, respectivamente. En este último Curso, nuestra Asociación contrató como instructor al señor Matt Lane, el mayor ecografista de Estados Unidos.

EL C.I.I.E.

En el año 2004, en el marco del acuerdo entre la Asociación Argentina de Angus y el INTA se creó el CIIE (Centro de Interpretación de Imágenes Ecográficas).

De esta forma, si bien las ecografías de las distintas características carniceras son tomadas por técnicos privados, certificados en los Cursos dictados por nuestra Asociación o la UGC (Ultrasound Guidelines Council), de Estados Unidos, la interpretación de ellas se realiza en el CIIE, tarea que está a cargo de especialistas también certificados en esa entidad estadounidense y sin ninguna relación con los ecografistas que realizan las mediciones a campo.

Así, la información resultante de estas mediciones e interpretaciones de la raza Angus es procesada, como las actuales características de crecimiento, por la Unidad de Genética Animal del Instituto de Genética del Centro de Investigación en Ciencias Veterinarias y Agronómicas del INTA Castelar, e integradas al programa ERA, obteniéndose los correspondientes DEP Enriquecidos para cada una de ellas.

El CIIE fue creado para interpretar imágenes ecográficas de manera imparcial y con la máxima calidad académica, brindando dicho servicio a los ecografistas habilitados por la Asociación que trabajan en el país para la raza Angus. Al respecto, cabe destacar que esta Asociación ha acordado con sus similares de Bonsmara, Braford, Brahman, Brangus, Hereford, Limangus, Limousin, Senepol y Shorthorn, así como también con los ovinos Hampshire Down, que las imágenes ecográficas de dichas razas, las que sólo pueden ser tomadas por los técnicos mencionados, sean interpretadas por el CIIE. Esta clase de acuerdo también está abierto a otras razas boyinas de carne.

En la actualidad, las imágenes que necesitan interpretación son el EGD, el EGC, el AOB y el %GI, a partir de cuyos valores se calculan los correspondientes DEP Enriquecidos para toros, toritos, vientres y vaquillonas en nuestro programa ERA. Por eso el CIIE también es dinámico en lo que respecta a la incorporación permanente de tecnología, puesto que en el futuro seguramente aparecerán nuevos ecógrafos –con su correspondiente software– y tal vez otras características relacionadas al rendimiento y a la calidad de carne.

El CIIE tiene las siguientes funciones:

- 1. Proveer a los criadores, en forma y tiempo adecuados, de una correcta (no viciada) interpretación de las imágenes de ultrasonido de EGD, EGC, AOB y %GI, tomadas únicamente por los ecografistas certificados y habilitados por la Asociación.
- 2. Proveer asistencia operacional a los ecografistas que trabajan con los criadores, cuando se detecten imágenes mal tomadas. Esto es de suma relevancia, pues dichas imágenes no podrán ser transformadas en DEP.
- 3. Guiar a los criadores en la correcta codificación de los efectos ambientales (grupos contemporáneos), para garantizar la obtención de los DEP de los animales medidos por ultrasonido (ver el capítulo "¿Cuándo el criador adherido al ERA



recibe DEP de sus reproductores?").

• 4. Asistir a las distintas razas de carne, que así lo requieran, en la creación de una correcta base de datos, para poder calcular los DEP en las características de rendimiento y calidad de carne obtenidas a través de las medidas ecográficas, dado que el CIIE brinda servicio a otras asociaciones de criadores de bovinos de carne.

MÁS DE 5500 TOROS ANGUS EVALUADOS

Hoy, esta Asociación Argentina de Angus se enorgullece en presentar 5525 padres Angus evaluados en los principales rasgos que influyen sobre el rendimiento y la calidad de carne, para que los criadores puedan predecir las diferencias genéticas entre ellos. Este es el resultado del esfuerzo de los criadores que entre el año 2002 y el presente Resumen de Padres midieron por ultrasonido 110.480 reproductores (**Figura XXIX**). En este sentido, cabe destacar muy especialmente que la cantidad de toros evaluados, con respecto al anterior Resumen de Padres, creció de 5194 a 5525 (**Figura XXX**). En consecuencia, de los 1710 toros padres listados en el presente Resumen, 1488 (87%) están evaluados en características que hacen al rendimiento y calidad de carne.

De este modo, el presente Resumen de Padres, como valiosa herramienta de selección genética, cada vez cobrará mayor relevancia en el mejoramiento de la raza Angus, con el consecuente beneficio para la industria de la carne.

Por tal motivo, a las cabañas interesadas en evaluar sus reproductores Angus mediante técnicas de ultrasonido, les pedimos tomar contacto con el coordinador del programa ERA, Mariano Fernández Alt (E-mail: era@ angus.org.ar), quien le informará al respecto. Por otro lado, invitamos a participar de este nuevo proceso de evaluación genómica a los técnicos, empresas e instituciones que quieran ofrecer sus servicios de medición que, como se mencionó, deben ajustarse a las pautas establecidas en el mencionado protocolo.

Las características carniceras con evaluaciones en base a DEP, para las cuales los padres Angus fueron evaluados, son las que se describen a continuación y cuyas heredabilidades y correlaciones genéticas se refieren a las obtenidas por la Iowa State University, detalladas en la **Tabla 9.**

TABLA 9. HEREDABILIDADES Y CORRELACIONES DE LAS CARACTERÍSTICAS
CARNICERAS POR ULTRASONIDO

	PM	%GI	AOB	EGD	EGC	%СМ
Peso a la Medición (PM)	0,57	-0,09	0,45	0,32	0,29	-0,23
Porcentaje de Grasa Intramuscular (%GI)	0,06	0,37	-0,05	0,20	0,17	-0,17
Área de Ojo de Bife (AOB)	0,46	-0,07	0,36	0,26	0,20	0,61
Espesor de Grasa Dorsal (EGD)	0,43	0,18	0,25	0,37	0,65	-0,44
Espesor de Grasa de Cadera (EGC)	0,43	0,17	0,23	0,55	0,41	-0,45
Porcentaje de Cortes Minoristas (%CM)	-0,27	-0,19	0,64	-0,41	-0,40	0,36

Nota: • La diagonal representa la heredabilidad de la característica.

• Por encima de la diagonal están las correlaciones genéticas.

• Por debajo de la diagonal están las correlaciones fenotípicas.

Fuente: Doyle Wilson, Iowa State University.

ESPESOR DE GRASA DORSAL (EGD)

Este DEP, expresado en milímetros y ajustado a los 18 meses, se refiere al espesor de la grasa dorsal medido entre la 12° y 13° costilla sobre el músculo Longissimus dorsi. Nuevamente, incluimos la **Figura XXXI**, la que muestra una razonable tendencia genómica positiva para espesor de grasa dorsal desde el año 2003 a 2020, mientras que la **Figura XXXII** nos ilustra el promedio y la variabilidad genética de esta importante característica.

En las **Figuras XXXIII** y **XXXIV** se pueden visualizar los promedios y distribuciones del espesor de grasa dorsal de machos y hembras, respectivamente. Hay que tener presente que los mismos están basados en el análisis de 14.173 reproductores (2018 / 2020). Esta medida es de moderada heredabilidad (0,37) y tiene una baja correlación genética (0,20) con el porcentaje de grasa intramuscular y una alta correlación genética negativa (-0,44) con el porcentaje de cortes minoristas (**Tabla 9**). Esto sugiere que:

- Con una moderada heredabilidad (0,37), podríamos seleccionar reproductores genéticamente superiores y obtener un progreso genético razonable en las próximas generaciones.
- Con una baja correlación genética (0,20), podríamos seleccionar reproductores con alto porcentaje de grasa intramuscular sin necesariamente incrementar el espesor de grasa dorsal.
- Con una alta correlación genética negativa (-0,44), podríamos seleccionar reproductores de bajo espesor de grasa dorsal y obtener un incremento paralelo del porcentaje de cortes minoristas.

ESPESOR DE GRASA DE CADERA (EGC)

Para predecir el porcentaje de cortes minoristas en animales magros, este DEP Enriquecido, expresado en milímetros y ajustado a los 18 meses, puede ser más útil que el DEP Enriquecido para espesor de grasa dorsal. Esta medida, tomada a lo largo de la cadera, es de suma importancia en sistemas pastoriles, donde algunos animales no han acumulado suficiente grasa dorsal. De acuerdo con lo mencionado para EGD, era de esperar que la **Figura XXXV** muestre también una razonable tendencia genómica positiva para espesor de grasa de cadera desde el año 2003 a 2020, mientras que la **Figura XXXVI** nos ilustra el promedio y la variabilidad genética de esta importante característica.

Las **Figuras XXXVII** y **XXXVIII** ilustran los promedios y distribuciones del espesor de grasa de cadera de machos y hembras, respectivamente. Hay que considerar que los mismos están basados en el análisis de 13.775 reproductores (2018 / 2020).

El espesor de grasa de cadera es de mediana heredabilidad (0,41) y tiene una alta correlación genética positiva (0,65) con el espesor de grasa dorsal y una mediana correlación genética negativa (-0,45) con el porcentaje de cortes minoristas (**Tabla 9**). Esto sugiere que:

• Con una mediana correlación genética negativa (-0,45), podríamos seleccionar reproductores de bajo espesor de grasa de cadera y lograr un incremento paralelo del porcentaje de cortes minoristas.

ÁREA DE OJO DE BIFE (AOB)

Este DEP, expresado en centímetros cuadrados y ajustado a los 18 meses, se refiere al área del músculo Longissimus dorsi medida entre la 12° y 13° costilla. El área de ojo de bife es un indicador de la producción de músculo en la res: cuando ella se incrementa, también lo hace el rendimiento de carne limpia. La **Figura XXXIX** indica una sostenida y marcada tendencia genómica positiva desde 2003 a 2020, mientras que la **Figura XL** ilustra el promedio y la variabilidad genética de esta importante característica.

En las **Figuras XLI** y **XLII** se muestran los promedios y distribuciones del área de ojo de bife de machos y hembras, respectivamente. Cabe señalar que los mismos están basados en el análisis de 14.172 reproductores (2018 / 2020).

Esta medida es de mediana heredabilidad (0,36) y tiene una alta correlación genética positiva (0,61) con el porcentaje de cortes minoristas (**Tabla 9**). Esto sugiere que:

• Con una alta correlación genética positiva (0,61), podríamos seleccionar reproductores de mayor área de ojo de bife y conseguir un incremento paralelo del porcentaje de cortes minoristas.

PORCENTAJE DE GRASA INTRAMUSCULAR (%GI)

Este DEP Enriquecido, expresado en porcentaje y ajustado a los 18 meses, está basado en la medición por ultrasonido del % de grasa intramuscular (también conocida como veteado) que hay en la superficie del músculo Longissimus dorsi, entre la 12º y 13º costilla. Los ecografistas toman cuatro imágenes, cuyos valores son promediados para obtener uno final.

En el porcentaje de grasa intramuscular no se observan cambios en su tendencia genómica (**Figura XLIII**), pues la misma ha sido errática con sus valores muy próximos a cero, desde el año 2003 a 2019. Varios pueden ser los motivos, pero sin duda, nuestro actual sistema de tipificación de carnes paga sólo por rendimiento, es decir por las características de la carne asociadas a cantidad. El mismo no tiene ningún estímulo de pago para una de las características más importantes que hace a la calidad de la carne, como es el % de grasa intramuscular (veteado), que está asociado al gusto o sabor, jugosidad y, en algún grado, a la terneza de la carne. El sistema estadounidense de tipificación paga por una combinación de ponderaciones asociadas al rendimiento (yield grade) y a la calidad (quality grade), dando premios y castigos económicos. Esto impulsó en dicho país y en Australia la selección por grasa intramuscular, especialmente por la demanda de los mercados asiáticos de exportación. En dichos países la tendencia genómica es positiva.

La **Figura XLIV** ilustra el promedio y la variabilidad genética de esta importante característica.

En las **Figuras XLV** y **XLVI** se muestran los promedios y distribuciones del porcentaje de grasa intramuscular de machos y hembras, respectivamente. Corresponde mencionar que los mismos están basados en el análisis de 14.569 reproductores (2018 / 2020).

Esta medida es de mediana heredabilidad (0,37) y tiene una baja correlación genética (0,20) con el espesor de grasa dorsal (**Tabla 9**). Esto sugiere que:

• Con una baja correlación genética (0,20), podríamos seleccionar reproductores con alto porcentaje de grasa intramuscular sin necesariamente incrementar el espesor de grasa dorsal.

PORCENTAJE DE CORTES MINORISTAS (%CM)

El porcentaje de cortes minoristas es un DEP compuesto que combina, principalmente, información del peso al momento de la medición ecográfica (PM),



el área de ojo de bife (AOB) y el espesor de grasa dorsal (EGD). Predice la diferencia en kilos de cortes minoristas que daría, en promedio, la progenie de un toro padre particular, con respecto a otro.

Esta medida (%CM) es de mediana heredabilidad (0,36) y tiene una alta y positiva correlación genética con el área de ojo de bife (0,61) y una negativa correlación genética con el espesor de grasa dorsal (-0,44) (**Tabla 9**). Esto sugiere que:

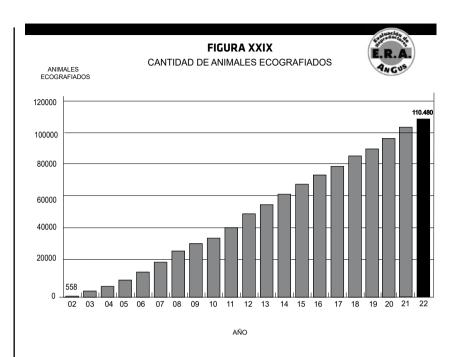
- Con una alta correlación genética positiva (0,61), podríamos seleccionar reproductores de mayor área de ojo de bife y conseguir un incremento paralelo del porcentaje de cortes minoristas.
- Con una alta correlación genética negativa (-0,44), podríamos seleccionar reproductores de bajo espesor de grasa dorsal y obtener un incremento paralelo del porcentaje de cortes minoristas.

PROMEDIOS DE LAS CARACTERÍSTICAS DE RENDIMIENTO Y CALIDAD CARNICERA

A través de la siguiente **Tabla 10** nos parece importante ilustrar la buena complementación que se da entre los criadores de PP y PC, pues los mismos suministran permanentemente con reproductores a los productores comerciales, a los fines de maximizar no sólo los kilos de carne/hectárea/año, sino también el rendimiento y la calidad del producto final, es decir la carne. Dicha **Tabla 10** contiene los promedios de las principales características carniceras de interés económico, tanto para PP como para PC y para el período 2018 / 2020.

TABLA 10. PROMEDIOS DE LAS CARACTERÍSTICAS DE RENDIMIENTO Y CALIDAD CARNICERA
AÑOS 2018/2020

Característica		Puro de .	Pedigree		Puro Controlado						
	MACI	HOS	НЕМЕ	BRAS	MACI	HOS	HEMBRAS				
	Nº Crías	Prom.	Nº Crías	Prom.	Nº Crías	Prom.	Nº Crías	Prom.			
• EGD (mm)	5.317	3.6	4.158	4.7	2.896	2.2	1.802	2.5			
• EGC (mm)	5.315	5.2	4.155	6.2	2.502	3.4	1.803	3.9			
• GI (%)	5.587	3.0	4.417	3.2	2.712	3.0	1.853	2.9			
• AOB (cm²)	5.317	71.9	4.158	62.8	2.896	67.0	1.801	53.5			



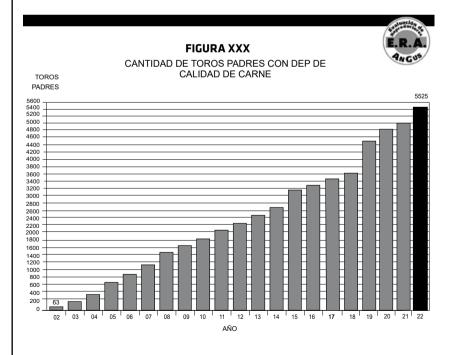


FIGURA XXXI TENDENCIA GENOMICA ESPESOR DE GRASA DORSAL



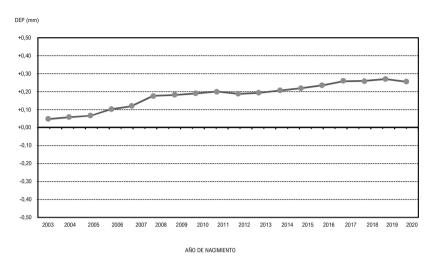


FIGURA XXXIII

DISTRIBUCION DEL ESPESOR DE GRASA DORSAL*



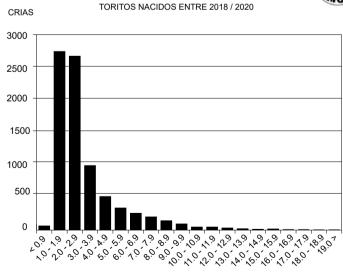


FIGURA XXXII



DISTRIBUCION DE DEP DE ESPESOR DE GRASA DORSAL

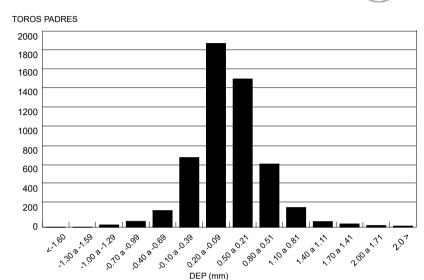
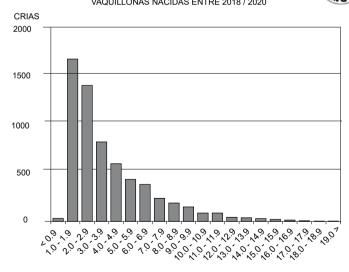


FIGURA XXXIV



DISTRIBUCION DEL ESPESOR DE GRASA DORSAL* VAQUILLONAS NACIDAS ENTRE 2018 / 2020



- Espesor de Grasa Dorsal Ajustada a 550 Días

mm

- Espesor de Grasa Dorsal Ajustada a 550 Días



FIGURA XXXV TENDENCIA GENOMICA ESPESOR DE GRASA DE CADERA



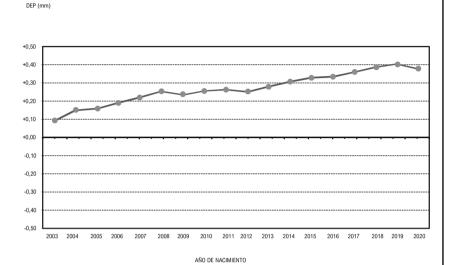


FIGURA XXXVII DISTRIBUCION DEL ESPESOR DE GRASA DE CADERA* **CRIAS** TORITOS NACIDOS ENTRE 2018 / 2020 2500 2000 1500 1000 500 - Espesor de Grasa de Cadera Ajustada a 550 Días mm

FIGURA XXXVI



DISTRIBUCION DEL DEP DE ESPESOR DE GRASA DORSAL

TOROS PADRES

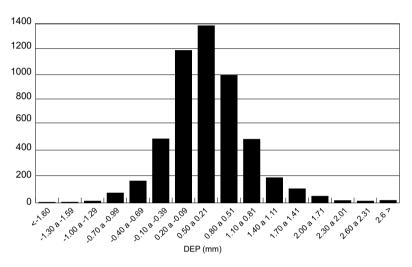
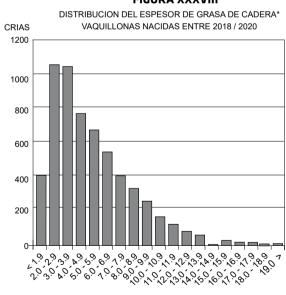
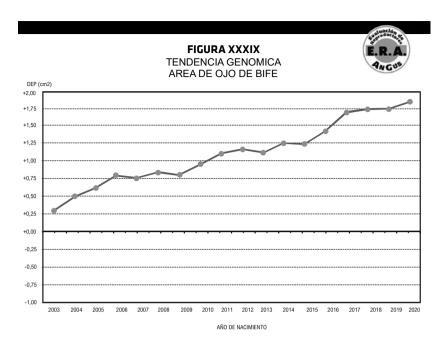
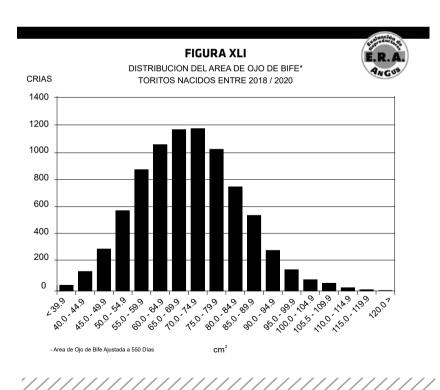


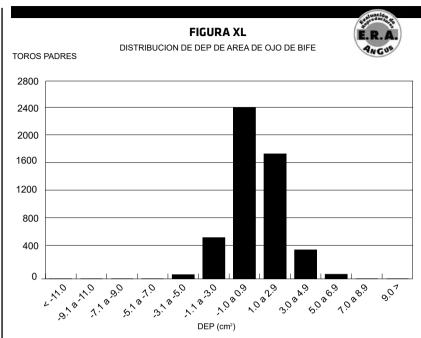
FIGURA XXXVIII











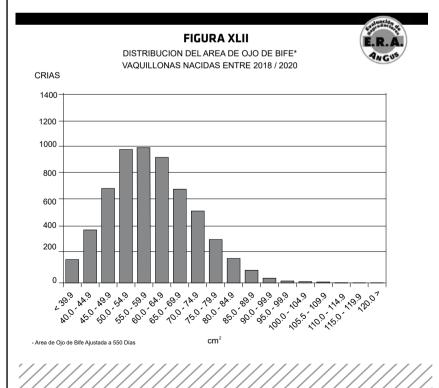
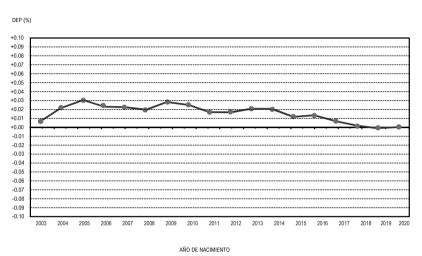
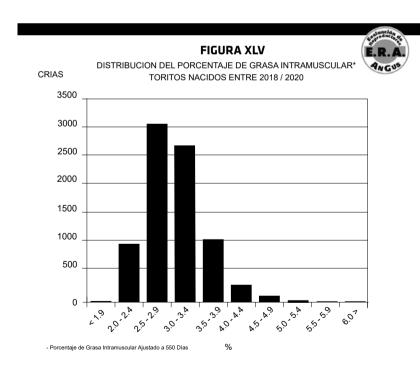




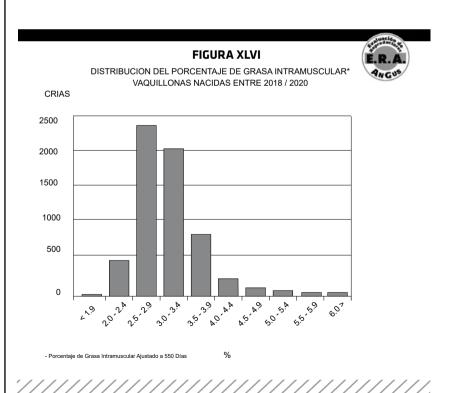
FIGURA XLIII TENDENCIA GENOMICA PORCENTAJE DE GRASA INTRAMUSCULAR







TOROS PADRES DISTRIBUCION DE DEP DE GRASA INTRAMUSCULAR 2500 2000 1500 500 DEP (%)



16. ECOGRAFISTAS CERTIFICADOS PARA TOMA DE IMÁGENES A CAMPO

A continuación, se listan los actuales ecografistas certificados por la Asociación Argentina de Angus para la toma de imágenes a campo de las características de interés económico en rendimiento y calidad de carne (EGD, EGC, AOB y %GI).

- **1.** AMUCHÁSTEGUI, Federico L. (Corrientes, Corrientes)
- 2. BENTANCUR, Hernando (Durazno, Uruguay)
- 3. BERRUETA, Mauro J. (Darregueira, Buenos Aires)
- 4. BONAMY, Martín (La Plata, Buenos Aires)
- **5.** CARUSO, Lorena M. (Córdoba, Córdoba)
- 6. CURUTCHET, Agustín (Marcos Paz, Buenos Aires)
- 7. DE DOMINICIS, Omar H. (Azul, Buenos Aires)
- 8. DRUILLET, Gessy (Montevideo, Uruguay)
- **9.** ESPONDE, Pedro (Mercedes, Corrientes)
- 10. EUGSTER, Marcela (Colonia, Uruguay)
- **11.** FERNÁNDEZ, Miguel A. (Tres Arroyos, Buenos Aires)
- 12. FERRARIO, Jorge D. (Tres Arroyos, Buenos Aires)
- 13. FORGUE, Pedro (Bahía Blanca, Buenos Aires)
- **14.** GALEANO, Christian (Asunción, Paraguay)
- **15.** GARCILAZO, María Gabriela (Viedma, Río Negro)
- **16.** GONZÁLEZ, Diego M. (Trelew, Chubut)
- **17.** GONZÁLEZ PINO, Ismar C. (Colonia, Uruguay)
- **18.** HERNÁNDEZ, Luciana M. (Darregueira, Buenos Aires)
- 19. MADERO, Sebastián (Tandil, Buenos Aires)
- **20.** MARRODÁN, Fernando L. (S.A. de Areco, Buenos Aires)
- **21.** MENDI, José M. (Rojas, Buenos Aires)
- 22. NOVARO HUEYO, Enrique (Monte, Buenos Aires)
- 23. PICCIRILLO, Daniel A. (Saavedra, Buenos Aires)
- **24.** POLERO, Gustavo S. (25 de Mayo, Buenos Aires)
- 25. SCENNA, Silvana G. (La Plata, Buenos Aires)
- **26.** TEGLI, Julio C. (Córdoba, Córdoba)
- **27.** VEIGA, Pablo R. (Balcarce, Buenos Aires)
- **28.** ZAMIT DUARTE, Wilfredo S. (Tacuarembó, Uruguay)

De los 28 ecografistas mencionados, los criadores cuentan con los siguientes profesionales certificados y habilitados por esta Asociación, que brindan el servicio a terceros de toma de imágenes a campo, de acuerdo con las normas fijadas por el "Protocolo de Procedimientos de Recolección de Datos Ecográficos de Rendimiento y Calidad de Carne", elaborado por nuestra entidad, en el marco del programa ERA. Antes de contratar a alguno de ellos, le pedimos comunicarse con el coordinador del ERA, quien le explicará los aspectos que hacen a este servicio.

EN EL PAÍS

Corrientes

AMUCHÁSTEGUI, Federico L. 0379-15-4632805 fedeao@hotmail.com

ESPONDE, Pedro / Mercedes 03773-422103/ 03773-15-493169 pedroesponde@gmail.com

Buenos Aires

BERRUETA, Mauro J. /Darregueira 02924-420307 / 02923-15-421784 ciiado@darregueira.com.ar

BONAMY, *Martín / La Plata* 02345-15-689444 *mcbonamy@gmail.com*

DE DOMINICIS, Omar H. /Azul 02281-15-654509 dedominicisvete@gmail.com

FERNÁNDEZ, Miguel A. /Tres Arroyos 02983-431246 / 02983-15-645667 cidv@3net.com.ar

FERRARIO, Jorge D. /A. González Chaves 02983-15-522076 jorgeferrario@me.com

FORGUE, Pedro /Bahía Blanca 0291-4518414 / 0291-15-6412103 pedroforgue@yahoo.com.ar

HERNÁNDEZ, Luciana M. /Darregueira 02924-420307 / 02923-15-408808 ciiado@darregueira.com.ar

MADERO, Sebastián/ Tandil 0249-15-4589728 sebastian.madero@gmail.com MARRODÁN, Fernando L. /S.A. de Areco 02325-15-681613 flmarrodan@gmail.com

MENDI, José M. /Rojas 02474-15-687804 martinmendi03@hotmail.com

PICCIRILLO, Daniel A. /Saavedra 02923-497321 / 02923-15-572038 danielpiccirillo@hotmail.com

POLERO, Gustavo /25 de Mayo 02342-15-463262 tatopolero@hotmail.com

SCENNA, Silvana G. / La Plata 0221-4218570 / 02241-15-411066 silvanascenna@gmail.com

Córdoba

CARUSO, Lorena M. / Córdoba 0351-15-5106649 lorecaruso@hotmail.com

TEGLI, Julio C. / Córdoba 0351-15-5303162 juliotegli@gmail.com

EN EL EXTERIOR

Uruguay

BETANCUR, Hernando /Durazno hernandobentancur@adinet.com.uy

DRUILLET, Gessy /Montevideo gessydruillet@gmail.com

EUGSTER, Marcela /Colonia meugsterp16@adinet.com.uy

GONZALEZ PINO, *Ismar C. /Colonia igonzalez@inia.org.uy*

ZAMIT DUARTE, Wilfredo S. /Tacuarembo szamit@tb.inia.org.uy



17. INTERPRETADORES CERTIFICADOS DEL CIIE

Los siguientes profesionales, que se desempeñan en el CIIE (Centro de Interpretación de Imágenes Ecográficas), con sede en la Unidad de Genética

Animal del Instituto de Genética del INTA Castelar, se han certificado y recertificado en la UGC (Ultrasound Guidelines Council) como técnicos de laboratorio para interpretar las imágenes enviadas por los mencionados ecografistas habilitados.

- 1. Baluk, María Inés
- 2. Ellinger, Andrés

18. CÓMO INTERPRETAR ESTE RESUMEN DE PADRES ANGUS

DEP ENRIQUECIDOS POR EVALUACIÓN GENÓMICA

1		2-3	4-5	6 7	7-8-9-	10 11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22
		НВА	Crs	Cr/Pr	Gest.	Nacer	Dest.	Leche	Docilidad	Final	C.E.	Altura	E.G.D.	E.G.C.	A.O.B.	% G.I.	% C.M.
No	mbre				DEP	DEP	DEP	DEP	DEP	DEP	DEP	DEP	DEP	DEP	DEP	DEP	DEP
		Año	Rds	PROP	Prec	Prec	Prec	Prec	Prec	Prec	Prec	Prec	Prec	Prec		Prec	Prec
					perc	perc	perc	perc	perc	perc	perc	perc	perc	perc	perc	perc	perc
To	ro A	xxx.xxx	8660	xxx	-0.5	-0.2	+5.4	+1.8	+13.0	+12.9	+1.0	+1.2	+0.5	+0.9	+3.4	-0.2	0.0
		1998	164	xxx	0.99	0.99	0.99	0.99	0.32	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99	0.99
					30%	30%	60%	30%	15%	75%	50%	65%	85%	90%	4%	100%	45%
To	ro B	xxx.xxx	87	xxx	-0.7	+0.6	+11.1	+3.4	+3.0	+30.8	+1.5	+3.5	-0.2	+0.1	+1.6	+0.1	+0.9
		2009	8	xxx	0.79	0.93	0.91	0.77	0.26	0.81	0.88	0.92	0.86	0.87	0.85	0.86	0.85
					25%	75%	15%	15%	35%	20%	20%	2%	10%	40%	25%	5%	4%

- **1. Nombre** Los toros están listados en orden alfabético de acuerdo con los nombres con que están inscriptos en el registro genealógico de la raza. Además, figura el nombre del padre (P) y de la madre (M).
- **2. HBA** Para los toros PP figura el HBA: número de registro oficial fiscalizado por la Sociedad Rural Argentina.
- **3. Año** Es el año de nacimiento del padre listado.
- **4. Crs** Es el número de crías (PP y/o PC) cuyos registros de performance han sido analizados para evaluar el toro listado. Este número es orientativo, pues no todas las características evaluadas en dicho toro padre se basan en ese número de crías. Por ejemplo, no todos los establecimientos pesan la misma cantidad de animales al nacer que al destete. Y esto también puede ser válido para las demás características evaluadas. Por lo tanto, hay menos crías en las características que se van agregando al Resumen de Padres, como por ejemplo en las de calidad de carne (datos ecográficos).
- **5. Rds** Nos indica el número de rodeos (establecimientos) en los que un toro padre dejó progenies.

- **6. Cr/Pr** Es el código de Criador/Propietario que la Sociedad Rural Argentina les adjudica a los mismos.
- **7. DEP** Los DEP Enriquecidos por evaluación genómica (diferencia esperada entre progenies, enriquecidos por la evaluación genómica ADN) predicen cómo se comportará la futura progenie de los toros listados en cada una de las características de producción evaluadas. Los DEP Enriquecidos pueden ser positivos (+), negativos (-) o cero (0), y están expresados en la unidad de medida correspondiente a cada característica: kilos si es peso al nacer, o centímetros si es circunferencia escrotal, por ejemplo.
- **8. Prec** La Prec (Precisión) indica el grado de confiabilidad que se puede tener en el DEP que acompaña. Una Prec cercana a 1 (uno) indica alta confiabilidad, mientras que cercana a 0 (cero), baja confiabilidad. Si un toro padre no deja progenies en 3 o más establecimientos (Rod.), su Prec es restringida a 0.85, como máximo; esto es válido para cualquier característica evaluada.
- **9. Perc** Los Perc (Percentiles) indican la ubicación del toro padre, de acuerdo con el DEP de la característica evaluada, en la correspondiente **Tabla de Percentiles** (**Tabla 2a**), basadas en las pariciones de 2018 y 2020 ("current sires"), con el propósito que los criadores y productores comerciales puedan interpretar de manera más precisa su distribución y ubicación relativa.

- **10. Gest** El largo de gestación (Gest.) representa la cantidad de días entre la concepción y el nacimiento. Este DEP Enriquecido predice la diferencia en días (en más o en menos) en el largo de gestación que tendrá la progenie de un toro padre en particular, con respecto otro. Trabajos de investigación indican que hembras con intervalos de gestación más cortos tienen más tiempo para reponerse y mejoran su eficiencia reproductiva. A su vez, menores largos de gestación están asociados a más bajos pesos al nacer y tienden a tener menores dificultades al parto.
- **11. Nacer** Este DEP Enriquecido, expresado en kilos, predice la capacidad que tiene el toro considerado para transmitir peso al nacer a su progenie. En el ejemplo se espera que las crías del Toro A pesen, en promedio, 0.8 kilos menos que las del Toro B (+0.6 menos -0.2 = 0.8). El peso al nacer es un indicador de la facilidad de parto; DEP Enriquecidos más altos indican, generalmente, mayores problemas de parto (distocia).
- **12. Dest** Este DEP Enriquecido, expresado en kilos, predice la capacidad que tiene el toro considerado para transmitir crecimiento al destete a su progenie. Todos los pesos al destete analizados fueron ajustados a los 205 días, por edad de la madre y por su grupo contemporáneo. En el ejemplo se espera que la progenie del Toro A pese, en promedio, 5.7 kilos menos que la del Toro B (+11.1 menos +5.4 = 5.7).
- **13. Leche** Este DEP Enriquecido indica la aptitud lechera que transmite un toro a sus hijas, medida a través del peso al destete de sus nietos. En el ejemplo, las hijas del Toro B brindan una cantidad extra de leche que les permite destetar crías con 1.6 kilos más, en promedio, que las nacidas del Toro A (+3.4 menos + 1.8 = 1.6). Es importante destacar, asimismo, que cada hija también transmite a sus descendientes, juntamente con esos genes para leche, los genes para crecimiento provenientes de su padre.
- **14. Docilidad** Este es un DEP Clásico, que indica el temperamento que transmite un toro a sus crías. Este DEP se expresa en porcentaje (%): un valor mayor es considerado más favorable, es decir más dócil, en términos de temperamento. En el ejemplo podemos ver que hay un 10% de diferencia entre el DEP del toro A y del toro B. Esto significa que, en promedio, si ambos toros son apareados con hembras comparables, cabe esperar que 10 crías más del toro A, serán de temperamento más dócil, en comparación con las crías del toro B. Para más información, ver **Apéndice E**.
- **15. Final** Este DEP Enriquecido, expresado en kilos, predice la capacidad que tiene el toro considerado para transmitir crecimiento a sus crías, medido como peso a los 18 meses. En el ejemplo, la progenie del Toro B pesará, en promedio, al año y medio de edad, 17.9 kilos más que la del Toro A (+30.8 menos + 12.9 = 17.9).

- **16. C.E.** Este DEP Enriquecido, expresado en centímetros y ajustado a los 18 meses, predice la capacidad del toro para transmitir esta característica a su progenie. Nuestro ejemplo indica que los hijos del Toro B tendrán, en promedio, a los 18 meses de edad, 0.5 cm más de circunferencia escrotal que los del Toro A (+1.5 menos +1.0 = 0.5). Recuerde que la circunferencia escrotal está relacionada a la fertilidad, ya que está asociada con la cantidad de semen producido por el toro y con la edad a la que sus crías ingresan a la pubertad (precocidad sexual); DEP Enriquecidos mayores significa que la progenie alcanzará más temprano su madurez sexual.
- **17. Altura** Este DEP Enriquecido, expresado en centímetros y ajustado a los 18 meses, es muy importante cuando tenga que seleccionar, por ejemplo, entre dos toros con igual DEP Enriquecido de peso final, a los fines de evitar incrementar el tamaño corporal más allá de lo deseado. Seleccione toros padres adecuados a su plantel de vientres y sistema de producción.
- **18. E.G.D.** Este DEP Enriquecido, expresado en milímetros y ajustado a los 18 meses, predice la capacidad del toro para transmitir mayor o menor espesor de grasa dorsal (EGD) a su progenie, dependiendo si su valor es positivo o negativo, respectivamente *.
- **19. E.G.C**. Este DEP Enriquecido, expresado en milímetros y ajustado a los 18 meses, predice la capacidad del toro para transmitir mayor o menor espesor de grasa de cadera (EGC) a su progenie, dependiendo si su valor es positivo o negativo, respectivamente *.
- **20. A.O.B.** Este DEP Enriquecido, expresado en centímetros cuadrados y ajustado a los 18 meses, predice la capacidad del toro para transmitir mayor o menor área de ojo de bife (AOB) a su progenie, dependiendo si su valor es positivo o negativo, respectivamente *.
- **21. %G.I.** Este DEP Enriquecido, expresado en porcentaje y ajustado a los 18 meses, predice la capacidad del toro para transmitir mayor o menor porcentaje de grasa intramuscular (%GI) a su progenie, dependiendo si su valor es positivo o negativo, respectivamente *.
- **22. %C.M.** El porcentaje de cortes minoristas (%CM) es un DEP Enriquecido compuesto que combina, principalmente, información del peso al momento de la medición ecográfica (PM), el área de ojo de bife (AOB) y el espesor de grasa dorsal (EGD). Predice la diferencia en kilos de cortes minoristas que daría, en promedio, la progenie de un toro padre en particular, con respecto a otro *.
- * Más información encontrará en el capítulo "Características Carniceras por Ultrasonido", mientras que su uso es idéntico al de los DEP Enriquecidos descriptos.